## 实验要求:

使用 pytorch 或者 tensorflow 的相关神经网络库,编写图卷积神经网络模型(GCN),并在相应的图结构数据集上完成节点分类和链路预测任务,最后分析自环、层数、DropEdge、PairNorm、激活函数等因素对模型的分类和预测性能的影响。

## 实验步骤

- 1. **网络框架**:要求选择 pytorch 或 tensorflow 其中之一,依据官方网站的指引安装包。本次实验继续推荐大家安装 GPU 版本。如果你没有 GPU 机器,可考虑使用一些云资源,例如 Google Colab。
- 2. **数据准备**:本次实验使用的数据包含三个常用的图结构数据集:Cora、Citeseer、PPI。 下面分别进行介绍。
  - (1) Cora: 该数据集是由 2708 篇机器学习论文作为节点、论文间引用关系作为有向 边 构 成 的 图 数 据 。 具 体 的 数 据 描 述 见 https://relational.fit.cvut.cz/dataset/CORA 。数据集下载链接 https://linqs-data.soe.ucsc.edu/public/lbc/cora.tgz 。另外,提供一个数据处理范例链接https://graphsandnetworks.com/the-cora-dataset/。请同学们仔细阅读相关材料,了解文件的具体结构和数据格式。
  - (2) Citeseer: 该数据集是由 3312 篇论文及相互引用构成的图数据集。数据集下载链接 <a href="https://linqs-data.soe.ucsc.edu/public/lbc/citeseer.tgz">https://linqs-data.soe.ucsc.edu/public/lbc/citeseer.tgz</a>。文件的结构和数据格式与 Cora 类似。
  - (3) PPI: PPI 网络是蛋白质相互作用 (Protein-Protein Interaction, PPI) 网络的简称, 数描述可参考链接 <a href="https://blog.csdn.net/ziqingnian/article/details/112979175">https://blog.csdn.net/ziqingnian/article/details/112979175</a>。 数据集下载链接 <a href="http://snap.stanford.edu/graphsage/ppi.zip">http://snap.stanford.edu/graphsage/ppi.zip</a>。
- 3. **数据预处理**: 你需要通过 pytorch 或 tensorflow 所提供的标准数据接口,将原始数据处理为方便模型训练脚本所使用的数据结构,如 torch.utils.data.Dataset 等。由于这三个数据集是非常常见的公开数据集,你可以参考一些公开代码片段,尤其是 github 上典型的GCN 教程级实现或相关论文的源码。
- 4. **图网络模型**: 搭建 GCN 模型,这一步可以参考网络上公开的源码,但不能直接使用封装过的库。
- 5. **节点分类**: 在三个数据集上按照节点分类任务的需求自行划分训练集、验证集、测试集, 并用搭建好的 GCN 模型进行节点分类。
- 6. **链路预测**: 在三个数据集上按照链路预测任务的需求自行划分训练集、验证集、测试集, 并用搭建好的 GCN 模型进行链路预测。
- 7. **测试性能**:选择你认为最合适的(例如,在验证集上表现最好的)一组超参数,重新训练模型,并在测试集上测试(注意,这理应是你的实验中**唯一**一次在测试集上的测试),并记录测试的结果。

## 实验提交

本次实验截止日期为 2023 年 2 月 19 日 23:59:59, 需在 bb 系统提交代码源文件及实验报告,具体要求如下:

- 1. 全部文件打包在一个压缩包内,压缩包命名为【学号】-姓名-作业 4.zip
- 2. 代码仅包含.py 文件,请勿包含数据集和实验中间结果(例如中间保存的模型等),如果有多个文件,放在 src/文件夹内
- 3. 实验报告要求 pdf 格式,要求包含姓名、学号,内容包括简要的**实验过程**和关键代码展示,对数据集的**处理设置**超参数的**实验分析**以及测试集上的**实验结果**。