

# 語言的60分鐘

廖鎭磐 <andrew.43@gmail.com> 東海大學生命科學系

2015 年台灣生態研究網年會 2015 年 3 月 14 日於蓮華池研究中心





© 2015 廖鎭磐 (Chen-Pan Liao) 本文件採用性名標示。相同方式分

本文件採用姓名標示 -相同方式分享 4.0 國際授權 (CC BY-SA 4.0)。<sup>1</sup> 歡迎下載本投影片及資料檔案。<sup>2</sup>

<sup>1</sup>詳情請見 http://creativecommons.org/licenses/by-sa/4.0/deed.zh\_TW。

<sup>&</sup>lt;sup>2</sup> https://www.dropbox.com/sh/7p9cluglptyk25a/AAAmPWrSMVf\_tC9-cL4JSscCa?dl=0

#### 大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- 2 R 的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 試練窟

### 大綱

- 1 R 簡介與操作環境
- 2 R 的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- ⑤ 學習心得與討論資源
- 6 試練窟

#### 目標

- 不怕害使用 R 這類以文字指令進行的工作方式。
- 如何自己救自己。
- 如何請別人救自己。
- 實作一些常見的統計分析與繪圖。

#### 預設聽衆

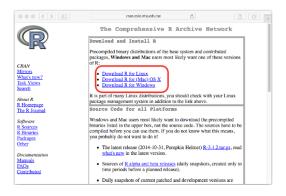
- 修過至少 3 學分的統計學。
- 從沒使用過 R 或其它統計軟體。
- 從沒學過任何程式語言。

#### R的特色

- 自由、冤費、跨平台。
- 是一種「程式語言」,像 Python、Perl、JAVA 等。
- 是一種「統計工具」,像 SAS、SPSS 等。
- 強大的視覺化工具,畫專業的圖,但需要經驗。
- 套件豐富,不同自己重新寫程式。

### 安裝R語言

- 到達 http://www.r-project.org/
- 點選 Download, Packages (CRAN)
- 3 選擇作業平台



## 選用適當的R程式編輯器

- 建議以純文字編輯器撰寫 R 程式碼,並儲存成「.R」 檔。
- 「語法多色支援」、「語法提示」、「即時執行」等功能, 增加撰寫效率。
- 支援 R 語言的編輯器很多,有興趣請自行試用。

RStudio 強大、整合性高、專為 R 程式員設計。3 Notepad++ 老字號的純文字編輯器,有和 R 相配 合的外掛。4

Atom 與 GitHub 配合度高。

http://www.rstudio.com/

<sup>4</sup> http://notepad-plus-plus.org/

<sup>5</sup>https://atom.io/

## 初次見面: R 是計算機

```
> m < -c(3, 6, 4)
> 2.4 + 42 > a <- 1
                         > n < -c(1, 2, 3)
[1] 44.4
          > a
                         > m + n
> 4 ^ 2
             [1] 1
                         [1] 4 8 7
[1] 16
          > 1 -> b
                         > m - n
> sqrt(100) > b
                         [1] 2 4 1
[1] 10
         [1] 1
                         > m * n
> 100 ^0.5 > a + b
                         [1] 3 12 12
[1] 10
             [1] 2
                         > m / n
                         [1] 3.000 3.000 1.333
```

### 大綱

- R 簡介與操作環境
- 2 R 的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- ⑤ 學習心得與討論資源
- 6 試練窟

# 什麼是程式語言的函數 (function)

- 程式語言的函數提供一個特定的功能,可以輸入引數 (輸入值)並取得回傳值 (輸出值)。
- 操作 R 的過程,幾乎就是使用各種 function 的過程。

#### 使用某函數的語法通則

函數名(第一引數名 = 某值,第二引數名 = 某值,...)

