

語言的 60 分鐘

廖鎮磐 <andrew.43@gmail.com> 東海大學生命科學系

2015年台灣生態研究網年會2015年3月14日於蓮華池研究中心







© 2015 廖鎮磐(Chen-Pan Liao)

本文件採用姓名標示-相同方式分享 4.0 國際授權(CC BY-SA 4.0)。 1 歡迎下載本投影片及資料檔案。 2

¹詳情請見 http://creativecommons.org/licenses/by-sa/4.0/deed.zh_TW。

²https://www.dropbox.com/sh/7p9cluglptyk25a/AAAmPWrSMVf_tC9-cL4JSscCa?dl=0

大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- 2 R 的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 小試身手

大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- 2 R的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 小試身手

今天主題 ……

目標

- 不怕害使用 R 這類以文字指令進行的工作方式。
- 如何自己救自己。
- 如何請別人救自己。
- 實作一些常見的統計分析與繪圖。

預設聽眾

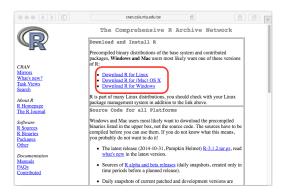
- 修過至少3學分的統計學。
- 從沒使用過R或其它統計軟體。
- 從沒學過任何程式語言。

R的特色

- 自由、免費、跨平台。
- 是一種「程式語言」,像 Python、Perl、JAVA等。
- 是一種「統計工具」,像 SAS、SPSS 等。
- 強大的視覺化工具,畫專業的圖,但需要經驗。
- 套件豐富,不同自己重新寫程式。

安裝R語言

- ◆ 到達 http://www.r-project.org/
- 2 點選 Download, Packages (CRAN)
- 3 選擇作業平台



選用適當的R程式編輯器

- 建議以純文字編輯器撰寫R程式碼,並儲存成「.R」檔。
- 「語法多色支援」、「語法提示」、「即時執行」等功能,增加撰寫效率。
- 支援 R 語言的編輯器很多,有興趣請自行試用。

RStudio 強大、整合性高、專為R程式員設計。3 Notepad++ 老字號的純文字編輯器,有和R相配合的外

掛。4

Atom 與 GitHub 配合度高。5

³ http://www.rstudio.com/

⁴ http://notepad-plus-plus.org/

⁵https://atom.io/

初次見面:R是計算機

大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- 2 R的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 小試身手

什麼是程式語言的函數

使用某函數的語法通則

函數名(第一引數名 = 某值, 第二引數名 = 某值, ...)

- 程式語言的函數(function)提供一個特定的功能,可以有引數(輸入值)和回傳值(輸出值)。
- 操作 R 的過程,幾乎就是使用各種 function 的過程。
- 若需要進行某一套程式多次,可以將之改寫成函數以利重 覆使用。
- 試試看 seq(from = 0, to = 9) 的回傳值是什麼?
- 用中文說明上面的程式:「在 seq() 這個 function 中,第一個引數名為 from,表示起始值,其值為 0;第二個引數名為 to,表示終點值,其值是 9。

函數的使用手冊

- 觀看某個函數的使用手冊:?函數名 或 help(函數名)。
- 請看看 ?seq。
- 使用手冊中都有以下資訊:

Description 函數的功能。

Usage 基本語法,包括了引數的順序和預設值。

Arguments 引數的細節。

Details 函數的詳細內容。

Value 回傳值的內容。

See Also 其它相關的函數。

Examples 使用範例。

引數的預設值

seq()的基本語法

```
seq(from = 1, to = 1, ...)
```

- 在使用手冊中可以看出:第一個引數 from 的預設值是 1。第一個引數 to 的預設值是 1。
- 使用者未定義時採用的值,就是預設值。
- 方便快速使用。
- 例如:

```
seq(from = 10) 和
seq(from = 10, to = 1) 是相等的。
```

引數的順序

seq()的基本語法

```
seq(from = 1, to = 1, ...)
```

當明確指定引數名時,引數的順序無所謂。例如:

```
seq(from = 0, to = 9)和
seq(to = 9, from = 0)同義。
```

當引數的順序與該函數要求的順序相同時,可以省略引數名。例如:

```
seq(from = 0, to = 9) 可以省略為 seq(0, 9) 的形式。
```

引數的綜合練習

seq()的基本語法

```
seq(from = 1, to = 1, ...)
```

試回答下列程式的回傳值為何?

