

廖鎭磐 <andrew.43@gmail.com> 東海大學生命科學系

2015年台灣生態研究網年會

2015年3月14日於蓮華池研究中心



© 2015 廖鎭磐 (Chen-Pan Liao)。本文件採用姓名標示-相同方式分 cc (享 4.0 國際授權 (CC BY-SA 4.0), 歡迎下載本投影片及練習資料檔 案。² 以 Adobe Reader 開啓本 PDF 亦可取得練習資料檔案附件。

大綱

- R簡介與操作環境
- R的函數

資料的讀取與整理

統計分析與繪圖

學習心得與討論資源

試練窟

大綱

R簡介與操作環境

 $^{^{1}}http://creative commons.org/licenses/by-sa/4.0/deed.zh_TW_{o}$

http://goo.gl/foAeaq

今天主題 ……

目標

- 不怕害使用 R 這類以文字指令進行的工作方式。
- 如何自己救自己。
- 如何請別人救自己。
- 實作一些常見的統計分析與繪圖。

預設聽衆

- 修過至少3學分的統計學。
- 從沒使用過 R 或其它統計軟體。
- 從沒學過任何程式語言。

R的特色? 為什麼我選擇 R?

5

- 自由、趸費、跨平台。
- 是一種「程式語言」,像 Python、Perl、JAVA 等。
- 是一種「統計工具」,像 SAS、SPSS 等。
- 強大的視覺化工具, 畫專業的圖, 但需要經驗。
- 套件豐富,不同自己重新寫程式。

6

安裝R語言

- 1. 到達 http://www.r-project.org/
- 2. 點選 Download, Packages (CRAN)
- 3. 選擇作業平台



選用適當的R程式編輯器

- 建議以純文字編輯器撰寫 R 程式碼,並儲存成「.R」 檔。
- •「語法多色支援」、「語法提示」、「即時執行」等功能, 增加撰寫效率。

```
a <- c(1,2,3); b <- "Hello, world!"
```

RStudio 目前最流行的 IDE,跨平台。

Tinn-R 老字號的 R IED。4

Notepad++ 老字號的純文字編輯器,有和 R 相配合的外 掛 NppToR。5

初次見面: R是計算機

> m < -c(3, 6, 4)> n = c(1, 2, 3)[1] 44.4 > a > m + n > 4 ^ 2 [1] 1 [1] 4 8 7 [1] 16 > 1 -> b > m - n > sqrt(100) > b [1] 2 4 1 [1] 1 > m * n [1] 10 > 100 ^ 0.5 > a + b [1] 3 12 12 [1] 10 [1] 2 > m / n [1] 3.000 3.000 1.333

大綱

R簡介與操作環境

R的函數

資料的讀取與整理

統計分析組繪圖

學習心得與討論資源

試練窟

_

http://www.rstudio.com/

http://sourceforge.net/projects/tinn-r/

⁵http://notepad-plus-plus.org/

什麼是程式語言的函數 (function)

- 程式語言的函數提供一個特定的功能,可以輸入引數 (輸入值)並取得回傳值(輸出值)。
- 操作 R 的過程, 幾乎就是使用各種 function 的過程。

使用某函數的語法通則

函數名(第一引數名 = 某值, 第二引數名 = 某值, ...)

- 試試看 seq(from = 0, to = 9) 的回傳值是什麼?
- 用中文說明上面的程式:「在 seq() 這個 function 中, 第一個引數名為 from,表示起始值,其值為 0; 第二 個引數名為 to,表示終點值,其值是 9。」

函數的使用手冊

- 觀看某個函數的使用手冊: ?函數名。
- 請看看?seq。
- 使用手冊中都有以下資訊:

Description 函數的功能。

Usage 基本語法,包括了引數的順序和預設值。

Arguments 引數的細節。

Details 函數的詳細内容。

Value 回傳值的内容。

See Also 其它相關的函數。

Examples 使用範例。

引數的預設值

seq() 的基本語法

seq(from = 1, to = 1, ...)