- 試試看 seq(from = 0, to = 9) 的回傳值是什麼?
- 用中文說明上面的程式:「在 seq() 這個 function中,第一個引數名為 from,表示起始值,其值為 0;第二個引數名為 to,表示終點值,其值是 9。」

### 函數的使用手冊

- 觀看某個函數的使用手冊: ?函數名或 help(函數名)。
- 請看看?seq。
- 使用手冊中都有以下資訊:

Description 函數的功能。

Usage 基本語法,包括了引數的順序和預設

值。

Arguments 引數的細節。

Details 函數的詳細内容。

Value 回傳值的内容。

See Also 其它相關的函數。

Examples 使用範例。

## 引數的預設值

#### seq() 的基本語法

```
seq(from = 1, to = 1, ...)
```

- 在使用手冊中可以看出:第一個引數 from 的預設值是 1。第一個引數 to 的預設值是 1。
- 使用者未定義時採用的値,就是預設値。
- 方便快速使用。
- 例如:

```
seq(from = 10) 和
seq(from = 10, to = 1) 是相等的。
```

## 引數的順序

#### seq() 的基本語法

```
seq(from = 1, to = 1, ...)
```

當明確指定引數名時,引數的順序無所謂。例如:

```
seq(from = 0, to = 9) 和 seq(to = 9, from = 0) 同義。
```

當引數的順序與該函數要求的順序相同時,可以省略 引數名。例如:

```
seq(from = 0, to = 9) 可以省略為 seq(0, 9) 的形式。
```

## 引數的綜合練習

#### seq() 的基本語法

```
seq(from = 1, to = 1, ...)
```

#### 試回答下列程式的回傳值為何?

- seq(from = 3, to = 1)
- seq(3, to = 1)
- seq(from = 3, 1)
- seq(3, 1)
- seq(to = 1, from = 3)

### Q&A的時間又到囉

- Q 成千上萬的函數哪學得完?
- A 不用學完! 沒人學得完! 學常用的就好。
- Q 函數的使用手冊看不懂耶。
- A 我也常看不懂。儘量看,多嘗試,特別是 Example 部份。
- Q 如何找能做某件事的函數?
- A 請 Google 大神幫你找最快。真的。

### 大綱

- R 簡介與操作環境
- 2 R的函數
- ③ 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- ⑤ 學習心得與討論資源
- 6 試練窟

## 檔案下載

● 至 http://goo.gl/foAeaq 以下載檔案:

```
exam.xlsx 例範資料
text.xlsx 練習資料
```

② 在 C disk 下創建一個 LearnR2015 資料夾,並將檔案 置入該資料夾中。

### 讀取 CSV 資料檔案

- 開啓 exam.xlsx,注意第一列必需有一列「變數名」。
- ② 另存新檔 → 檔名為「exam」,類型為「CSV」,儲存 在相同資料夾中。
- 3 getwd() 顯示目前 R 所在的路徑。
- setwd("C:/LearnR2015") 到達該資料夾。
- s dt <- read.csv("exam.csv") 或是 dt <- read.csv("C:/LearnR2015/exam.csv") 以 讀取該檔成為一個資料框 (data frame), 並取名為 dt。

# 提取特定變數 (欄)

#### dt 的結果是什麼?

```
> dt
ID Gender Group Literature Science
1 23 m A 36 63
...
```

如何取得 Science 變數?直接輸入 Science 是不行的,因 為它是在 dt 裡的變數。

- dt\$Science 意思是「dt 裡的 Science 變數」
- dt[ , 5] 意思是「dt 裡的第 5 欄變數」
- attach(dt) 可使 dt 的所有變數傳至表層。

# 提取特定重覆數 (列)

- dt[3 , ]取得 dt 裡的第 3 列資料
- dt[c(3, 6), ]取得 dt 裡的第 3 及第 6 列資料
- subset(dt, Gender == "m")取得 Gender 是 m 的資料。
- subset(dt, Science >= 60)
   取得 Science 大於等於 60 的資料。

### Q&A的時間又到囉

- Q 可否直接讀取 xlsx 檔?
- A 可以!請日後自行研究 xlsx 這個套件。
- Q 中文資料怎麼辦?
- A 資料中有中文可能是件麻煩事,都可以解決,但初學 者還是避冤比較方便。
- Q 可不可以資料排序?
- A 可以! 請日後自行研究 order() 和 sort()。

### 大綱

- ① R 簡介與操作環境
- 2 R 的函數
- ③ 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- ⑤ 學習心得與討論資源
- 6 試練窟

## 描述性統計

#### 常見的描述性統計函數

```
length(dt$Science) #個數
mean(dt$Science) #平均數
sd(dt$Science) #標準偏差
quantile(dt$Science) #百分位數
```

如果要求各組的描述性統計呢?使用 tapply()。

#### tapply() 的基本語法

tapply(變數,分組因子,運算函數,...)