- \bullet seq(from = 3, to = 1)
- seq(3, to = 1)
- \bullet seq(from = 3, 1)
- seq(3, 1)
- seq(to = 1, from = 3)

Q&A的時間又到囉

- 成千上萬的函數哪學得完?
- A 不用學完!沒人學得完!學常用的就好。
- 函數的使用手冊看不懂耶。
- A 我也常看不懂。儘量看,多嘗試,特別是 Example 部份。
- Q 如何找能做某件事的函數?
- A 請 Google 大神幫你找最快。真的。

大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- 2 R的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 小試身手

檔案下載

① 至 http://goo.gl/YRCOaN 下載以下三個檔案。

2015RforBeginnerSlide.pdf 本投影片 exam.xlsx 例範資料

text.xlsx 練習資料

② 在 C disk 下創建一個 LearnR2015 資料夾,並將三個檔案 置入該資料夾中。

讀取 CSV 資料檔案

- ② 另存新檔 → 檔名為「exam」,類型為「CSV」,儲存在相同資料夾中。
- 3 getwd()顯示目前R所在的路徑。
- 4 setwd("C:/LearnR2015") 到達該資料夾。
- ⑤ dt <- read.csv("exam.csv") 或是
 dt <- read.csv("C:/LearnR2015/exam.csv") 以讀取該
 檔成為一個資料框 (data frame),並取名為 dt。
- 6 dt 的結果是什麼?

提取特定變數(欄)

```
> dt
ID Gender Group Literature Science
1 23 m A 36 63
...
```

如何取得 Science 變數?直接輸入 Science 是不行的,因為它是在 dt 裡的變數。

- dt\$Science 意思是「dt 裡的 Science 變數」
- dt[, 5] 意思是「dt 裡的第 5 欄變數」
- attach(dt) 可使 dt 的所有變數傳至表層。

提取特定重覆數(列)

- dt[3 ,]取得dt裡的第3列變數
- dt[c(3, 6),]取得dt裡的第3及第6列變數
- subset(dt, Gender == "m")取得 Gender 是 m 的資料。
- subset(dt, Science >= 60)取得 Science 大於等於 60 的資料。
- subset(dt, Gender == "m" | Science >= 60) 取得 Gender 是 m 或 Science 大於等於 60 的資料。
- subset(dt, Gender == "m" & Science >= 60)
 取得 Gender 是 m 且 Science 大於等於 60 的資料。

Q&A的時間又到囉

- 可否直接讀取 xlsx 檔?
- A 可以!請日後自行研究 xlsx 這個套件。
- Q 可不可以資料排序?
- A 可以!請日後自行研究 order() 和 sort()。

大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- 2 R的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 小試身手

描述性統計

常見的描述性統計函數

length(dt\$Science) #個數
mean(dt\$Science) #平均數
sd(dt\$Science) #標準偏差
quantile(dt\$Science) #百分位數

如果要求各組的描述性統計呢?使用tapply()。

tapply()的基本語法

tapply(變數,分組因子,運算函數, ...)