- 在使用手冊中可以看出: 第一個引數 from 的預設值是 1。 第一個引數 to 的預設值是 1。
- 使用者未定義時採用的值,就是預設值。
- 方便快速使用。
- 例如:

seq(from = 10) 和 seq(from = 10, to = 1) 是相等的。

引數的順序

seq() 的基本語法

```
seq(from = 1, to = 1, ...)
```

- 當明確指定引數名時,引數的順序無所謂。例如:
 - seq(from = 0, to = 9) 和

- 當引數的順序與該函數要求的順序相同時,可以省略 引數名。例如:
 - seq(from = 0, to = 9) 可以省略為 seq(0, 9) 的形式。

引數的綜合練習

seq() 的基本語法

seq(from = 1, to = 1, ...)

試回答下列程式的回傳值為何?

- seq(from = 3, to = 1)
- seq(3, to = 1)
- seq(from = 3, 1)
- seq(3, 1)
- seq(to = 1, from = 3)

Q&A的時間又到囉

- Q 成千上萬的函數哪學得完?
- A 不用學完! 沒人學得完! 學常用的就好。
- Q函數的使用手冊看不懂耶。
- A 我也常看不懂。儘量看,多嘗試,特別是 Example 部份。
- Q 如何找能做某件事的函數?
- A 請 Google 大神幫你找最快。真的。

大綱

資料的讀取與整理

轉存 Excel 檔案成 CSV 檔案

1. 至 http://goo.gl/foAeaq 以下載檔案:

exam.xlsx 例範資料 text.xlsx 練習資料

- 2. 在 C disk 下創建一個 LearnR2015 資料夾。6
- 3. 以 Excel 開啓 exam.xlsx, 注意第一列必須是變數名 稱。
- 4. 另存新檔 → 檔名為「exam」, 類型為「CSV」, 一樣 儲存在 C:/LearnR2015 中。

⁶Unix-like 電腦可放置於家目錄下的 LearnR2015 資料夾。

在R中讀取CSV資料檔案

- 1. getwd() 顯示目前 R 所在的路徑。
- 2. setwd("C:/LearnR2015") 到達該資料夾。7
- 3. dt <- read.csv("exam.csv") 或

dt <- read.csv("C:/LearnR2015/exam.csv") 或 dt <- read.csv(file.choose()) 以讀取該檔成為

一個資料框 (data frame), 並取名為 dt。

⁷Unix-like 電腦可輸入 setwd("~/LearnR2015")

提取特定變數 (欄)

dt 的結果是什麼?

> dt

```
ID Gender Group Literature Science
1 23 m A 36 63
...
```

如何取得 Science 變數? 直接輸入 Science 是不行的,因為它是在 dt 裡的變數。

- dt\$Science 意思是「dt 裡的 Science 變數」
- dt[, 5] 意思是「dt 裡的第5 欄變數」
- attach(dt) 可使 dt 的所有變數傳至表層。

提取特定重覆數 (列)

- dt[3 ,] 取得 dt 裡的第3列資料
- dt[c(3, 6),]取得 dt 裡的第3及第6列資料
- subset(dt, Gender == "m") 取得 Gender 是 m 的資料。
- subset(dt, Science >= 60)
 取得 Science 大於等於 60 的資料。

O&A的時間又到囉

- Q 可否直接讀取 xlsx 檔?
- A 可以! 請日後自行研究 xlsx 這個套件。
- Q 中文資料怎麼辦?
- A 資料中有中文可能是件麻煩事,都可以解決,但初學者還是避免比較方便。
- Q 可不可以資料排序?
- A 可以! 請日後自行研究 order() 和 sort()。

大綱

統計分析與繪圖

描述性統計

常見的描述性統計函數

length(變數) #個數 mean(變數) #平均數 sd(變數) #標準偏差 quantile(變數) #百分位數

- > mean(dt\$Science)
- > sd(dt\$Literature)

[1] 70.77778 [1] 19.74209

分組之描述性統計

如果要求各組的描述性統計呢?使用 tapply()。

tapply() 的基本語法

tapply(變數,分組因子,運算函數,...)