例如,要計算 Science 在不同 Gender 内的平均數: tapply(dt\$Science, dt\$Gender, mean)

### 單樣本 T 檢驗 1

目標:檢驗 Science 的平均是否為 60。

```
t.test() 的基本語法
```

```
t.test(資料, alternative = "t" 或 "l" 或 "g", mu = 假說平均數, ...)
```

- > # 雙尾:
- > t.test(dt\$Science, alternative = "t", mu = 60)
- > # 右單尾:
- > t.test(dt\$Science, alternative = "g", mu = 60)
- > # 左單尾:
- > t.test(dt\$Science, alternative = "l", mu = 60)

### 單樣本 T 檢驗 =

> t.test(dt\$Science, mu = 60)

```
One Sample t-test

data: dt$Science
t = 1.5393, df = 8, p-value = 0.1623
alternative hypothesis: true mean is not equal to 60
95 percent confidence interval:
   54.63219 86.92336
sample estimates:
mean of x
   70.77778
```

### 成對樣本 T 檢驗 1

t.test() 的基本語法

目標:檢驗 Literature 和 Science 差之平均是否為 0。

```
t.test(資料1, 資料2,
alternative = "t" 或 "l" 或 "g",
mu = 假說中配對差的平均數, pair = T, ...)
```

- > # 預設雙尾; 預設平均差為零
- > t.test(dt\$Literature, dt\$Science, pair = T)

### 成對樣本 T 檢驗 ||

Paired t-test

> t.test(dt\$Literature, dt\$Science, pair = T)

## 獨立雙樣本工檢驗工

目標: 檢驗二種 Gender 的 Literature 之平均是否相等。

```
> t.test(subset(dt, Gender == "m")$Literature,
+ subset(dt, Gender == "f")$Literature,
+ var.equal = T)
> t.test(Literature ~ Gender, data = dt, var.equal = T)
```

## 獨立雙樣本工檢驗॥

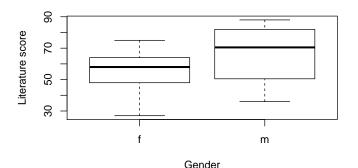
> t.test(Literature ~ Gender, data = dt, var.equal = T)

#### 盒形圖

#### boxplot() 的基本語法

boxplot(應變數 ~ 類別因子, data = 資料框, ...)

```
> boxplot(Literature ~ Gender, data = dt,
+ ylab = "Literature score", xlab = "Gender")
```



### 單因子變異數分析」

目標:檢驗三種 Group 的 Literature 之平均是否相等,並 進行 Tukey 事後檢驗。

```
aov() 和 TukeyHSD() 的基本語法
```

```
aov(應變數 ~ 三組以上類別自變數,
data = 資料框,...)
TukeyHSD(aov物件, "分組因子",...)
```

- > fit.1 <- aov(Literature ~ Group, data = dt)</pre>
- > summary(fit.1) # Type I sum of square
- > TukeyHSD(fit.1, "Group")

#### 單因子變異數分析॥

```
> fit.1 <- aov(Literature ~ Group, data = dt)
> summary(fit.1)
```

```
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Group 2 2.7 1.3 0.003 0.997
Residuals 6 3115.3 519.2
```

#### > TukeyHSD(fit.1, "Group")

```
Tukey multiple comparisons of means

95% family-wise confidence level

Fit: aov(formula = Literature ~ Group, data = dt)

$Group

diff lwr upr p adj

B-A 0.66666667 -56.41875 57.75209 0.9992924

C-A 1.3333333 -55.75209 58.41875 0.9971738

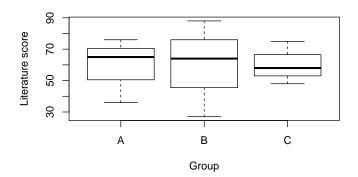
C-B 0.66666667 -56.41875 57.75209 0.9992924
```