例如[,]要計算 Science 在不同 Gender 內的平均數: tapply(dt\$Science, dt\$Gender, mean)

單樣本T檢驗

目標:檢驗 Science 的平均是否為 60。

t.test()的基本語法

```
t.test(資料, alternative = "t" 或 "l" 或 "g",
mu = 假說平均數, ...)
```

#雙尾:

```
t.test(dt$Science, alternative = "t", mu = 60)
```

#右單尾:

```
t.test(dt$Science, alternative = "g", mu = 60)
```

#左單尾:

t.test(dt\$Science, alternative = "1", mu = 60)

成對樣本T檢驗

目標:檢驗 Literature 和 Science 差之平均是否為 0。

t.test()的基本語法

```
t.test(資料1,資料2,
alternative = "t" 或 "l" 或 "g",
mu = 假說中配對差的平均數, pair = T, ...)
```

```
# 預設雙尾;預設平均差為零
t.test(dt$Literature, dt$Science, pair = T)
```

獨立雙樣本T檢驗

目標:檢驗二種 Gender 的 Literature 之平均是否相等。

t.test()的基本語法

```
t.test(資料1, 資料2, alternative = "t" 或 "l" 或 "g", mu = 假說中平均數的差, var.equal = T 或 F, ...) t.test(應變數 ~ 僅二類的類別因子, data = 資料框, ...)
```

盒形圖

boxplot()的基本語法

boxplot(應變數 ~ 類別因子, data = 資料框, ...)

Gender

m

單因子變異數分析

目標:檢驗三種 Group 的 Literature 之平均是否相等,並進行 Tukey 事後檢驗。

aov()和 TukeyHSD()的基本語法

```
aov(應變數 ~ 三組以上類別自變數, data = 資料框, ...)
TukeyHSD(aov物件, "分組因子", ...)
```

```
fit.1 <- aov(Literature ~ Group, data = dt)
summary(fit.1) # Type I sum of square
TukeyHSD(fit, "Group")</pre>
```

盒形圖

boxplot()的基本語法

boxplot(應變數 ~ 類別因子, data = 資料框, ...)

boxplot(Literature ~ Group, data = dt, ylab = "Literature score", xlab = "Group") 90 Literature score 2 50 30 Α В

Group

簡單線性迴歸

目標:建立 Science 對應 Literature 的簡單線性迴歸模型,並檢驗斜率是否為零。

1m()的基本語法

lm(應變數 ~ 連續自變數, data = 資料框, ...)

fit.2 <- lm(Literature ~ Science, data = dt)
summary(fit.2)
anova(fit.2) # Type I sum of square</pre>

簡單線性相關

目標:計算 Science 與 Literature 的簡單線性相關係數是否為 零。

cor.test() 的基本語法

```
cor.test(第一群資料,第二群資料,
alternative = "t" 或 "l" 或 "g", ...)
cor.test(~ 第一群資料 + 第二群資料,data = 資料框, ...)
```

```
cor.test(dt$Literature, dt$Science)
cor.test(~ Literature + Science, data = dt)
cor.test(~ Science + Literature, data = dt)
```

散佈圖

coef()的基本語法

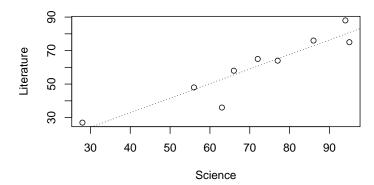
coef(lm物件, ...)#取出各迴歸係數

plot.formula()和 abline()的基本語法

```
plot(縱軸資料 ~ 橫軸資料, data = 資料框, ...)<sup>6</sup>
abline(a = coef(迴歸物件)[1], b = coef(迴歸物件)[2],
lty, col, ...) # 畫上迴歸線
```

⁶ plot.formula()可簡寫成 plot()。

散佈圖



Q&A的時間又到囉

- Q 我怎麼知道我做對了?
- A 拿出你的統計學課本的例題,用R做做看。
- Q R 畫的圖想做更多調整······
- A1 這件工作不是非常容易,需要經驗。有空看看 par() 和 plot() 的使用手冊。
- A2 初學者可以先用 R 畫好概要圖,再以其它圖片編輯軟體後 製。

大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- 2 R的函數
- ③ 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 小試身手