例如,要計算 Science 在不同 Gender 内的平均數:

> tapply(dt\$Science, dt\$Gender, mean)

或是用subset() 切出子集,例如

- > mean(subset(dt, Gender == "m")\$Science) > mean(subset(dt, Gender == "f")\$Science)
- [1] 78.75 [1] 64.4

64.40 78.75

單樣本 7 檢驗1

目標:檢驗 Science 的平均是否為 60。

t.test() 的基本語法

```
t.test(資料, alternative = "t" 或 "l" 或 "g", mu = 假說平均數, ...)
```

> # 雙尾:

- > t.test(dt\$Science, alternative = "t", mu = 60)
- > # 右單尾:
- > t.test(dt\$Science, alternative = "g", mu = 60)
- > # 左單尾:
- > t.test(dt\$Science, alternative = "l", mu = 60)

單樣本T檢驗॥

> t.test(dt\$Science, mu = 60)

```
One Sample t-test

data: dt$Science
t = 1.5393, df = 8, p-value = 0.1623
alternative hypothesis: true mean is not equal to 60
95 percent confidence interval:
54.63219 86.92336
sample estimates:
mean of x
70.77778
```

成對樣本 7 檢驗 1

目標: 檢驗 Literature 和 Science 差之平均是否為 0。

t.test() 的基本語法

t.test(資料1, 資料2, alternative = "t" 或 "l" 或 "g", mu = 假說中配對差的平均數, pair = T, ...)

- > # 預設雙尾; 預設平均差為零
- > t.test(dt\$Literature, dt\$Science, pair = T)

成對樣本 7 檢驗 ॥

> t.test(dt\$Literature, dt\$Science, pair = T)

```
Paired t-test

data: dt$Literature and dt$Science
t = -4.2126, df = 8, p-value = 0.002945
alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0
95 percent confidence interval:
-17.193365 -5.028857
sample estimates:
mean of the differences
-11.11111
```

獨立雙樣本 7 檢驗 1

目標: 檢驗二種 Gender 的 Literature 之平均是否相等。

```
t.test() 的基本語法
```

```
t.test(資料一,資料二, mu = 假說中平均數的差,
alternative = "t" 或 "l" 或 "g",
var.equal = T 或 F, ...)
t.test(應變數 ~ 三類類別因子,
data = 資料框, ...)
```

```
> t.test(subset(dt, Gender == "m")$Literature,
+ subset(dt, Gender == "f")$Literature,
+ var.equal = T)
> t.test(Literature ~ Gender, data = dt, var.equal = T)
```

獨立雙樣本 7 檢驗 ॥

> t.test(Literature ~ Gender, data = dt, var.equal = T)

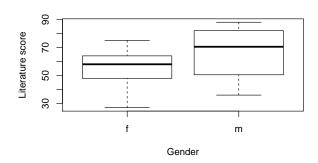
20

盒形圖

boxplot() 的基本語法

boxplot(應變數 ~ 類別因子, data = 資料框, ...)

> boxplot(Literature ~ Gender, data = dt,
+ ylab = "Literature score", xlab = "Gender")



單因子變異數分析」

目標:檢驗三種 Group 的 Literature 之平均是否相等,並 進行 Tukey 事後檢驗。

aov() 和 TukeyHSD() 的基本語法

aov(應變數 ~ 三組以上類別自變數,

data = 資料框, ...)

TukeyHSD(aov物件, "分組因子", ...)