#### 盒形圖

#### boxplot() 的基本語法

boxplot(應變數 ~ 類別因子, data = 資料框, ...)

```
> boxplot(Literature ~ Group, data = dt,
+ ylab = "Literature score", xlab = "Group")
```



### 簡單線性迴歸」

目標:建立 Science 對應 Literature 的簡單線性迴歸模型,並檢驗斜率是否為零。

#### lm() 的基本語法

lm(應變數 ~ 連續自變數, data = 資料框, ...)

- > fit.2 <- lm(Literature ~ Science, data = dt)</pre>
- > summary(fit.2)
- > anova(fit.2) # Type I sum of square

#### 簡單線性迴歸 ||

```
> summary(fit.2)
Call:
lm(formula = Literature ~ Science, data = dt)
Residuals:
    Min 10 Median 30 Max
-16.894 -1.085 2.494 4.269 8.113
Coefficients:
           Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) -1.9625 9.8294 -0.200 0.847422
Science
        0.8707 0.1337 6.511 0.000331 ***
Residual standard error: 7.946 on 7 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.8583, Adjusted R-squared: 0.838
F-statistic: 42.39 on 1 and 7 DF, p-value: 0.0003308
```

> fit.2 <- lm(Literature ~ Science, data = dt):</pre>

## 簡單線性迴歸 ...

#### > anova(fit.2)

```
Analysis of Variance Table
```

Response: Literature

Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)

Science 1 2676.08 2676.08 42.389 0.0003308 \*\*\*

Residuals 7 441.92 63.13

# 簡單線性相關」

目標:計算 Science 與 Literature 的簡單線性相關係數是 否為零。

- > cor.test(dt\$Literature, dt\$Science)
  > cor.test(~ Literature + Science, data = dt)
- > cor.lest(~ Literature + Science, data = dt
- > cor.test(~ Science + Literature, data = dt)

### 簡單線性相關॥

> cor.test(dt\$Literature, dt\$Science)

Pearson's product-moment correlation

```
data: dt$Literature and dt$Science
t = 6.5107, df = 7, p-value = 0.0003308
alternative hypothesis: true correlation is not equal to 0
95 percent confidence interval:
    0.6817766    0.9847014
sample estimates:
    cor
    0.9264278
```

# 散佈圖口

#### coef() 的基本語法

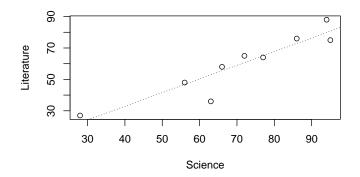
coef(lm物件, ...) # 取出各迴歸係數

### plot.formula() 和 abline() 的基本語法

```
> plot(Literature ~ Science, data = dt)
> abline(a = coef(fit.2)[1], b = coef(fit.2)[2], lty = 3)
```

# 散佈圖॥

> plot(Literature ~ Science, data = dt)
> abline(a = coef(fit.2)[1], b = coef(fit.2)[2], lty = 3)



<sup>6</sup> plot.formula() 可簡寫成 plot()。

# Q&A的時間又到囉

- 我怎麼知道我做對了?
- A 拿出你的統計學課本的例題,用R做做看。
- Q R 畫的圖想做更多調整 ......
- A1 這件工作不是非常容易,需要經驗。有空看看 par() 和 plot() 的使用手冊。
- A2 初學者可以先用 R 畫個大概的樣子,再以其它圖片編輯軟體後製。參考 png()、pdf()、svg()等方法來輸出圖檔。

# 大綱

- R 簡介與操作環境
- 2 R 的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- 5 學習心得與討論資源
- 6 試練窟

### 阿盤的個人學習心得

- 修習使用 R 的課。
- 多「玩」。把函數裡的 Example 玩一玩、改一改。
- 肯問人。逛逛網路教學和論壇。
- 買 (可能不只一本) 書。
- 拿出統計學課本的例題,用 R 做做看。
- 做過的程式碼要建檔,方便日後使用。
- 卡關時,先用英文問 Google 大神。
- 做出答案時,不要直接相信這是正解,應該以專業人士、書籍、網頁資料驗證。