阿盤的個人學習心得

- 修習使用R的課。
- 多「玩」。把函數裡的 Example 玩一玩、改一改。
- 肯問人。逛逛網路教學和論壇。
- 買(可能不只一本)書。
- 拿出統計學課本的例題,用R做做看。
- 做過的程式碼要建檔,方便日後使用。
- 卡關時,先用英文問 Google 大神。
- 做出答案時,不要直接相信這是正解,應該以專業人士、 書籍、網頁資料驗證。

中文書籍推薦

繁體中文書非常少,但簡體中文書不少。去圖書館或書局翻翻。能看懂有收穫就有參考價值。初學程式語言者應該都需要 一本。

- 《R軟體:應用統計方法》陳景祥著,東華出版社。 對初學者很有幫助的一本。R語言和統計學併重。
- 《R錦囊妙計》Paul Teetor 著,張夏菁譯,歐萊禮出版社。 前半本內容是R語言,後半本是以R進行統計工作。
- 《R 语言实用教程》薛毅、陈立萍著,清华大学出版社。
- 《统计建模与 R 软件》薛毅、陈立萍著,清华大学出版社。 以數理統計為主, R 語言實作為輔。

英文書籍推薦

英文書選擇極多。我推薦以下幾本我喜歡或值得閱讀的。

- "Biostatistical Design and Analysis Using R: A Practical Guide" by Murray Logan. Wiley-Blackwell Press. 實驗設計和R並重,非常推薦。
- "The R Book, 2nd Edition" by Michael J. Crawley. Wiley Press.
 - 較不易閱讀,但仍值得細讀。R語言和統計併重。
- "A First Course in Statistical Programming with R" by W. John Braun & Duncan J. Murdoch. Cambridge University Press.
 - 易讀。統計學基礎內容為主,但實驗設計部份少。

網路教學

- 《R 演習室》@ youtube.com⁷
 針對初學者的 R 視訊教學系列。有廣告(歡迎多看幾秒),
 但有提供影片載點。
- "Quick-R"by Robert I. Kabacoff[®]
- 請自行 Google「R turorial」,實在太多了。
- 中文教學網頁極少。還是找英文的比較實在。

⁷https://www.youtube.com/playlist?list=PL5AC0ADBF65924EAD

⁸http://www.statmethods.net/

網路討論區

- PTT 的 R_Language 板
 路徑: 戰略高手 → CompScience → R_Language
 有幾位高手。對初學者友善。歡迎來和安德魯大大認親。
- R 軟體使用者論壇⁹
- Tag "R" @ stackoverflow.com¹⁰

⁹ https://groups.google.com/forum/?hl=zh-TW#!forum/taiwanruser

http://stackoverflow.com/questions/tagged/r

R的套件

什麼是套件(package)?

安裝在R系統裡的外掛,讓你「不用重新造輪子」。

如何安裝、更新及引入套件?

- 連上網路之後,輸入install.packages("套件名稱")可以安裝某套件
- 在已安裝某套件之後,輸入 library(套件名稱)可引入該 套件,之後才可以使用它的功能。
- 連上網路之後,輸入 update.packages()可以更新所有 已安裝套件。

R的官方套件庫

R 官方收錄有六千多個的套件 ^{,11} 可直接以 install.packages() 安裝。

我常用的套件

- (一般/廣義) 線性模型: gmodels、Imtest、aod
- 混合模型: Ime4 \ nIme \ MCMCgImm
- 蒙地卡羅、隨機化: permute、boot
- 多變量、群落生態、生物多樣性: vegan

 $^{^{11} \}verb|http://cran.r-project.org/web/packages/available_packages_by_name.html|$

Q&A的時間又到囉

- 〇 如何找能做某件事的套件?
- A 請 Google 大神幫你找最快。真的。
- 阿盤學多久才叫「上手」、「有生產力」?
- A 自學半年以上,但我今天就要把八成功力都傳給你了!
- Q 聽到這裡,我想認輸了······我想重回用滑鼠搞定的世界。
- A 只要是適合自己的工具,就是好工具。