- > fit.1 <- aov(Literature ~ Group, data = dt)</pre>
- > summary(fit.1) # Type I sum of square
- > TukeyHSD(fit.1, "Group")

單因子變異數分析॥

> fit.1 <- aov(Literature ~ Group, data = dt)</pre>

> summary(fit.1)

```
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Group 2 2.7 1.3 0.003 0.997
Residuals 6 3115.3 519.2
```

> TukeyHSD(fit.1, "Group")

```
Tukey multiple comparisons of means
95% family-wise confidence level

Fit: aov(formula = Literature ~ Group, data = dt)

$Group
diff lwr upr p adj

B-A 0.66666667 -56.41875 57.75209 0.9992924

C-A 1.3333333 -55.75209 58.41875 0.9971738

C-B 0.66666667 -56.41875 57.75209 0.9992924
```

35

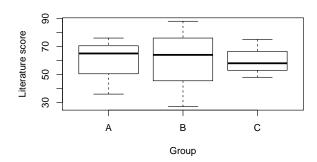
36

盒形圖

boxplot() 的基本語法

boxplot(應變數 ~ 類別因子, data = 資料框, ...)

```
> boxplot(Literature ~ Group, data = dt,
+ ylab = "Literature score", xlab = "Group")
```



簡單線性迴歸」

目標: 建立 Science 對應 Literature 的簡單線性迴歸模型,並檢驗斜率是否為零。

lm() 的基本語法

lm(應變數 ~ 連續自變數, data = 資料框, ...)

- > fit.2 <- lm(Literature ~ Science, data = dt)</pre>
- > summary(fit.2)
- > anova(fit.2) # Type I sum of square

簡單線性迴歸॥

```
> fit.2 <- lm(Literature ~ Science, data = dt);</pre>
```

> summary(fit.2)

```
Call:
lm(formula = Literature ~ Science, data = dt)
Residuals:
   Min
           1Q Median
                          3Q
                                  Max
-16.894 -1.085 2.494
                       4.269
                               8.113
Coefficients:
          Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) -1.9625 9.8294 -0.200 0.847422
                       0.1337 6.511 0.000331 ***
Science
             0.8707
Residual standard error: 7.946 on 7 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.8583, Adjusted R-squared: 0.838
F-statistic: 42.39 on 1 and 7 DF, p-value: 0.0003308
```

簡單線性迴歸 ...

> anova(fit.2)

```
Analysis of Variance Table

Response: Literature

Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)

Science 1 2676.08 2676.08 42.389 0.0003308 ***

Residuals 7 441.92 63.13
```

簡單線性相關」

目標: 計算 Science 與 Literature 的簡單線性相關係數是否為零。

簡單線性相關॥

> cor.test(dt\$Literature, dt\$Science)

```
Pearson's product-moment correlation

data: dt$Literature and dt$Science
t = 6.5107, df = 7, p-value = 0.0003308
alternative hypothesis: true correlation is not equal to 0
95 percent confidence interval:
0.6817766 0.9847014
sample estimates:
cor
0.9264278
```

散佈圖ı

coef() 的基本語法

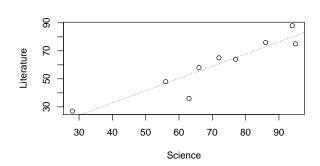
coef(lm物件, ...)#取出各迴歸係數

plot.formula() 和 abline() 的基本語法

> plot(Literature ~ Science, data = dt)
> abline(a = coef(fit.2)[1], b = coef(fit.2)[2], lty = 3)

散佈圖॥

> plot(Literature ~ Science, data = dt)
> abline(a = coef(fit.2)[1], b = coef(fit.2)[2], lty = 3)



⁸plot.formula() 可簡寫成 plot()。

Q&A的時間又到囉

- Q 我怎麼知道我做對了?
- A 拿出你的統計學課本的例題,用R做做看。
- Q R 畫的圖想做更多調整
- A1 這件工作不是非常容易,需要經驗。有空看看 par() 和 plot() 的使用手冊。
- A2 初學者可以先用 R 畫個大概的樣子,再以其它圖片編輯軟體後製。參考 png()、pdf()、svg()等方法來輸出圖檔。