# 中文書籍推薦

繁體中文書非常少,但簡體中文書不少。去圖書館或書局 翻翻。能看懂有收穫就有參考價值。初學程式語言者應該 都需要一本。

- 《R 軟體:應用統計方法》陳景祥著,東華出版社。 對初學者很有幫助的一本。R語言和統計學併重。
- 《R 錦囊妙計》Paul Teetor 著,張夏菁譯,歐萊禮出版社。
  - 前半本内容是 R 語言,後半本是以 R 進行統計工作。
- 《R语言实用教程》薛毅、陈立萍著,清华大学出版社。
- 《统计建模与 R 软件》薛毅、陈立萍著,清华大学出版 社。

以數理統計為主,R語言實作為輔。

# 英文書籍推薦

英文書選擇極多。我推薦以下幾本我喜歡或值得閱讀的。

 "Biostatistical Design and Analysis Using R: A Practical Guide" by Murray Logan. Wiley-Blackwell Press.

實驗設計和R並重,非常推薦。

"The R Book, 2<sup>nd</sup> Edition" by Michael J. Crawley.
 Wiley Press.

較不易閱讀,但仍值得細讀。R 語言和統計併重。

 "A First Course in Statistical Programming with R" by W. John Braun & Duncan J. Murdoch. Cambridge University Press.

易讀。統計學基礎内容為主,但實驗設計部份少。

# 網路教學

- 《R 演習室》@ youtube.com<sup>7</sup>
   針對初學者的 R 視訊教學系列。有廣告 (歡迎多看 幾秒),但有提供影片載點。
- http://www.r-software.org/home
   中華 R 軟體學會。收錄許多中文影片與中文教學,內容豐富,亦適合初學者。
- "Quick-R"by Robert I. Kabacoff<sup>®</sup> 我常用的速查網站。
- 英文的的網路教學非常多,請自行搜尋「R turorial」。

7
https://www.youtube.com/playlist?list=PL5AC0ADBF65924EAD

<sup>8</sup> http://www.statmethods.net/

# 網路討論區

- PTT 的 R\_Language 板
   路徑: 戰略高手 → CompScience → R\_Language
   對初學者友善。
- (中文的) R 軟體使用者論壇<sup>9</sup>
- Tag "R" @ stackoverflow.com<sup>10</sup>

9
https://groups.google.com/forum/?hl=zh-TW#!forum/taiwanruser

http://stackoverflow.com/questions/tagged/r

### R的套件

### 什麼是套件 (package)?

安裝在R系統裡的外掛,讓你「不用重新造輪子」。

### 如何安裝、更新及引入套件?

- 連上網路之後,輸入 install.packages("套件名稱")可以安裝某套件
- 在已安裝某套件之後,輸入 library(套件名稱)可引入該套件,之後才可以使用它的功能。
- 連上網路之後,輸入 update.packages()可以更新 所有已安裝套件。

### R的官方套件庫

R 官方收錄有六千多個的套件," 可直接以 install.packages() 安裝。

#### 我常用的套件

- (一般/廣義) 線性模型: gmodels、lmtest、aod
- 混合模型: Ime4、nlme、MCMCglmm
- 蒙地卡羅、隨機化: permute、boot
- 多變量、群落生態、生物多樣性: vegan

http://cran.r-project.org/web/packages/available\_packages\_by\_name.html

# Q&A的時間又到囉

- Q 如何找能做某件事的套件?
- A 請 Google 大神幫你找最快。真的。
- Q 阿盤學多久才叫「上手」、「有生產力」?
- A 自學半年以上,但我今天就要把八成功力都傳給你了!
- Q 聽到這裡,我想認輸了......我想重回用滑鼠搞定的世界。
- A 只要是適合自己的工具,就是好工具。

### 今日的總複習

- 建立一個 (適合自己的) R 工作環境
- 了解 R 的函數與如何閱讀其使用手冊
- R 如何讀取並整理資料
- 練習常見的統計方法
- 讓自己更厲害的資源

- > cat("Have wonderful R experiences!\n")
- > q()