大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- ② R的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 小試身手

今日的總複習

- 建立一個(適合自己的)R工作環境
- 了解R的函數與如何閱讀其使用手冊
- R 如何讀取並整理資料
- 練習常見的統計方法
- 譲自己更厲害的資源

按今日課程試著完成以下練習

- ① 想辦法以 R 讀取 nation-data.xlsx 的內容並命名為 mydt0 資料框。以檔案中所有國家為樣本完成以下分析。
- ② 利用配對樣本 T 檢驗,考驗 Mortality.rate.child 之平均是 否顯著高於 Mortality.rate.newborn 之平均。提示:不是雙 尾檢驗。
- ③ 以 GDP.10000 為組別,計算 HIV.rate 在各組的平均值和標準偏差,並利用獨立雙樣本 T 檢驗比較組間的平均是否顯著不等,以及繪製對應的盒形圖。
- ④ 以 Continent 為組別,計算 Age.ave 在各組的平均值和標準偏差,並利用單因子變異數分析比較組間的平均差異是否顯著不等,以及繪製對應的盒形圖。
- ⑤ 以 HIV. rate 為反應變數 (應變數), Age. ave 為解釋變數 (自變數), 建立簡單線性迴歸模型,並檢驗斜率及相關係數是否顯著不為零,以及繪製對應之散佈圖。

參考解法 I

讀入 CSV 檔:

- > setwd("somewhere") # 更變目前路徑
- > mydt0 <- read.csv("nation-data.csv") # 讀檔
- > mydt0

```
Nation Continent HIV.rate Age.ave Mortality.rate.child ...
                        1Africa
                                   0.10 72.904
                                                          18.090586 ...
              Algeria
              Morocco
                       1Africa
                                   0.10 71.882
                                                          13.156450 ...
               7ambia
                       1Africa 13.50 48.513
                                                         105.545396 ...
                                    . . .
71
      Slovak Republic
                       4Europe
                                   0.06 75.242
                                                           4.203745 ...
72
                                                           4.064162 ...
               Latvia
                        4Europe
                                   0.70
                                         73.039
```

> names(mydt0) # 查看變數名

```
[1] "Nation" "Continent" "HIV.rate"
[4] "Age.ave" "Mortality.rate.child" "Mortality.rate.newborn"
[7] "GDP.10000"
```

> dim(mydt0) # 查看列數與欄數

[1] 72 7

參考解法Ⅱ

對 Mortality.rate.child 和 Mortality.rate.newborn 的配 對樣本 T 檢驗:

> x.1 <- mydt0\$Mortality.rate.child
> x.2 <- mydt0\$Mortality.rate.newborn</pre>

> t.test(x.1, x.2, paired = T, alternative = "g")

參考解法 Ⅲ

以 GDP.10000 分組對 HIV.rate 之描述:

- > tapply(mydt0\$HIV.rate, mydt0\$GDP.10000, mean))
- > with(mydt0, {tapply(HIV.rate, GDP.10000, mean)}) # 亦可

```
high low
0.286087 1.213061
```

> with(mydt0, {tapply(HIV.rate, GDP.10000, sd)})

```
high low
0.3095707 2.7004554
```

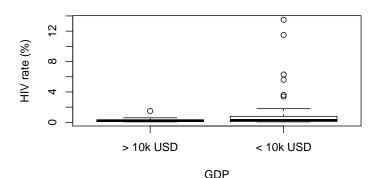
參考解法 IV

以 GDP.10000 分組對 HIV.rate 之獨立雙樣本 T 檢驗:

不過此例 t. test(..., var. equal = F) 可能較洽當 [,]因為二 組的變方差距不小。

參考解法 V

以 GDP.10000 分組對 HIV.rate 之盒形圖:



參考解法 VI

以 Continent 分組對 Age.ave 之描述:

> with(mydt0, {tapply(Age.ave, Continent, mean)})

```
1Africa 2America 3Asia 4Europe
61.11923 74.48475 72.31782 77.37283
```

> with(mydt0, {tapply(Age.ave, Continent, sd)})

```
1Africa 2America 3Asia 4Europe
9.308895 4.014003 6.383229 3.820449
```

參考解法 VII

以 Continent 分組對 Age.ave 進行單因子變異數分析:

- > f.anova <- aov(Age.ave ~ Continent, data = mydt0)</pre>
- > summary(f.anova)

```
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Continent 3 2439 813.0 24.12 9.66e-11 ***
Residuals 68 2292 33.7
---
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

註:此例之間間變方甚不同質,故以 oneway.test(Age.ave ~ Continent, data = mydt0) 進行組間變方不同質之修正,或 是以 kruskal.test(Age.ave ~ Continent, data = mydt0) 進行 Kruskal-Wallis rank sum test,可能較洽當。

參考解法 VIII

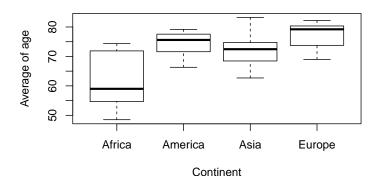
Tukey 事後檢驗:

> TukeyHSD(f.anova, "Continent")

```
Tukev multiple comparisons of means
   95% family-wise confidence level
Fit: aov(formula = Age.ave ~ Continent, data = mydt0)
$Continent
                     diff
                                 lwr
                                           upr
                                                  p adi
2America-1Africa 13.365519 7.2440030 19.487035 0.0000014
3Asia-1Africa
               11.198593 5.5646064 16.832579 0.0000102
4Europe-1Africa 16.253603 11.1760641 21.331141 0.0000000
3Asia-2America -2.166926 -7.9324031 3.598550 0.7556740
4Europe-2America 2.888083 -2.3349728 8.111139 0.4693185
4Europe-3Asia
                 5.055010 0.4129029 9.697117 0.0275116
```

參考解法 IX

以 Continent 分組對 Age.ave 繪製盒形圖:



參考解法X

HIV.rate vs Age.ave 的簡單線性迴歸:

- > fit.reg <- lm(HIV.rate ~ Age.ave, data = mydt0)</pre>
- > summary(fit.reg)

```
Call:
lm(formula = HIV.rate ~ Age.ave, data = mydt0)
Residuals:
   Min
         10 Median 30 Max
-2.6995 -0.8609 -0.0631 0.7118 7.8572
Coefficients:
           Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 15.09700 1.73463 8.703 9.27e-13 ***
Age.ave -0.19488 0.02369 -8.225 7.03e-12 ***
Signif. codes: 0 '*** 0.001 '** 0.01 '* 0.05 '.' 0.1 ' '1
Residual standard error: 1.63 on 70 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.4915, Adjusted R-squared: 0.4842
F-statistic: 67.65 on 1 and 70 DF, p-value: 7.027e-12
```

參考解法 XI

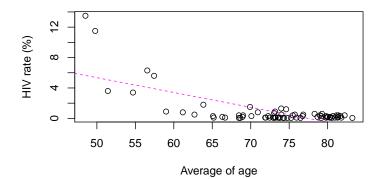
HIV.rate vs Age.ave 的簡單線性相關:

- > cor.test(~ HIV.rate + Age.ave, data = mydt0)
- > cor.test(mydt0\$HIV.rate, mydt0\$Age.ave) # 亦可

參考解法 XII

HIV.rate vs Age.ave 的散佈圖:

```
> plot(HIV.rate ~ Age.ave, data = mydt0,
+ xlab = "Average of age", ylab = "HIV rate (%)")
> abline(a = coef(fit.reg)[1], b = coef(fit.reg)[2],
+ lty = 2, col = 6)
```



謝謝收看

```
> cat("See you next time :) \n")
See you next time :)
> q()
Save workspace image? [y/n/c]: n
```