大綱

R 簡介與操作環境

R的函數

資料的讀取與整理

統計分析與繪圖

學習心得與討論資源

試練窟

阿盤的個人學習心得

- 修習使用 R 的課。
- 多「玩」。把函數裡的 Example 玩一玩、改一改。
- 肯問人。逛逛網路教學和論壇。
- 買 (可能不只一本) 書。
- 拿出統計學課本的例題,用R做做看。
- 做過的程式碼要建檔,方便日後使用。
- 卡關時, 先用英文問 Google 大神。
- 做出答案時,不要直接相信這是正解,應該以專業人士、書籍、網頁資料驗證。

中文書籍推薦

繁體中文書非常少,但簡體中文書不少。去圖書館或書局 翻翻。能看懂有收穫就有參考價值。初學程式語言者應該 都需要一本。

- 《R 軟體:應用統計方法》陳景祥著,東華出版社。 對初學者很有幫助的一本。R語言和統計學併重。
- 《R 錦囊妙計》Paul Teetor 著,張夏菁譯,歐萊禮出版社。
 - 前半本内容是 R 語言,後半本是以 R 進行統計工作。
- •《R语言实用教程》薛毅、陈立萍著,清华大学出版社。
- 《统计建模与 R 软件》薛毅、陈立萍著,清华大学出版社。以數理統計為主,R 語言實作為輔。

英文書籍推薦

英文書選擇極多。我推薦以下幾本我喜歡或值得閱讀的。

- "Biostatistical Design and Analysis Using R: A Practical Guide" by Murray Logan. Wiley-Blackwell Press. 實驗設計和 R 並重,非常推薦。
- "The R Book, 2nd Edition" by Michael J. Crawley. Wiley Press.

較不易閱讀,但仍值得細讀。R語言和統計併重。

 "A First Course in Statistical Programming with R" by W. John Braun & Duncan J. Murdoch. Cambridge University Press.

易讀。統計學基礎内容為主,但實驗設計部份少。

網路教學

《R演習室》@youtube.com⁹
 針對初學者的 R 視訊教學系列。有廣告,但有提供影片載點。

- http://www.r-software.org/home
 中華R軟體學會。收錄許多中文影片與中文教學,內容豐富,亦適合初學者。
- "Quick-R"by Robert I. Kabacoff¹⁰ 我常用的速查網站。
- 英文的的網路教學非常多,請自行搜尋「R turorial」。

網路討論區

PTT 的 R_Language 板
 路徑: 戰略高手 → CompScience → R_Language
 對初學者友善。

- (中文的) R 軟體使用者論壇"
- Tag "R" @ stackoverflow.com¹²

47

https://www.youtube.com/playlist?list=PL5AC0ADBF65924EAD

http://www.statmethods.net/

[&]quot;https://groups.google.com/forum/?hl=zh-TW#!forum/taiwanruser

http://stackoverflow.com/questions/tagged/r

R的套件

什麼是套件 (package)?

安裝在R系統裡的外掛,讓你「不用重新造輪子」。

如何安裝、更新及引入套件?

- 連上網路之後,輸入 install.packages("套件名稱")可以安裝某套件
- 在已安裝某套件之後,輸入 library(套件名稱)可引入該套件,之後才可以使用它的功能。
- 連上網路之後,輸入 update.packages() 可以更新 所有已安裝套件。

R的官方套件庫

R 官方收錄有六千多個的套件,¹³ 可直接以install.packages() 安裝。

我常用的套件

- (一般/廣義) 線性模型: gmodels、Imtest、aod
- 混合模型: Ime4、nlme、MCMCglmm
- 蒙地卡羅、隨機化: permute、boot
- 多變量、群落生態、生物多樣性: vegan
- 繪圖、視覺化: ggplot2

http://cran.r-project.org/web/packages/available_packages_by_
name.html

O&A的時間又到囉

- Q 如何找能做某件事的套件?
- A 請 Google 大神幫你找最快。真的。
- 0 阿盤學多久才叫「上手」、「有生產力」?
- A 自學半年以上,但我今天就要把八成功力都傳給你了!
- Q 聽到這裡,我想認輸了......我想重回用滑鼠搞定的世界。
- A 只要是適合自己的工具,就是好工具。