# 大綱

- R 簡介與操作環境
- 2 R 的函數
- 3 資料的讀取與整理
- 4 統計分析與繪圖
- ⑤ 學習心得與討論資源
- 6 試練窟

# 按今日課程試著完成以下練習

- 想辦法以 R 讀取 nation-data.xlsx 的内容並命名為 mydt0 資料框。以檔案中所有國家為樣本完成以下分析。
- ② 利用配對樣本 T 檢驗, 考驗 Mortality.rate.child 之平均是否顯著高於 Mortality.rate.newborn 之平均。提示:
  不是雙尾檢驗。
- ⑤ 以 GDP.10000 為組別,計算 HIV. rate 在各組的平均值和標準偏差,並利用獨立雙樣本 T 檢驗比較組間的平均是否顯著不等,以及繪製對應的盒形圖。
- 以 Continent 為組別, 計算 Age.ave 在各組的平均值和 標準偏差,並利用單因子變異數分析比較組間的平均差異 是否顯著不等,以及繪製對應的盒形圖。
- ⑤ 以 HIV. rate 為反應變數 (應變數), Age. ave 為解釋變數 (自變數), 建立簡單線性迴歸模型, 並檢驗斜率及相關係數是否顯著不為零, 以及繪製對應之散佈圖。

# 以下是參考解答

防雷一下

# 參考解法」

#### 讀入 CSV 檔:

- > setwd("somewhere") # 更變目前路徑
- > mydt0 <- read.csv("nation-data.csv") # 讀檔
- > mydt0

```
Nation Continent HIV.rate Age.ave Mortality.rate.child
           Algeria
                     1Africa
                                 0.10
                                       72.904
                                                         18.090586
                    1Africa
           Morocco
                                 0.10
                                      71.882
                                                         13.156450
            Zambia 1Africa
                                13.50
                                       48.513
                                                        105.545396
                                  . . .
71 Slovak Republic
                     4Europe
                                 0.06
                                      75.242
                                                          4.203745
72
            Latvia
                     4Europe
                                 0.70
                                       73.039
                                                          4.064162
```

# 參考解法॥

> names(mydt0) # 查看變數名

```
[1] "Nation" "Continent" "HIV.rate"
[4] "Age.ave" "Mortality.rate.child" "Mortality.rate.newborn"
[7] "GDP.10000"
```

> dim(mydt0) # 查看列數與欄數

```
[1] 72 7
```

# 參考解法 ...

> x.1 <- mydt0\$Mortality.rate.child > x.2 <- mydt0\$Mortality.rate.newborn</pre>

對 Mortality.rate.child 和 Mortality.rate.newborn 的配對樣本 T 檢驗:

> t.test(x.1, x.2, paired = T, alternative = "g")

註: 參考使用無母數方法 one-sample Wilcoxon test wilcox.test(..., paired = T)。

# 參考解法 ⋈

#### 以 GDP.10000 分組對 HIV.rate 之描述:

- > tapply(mydt0\$HIV.rate, mydt0\$GDP.10000, mean))
- > with(mydt0, {tapply(HIV.rate, GDP.10000, mean)}) # 亦可

```
high low
0.286087 1.213061
```

> with(mydt0, {tapply(HIV.rate, GDP.10000, sd)} )

```
high low
0.3095707 2.7004554
```

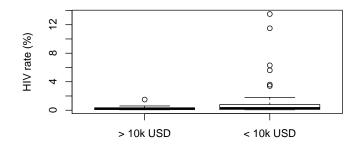
# 參考解法 ٧

### 以 GDP. 10000 分組對 HIV. rate 之獨立雙樣本 T 檢驗:

註: 此例使用 t.test(..., var.equal = F) 可能較洽當 (因為二組的變方差距不小), 甚至參考使用無 母數方法 two-sample Wilcoxon test wilcox.test() 或 two-sample Kolmogorov-Smirnov test ks.test()。