50

今日的總複習

- 建立一個 (適合自己的) R 工作環境
- 了解 R 的函數與如何閱讀其使用手冊
- R 如何讀取並整理資料
- 練習常見的統計方法
- 讓自己更厲害的資源
- > cat("Have wonderful R experiences!\n")
- > q()

大綱

R簡介與操作環境

R的函數

資料的讀取與整理

統計分析組繪圖

學習心得與討論資源

試練窟

按今日課程試著完成以下練習

- 1. 想辦法以 R 讀取 nation-data.xlsx 的内容並命名為 mydt0 資料框。以檔案中所有國家為樣本完成以下分析。
- 2. 利用配對樣本 T 檢驗, 考驗 Mortality.rate.child 之平均是否顯著高於 Mortality.rate.newborn 之平均。提示: 不是雙尾檢驗。
- 3. 以 GDP.10000 為組別,計算 HIV.rate 在各組的平均値和標準偏差,並利用獨立雙樣本 T 檢驗比較組間的平均是否顯著不等,以及繪製對應的盒形圖。
- 4. 以 Continent 為組別, 計算 Age.ave 在各組的平均值和標準偏差,並利用單因子變異數分析比較組間的平均差異是否顯著不等,以及繪製對應的盒形圖。
- 5. 以 HIV. rate 為反應變數 (應變數), Age. ave 為解釋變數 (自變數), 建立簡單線性迴歸模型, 並檢驗斜率及相關係數是否顯著不為零, 以及繪製對應之散佈圖。

以下是參考解答

防雷一下

參考解法 |

先以 Excel 轉存 nation-data.csv 後, 在 R 中讀入 CSV 檔:

- > setwd("某路徑") # 更變目前路徑
- > mydt0 <- read.csv("nation-data.csv") # 讀檔
- > mydt0

Nation Continent HIV.rate Age.ave ...

1 Algeria 1Africa 0.10 72.904 ...

2 Morocco 1Africa 0.10 71.882 ...

3 Zambia 1Africa 13.50 48.513 ...
...

71 Slovak Republic 4Europe 0.06 75.242 ...

72 Latvia 4Europe 0.70 73.039 ...

參考解法 ||

> names(mydt0) # 查看變數名

[1] "Nation" "Continent" "HIV.rate" [4] "Age.ave" "Mortality.rate.child" "Mortality.rate.newborn" [7] "GDP.10000"

> dim(mydt0) # 查看列數與欄數

[1] 72 7

56

參考解法 ...

Mortality.rate.child 和 Mortality.rate.newborn 的配對樣本 T 檢驗:

```
> x1 <- mydt0$Mortality.rate.child
> x2 <- mydt0$Mortality.rate.newborn
> t.test(x1, x2, paired = T, alternative = "g")
```

註: 參考使用無母數方法 one-sample Wilcoxon test wilcox.test(..., paired = T)。

參考解法_{IV}

以 GDP.10000 分組對 HIV.rate 之描述:

> tapply(mydt0\$HIV.rate, mydt0\$GDP.10000, mean))
> with(mydt0, {tapply(HIV.rate, GDP.10000, mean)}) # 亦可

```
high low
0.286087 1.213061
```

> with(mydt0, {tapply(HIV.rate, GDP.10000, sd)})

```
high low
0.3095707 2.7004554
```

參考解法 v

以 GDP.10000 分組對 HIV.rate 之獨立雙樣本 T 檢驗:

```
> t.test(HIV.rate ~ GDP.10000,
+ data = mydt0, var.equal = T)
```

```
Two Sample t-test

data: HIV.rate by GDP.10000

t = -1.6351, df = 70, p-value = 0.1065
alternative hypothesis: true difference in means is not equal to 0

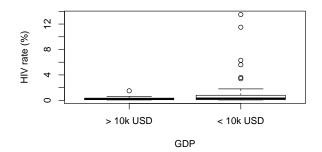
95 percent confidence interval:
-2.0576478 0.2036993
sample estimates:
mean in group high mean in group low
0.286087 1.213061
```

註:此例使用 t.test(..., var.equal = F) 可能較洽當 (因為二組的變方差距不小), 甚至參考使用無母數方法 two-sample Wilcoxon test wilcox.test() 或 two-sample Kolmogorov-Smirnov test ks.test()。

59

參考解法 vi

以 GDP.10000 分組對 HIV.rate 之盒形圖:



參考解法 vii

以 Continent 分組對 Age.ave 之描述:

> with(mydt0, {tapply(Age.ave, Continent, mean)})

1Africa 2America 3Asia 4Europe 61.11923 74.48475 72.31782 77.37283

> with(mydt0, {tapply(Age.ave, Continent, sd)})

1Africa 2America 3Asia 4Europe 9.308895 4.014003 6.383229 3.820449

參考解法 viii

以 Continent 分組對 Age.ave 進行單因子變異數分析:

> f.anova <- aov(Age.ave ~ Continent, data = mydt0)
> summary(f.anova)

Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Continent 3 2439 813.0 24.12 9.66e-11 ***
Residuals 68 2292 33.7

註: 此例之間間變方甚不同質, 故以

oneway.test(Age.ave ~ Continent, data = mydt0) 進行組間變方不同質之修正,或是以 kruskal.test(Age.ave ~ Continent, data = mydt0) 進行 Kruskal-Wallis rank sum test,可能較洽當。

參考解法ıx

Tukey 事後檢驗:

> TukeyHSD(f.anova, "Continent")

```
Tukey multiple comparisons of means
95% family-wise confidence level

Fit: aov(formula = Age.ave ~ Continent, data = mydt0)

$Continent

diff lwr upr p adj

2America-1Africa 13.365519 7.2440030 19.487035 0.0000014

3Asia-1Africa 11.198593 5.5646064 16.832579 0.0000102

4Europe-1Africa 16.253603 11.1760641 21.331141 0.0000000

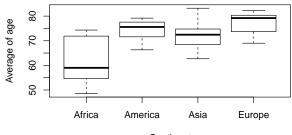
3Asia-2America -2.166926 -7.9324031 3.598550 0.7556740

4Europe-2America 2.888083 -2.3349728 8.111139 0.4693185

4Europe-3Asia 5.055010 0.4129029 9.697117 0.0275116
```

參考解法 x

以 Continent 分組對 Age.ave 繪製盒形圖:



Continent

參考解法 xi

HIV.rate vs Age.ave 的簡單線性迴歸:

> fit.reg <- lm(HIV.rate ~ Age.ave, data = mydt0)
> summary(fit.reg)

註: 考慮應變數轉型 lm(sqrt(HIV.rate + 1) ~ Age.ave, ...) 或自變數包括二次式 lm(HIV.rate ~ Age.ave + I(Age.ave ^ 2), ...)。

65

參考解法 xii

HIV.rate vs Age.ave 的簡單線性相關:

```
> cor.test( ~ HIV.rate + Age.ave, data = mydt0)
> cor.test(mydt0$HIV.rate, mydt0$Age.ave) # 亦可
```

```
Pearson's product-moment correlation

data: mydt0$HIV.rate and mydt0$Age.ave

t = -8.2253, df = 70, p-value = 7.027e-12

alternative hypothesis: true correlation is not equal to 0

95 percent confidence interval:

-0.8024053 -0.5604066

sample estimates:

cor

-0.7010578
```

註: 考慮無母數相關 cor.test(..., method = "kendall") 或 cor.test(..., method = "spearman")。

參考解法 xiii

HIV.rate vs Age.ave 的散佈圖:

```
> plot(HIV.rate ~ Age.ave, data = mydt0,
+ xlab = "Average of age", ylab = "HIV rate (%)")
> abline(a = coef(fit.reg)[1], b = coef(fit.reg)[2],
+ lty = 2, col = 6)
```