# 參考解法 🗤

### 以 GDP.10000 分組對 HIV. rate 之盒形圖:



**GDP** 

# 參考解法 🗤

### 以 Continent 分組對 Age.ave 之描述:

> with(mydt0, {tapply(Age.ave, Continent, mean)})

```
1Africa 2America 3Asia 4Europe
61.11923 74.48475 72.31782 77.37283
```

> with(mydt0, {tapply(Age.ave, Continent, sd)})

```
1Africa 2America 3Asia 4Europe
9.308895 4.014003 6.383229 3.820449
```

# 參考解法 ٧١١١

### 以 Continent 分組對 Age.ave 進行單因子變異數分析:

- > f.anova <- aov(Age.ave ~ Continent, data = mydt0)</pre>
- > summary(f.anova)

```
Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Continent 3 2439 813.0 24.12 9.66e-11 ***
Residuals 68 2292 33.7
```

註: 此例之間間變方甚不同質,故以 oneway.test(Age.ave ~ Continent, data = mydt0) 進行組間變 方不同質之修正, 或是以 kruskal.test(Age.ave ~ Continent, data = mydt0) 進行 Kruskal-Wallis rank sum test, 可能較洽當。

# 參考解法 IX

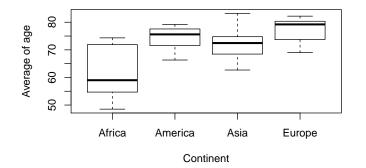
#### Tukey 事後檢驗:

> TukeyHSD(f.anova, "Continent")

```
Tukey multiple comparisons of means
   95% family-wise confidence level
Fit: aov(formula = Age.ave ~ Continent, data = mydt0)
$Continent
                     diff
                                 lwr
                                          upr
                                                  p adi
2America-1Africa 13.365519 7.2440030 19.487035 0.0000014
3Asia-1Africa 11.198593 5.5646064 16.832579 0.0000102
4Europe-1Africa 16.253603 11.1760641 21.331141 0.0000000
3Asia-2America -2.166926 -7.9324031 3.598550 0.7556740
4Europe-2America 2.888083 -2.3349728 8.111139 0.4693185
4Europe-3Asia
                 5.055010 0.4129029 9.697117 0.0275116
```

# 參考解法×

### 以 Continent 分組對 Age.ave 繪製盒形圖:



### 參考解法 xi

#### HIV. rate vs Age.ave 的簡單線性迴歸:

> fit.reg <- lm(HIV.rate ~ Age.ave, data = mydt0)
> summary(fit.reg)

```
Call:
lm(formula = HIV.rate ~ Age.ave, data = mydt0)
Residuals:
   Min 10 Median 30
                                 Max
-2.6995 -0.8609 -0.0631 0.7118 7.8572
Coefficients:
           Estimate Std. Error t value Pr(>|t|)
(Intercept) 15.09700 1.73463 8.703 9.27e-13 ***
Age.ave -0.19488 0.02369 -8.225 7.03e-12 ***
Residual standard error: 1.63 on 70 degrees of freedom
Multiple R-squared: 0.4915, Adjusted R-squared: 0.4842
F-statistic: 67.65 on 1 and 70 DF, p-value: 7.027e-12
```

註: 考慮應變數轉型 lm(sqrt(HIV.rate + 1) ~ Age.ave, ...) 或自變數包括二次式 lm(HIV.rate ~ Age.ave + I(Age.ave ^ 2), ...)。

# 參考解法 xii

#### HIV. rate vs Age. ave 的簡單線性相關:

- > cor.test( ~ HIV.rate + Age.ave, data = mydt0)
- > cor.test(mydt0\$HIV.rate, mydt0\$Age.ave) # 亦可

```
註: 考慮無母數相關 cor.test(..., method = "kendall") 或 cor.test(..., method = "spearman")。
```

### 參考解法 xiii

#### HIV. rate vs Age. ave 的散佈圖:

```
> plot(HIV.rate ~ Age.ave, data = mydt0,
+ xlab = "Average of age", ylab = "HIV rate (%)")
> abline(a = coef(fit.reg)[1], b = coef(fit.reg)[2],
+ lty = 2, col = 6)
```

