統計分析結果的報導方式

Chen-Pan Liao

December 3, 2019



本文件全文之著作權屬廖鎮磐 (Chen-Pan Liao) 所有 (聲明日: December 3, 2019), 並採用姓名標示-相同方式分享 4.0 國際 (CC BY-SA 4.0; 詳細內容請見 http://creativecommons.org/licenses/by-sa/4.0/deed.zh_TW)。本文原始碼請見 https://github.com/chenpanliao/report-statistical-results-TC。

目錄

- 1. 前言 2
- 2. 單樣本均值檢驗 3
 - 2.1. 常態情況, 3 2.2. 非常態情況, 3
- 3. 配對兩樣本均值檢驗 3
 - 3.1. 常態情況, 3 3.2. 非常態情況, 4
- 4. 獨立兩樣本均值檢驗 5
 - 4.1. 常態情況, 5 4.2. 非常態情況, 5
- 5. 多樣本單因子均值檢驗 7
 - 5.1. 常態且變方同質情況, 7 5.2. 常態且變方異質情況, 8 5.3. 非常態情況, 8

6. 多樣本多因子均值檢驗 10

6.1. 二因子交互作用因子實驗, 10 6.2. 二因子無交互作用因子實驗, 11

- 7. 簡單線性迴歸 12
- 8. 簡單相關 13
 - 8.1. 雙常態分布情況, 13 8.2. 次序相關, 14
- 9. 卡方適合度檢驗 15
- 10. 卡方獨立性檢驗 15
- A. R code 17

1 前言

一般而言,在收隻樣本後必須報導描述性統計,包括中央趨勢 (如平均值或中位數)、樣本數及變異程度 (如標準偏差或標準誤差);這些敘述性統計若內容太多可以改以圖或表的方式呈現。對於特別感到興趣的參數應計算其信賴區間。進行檢驗後應報導檢定統計量 (如 T、F、 χ^2 等)、自由度與 p-value,並報導合適的效果量 (如 Cohen's D、r、 R^2 等)。在撰寫統計結果時,必須報導上述重要的統計結果,重新編排成有意義的圖或表,最終正確解讀結果。然而,在筆者經驗中,初學統計的大學生往往不能掌握這一連串撰寫統計結果的技巧。

因此,我收集了一些常見統計例題,並以學術報告口吻示範如何報導上述統計結果供學生模仿。以下我將按不同的分析情況示範報導分析結果,包括結果的文字撰寫與製作合適的圖表。因課程訓練需求,我刻意報導較多細節而看來十分繁瑣冗長。學生可以先模仿我的內容以撰寫統計學報告與作業,但未來其它課程或學術報告時應有所取捨。最末一併附上計算及繪圖之 R code。本文內容將隨課程進度持續增加內容。

本文關於效果量在筆者主持之課堂中並未多加說明,且不同的效果量適合不同的統計方法,學生可按自己的能力決定是否報導效果量。

2 單樣本均值檢驗

2.1 常態情況

檢驗 8.8, 10.3, 11.1, 7.7, 10.4, 10.5, 9.4, 9.5, 9.4, 9.1 之中央趨勢是否顯著不同於 9。 結果指出,樣本平均 \pm 標準差為 9.62 \pm 0.987 (n=10)。由 Shapiro-Wilk test 檢驗常態性發現不能拒絕常態之虚無假設 (W=0.960, P=0.790),故以 one-sample two-tailed Student-t test 進行檢驗 $H_0: \mu=9$ 。結果指出,平均值的 95% 信賴區間為 [8.914, 10.236],無法拒絕 $\mu=9$ 的虚無假說 (T=1.986, DF = 9, P=0.078)。此外,Cohen's D=0.627 顯示中度效果量。結論是,母體平均不顯著不等於 9,但由中度效果量推測,不顯著可能是因樣本數不足造成的。

2.2 非常態情況

檢驗 2.5, 0.25, 0.01, 1.74, 0.39, 0.09, 0.82, 0.2, 0.84, 0.76 之中央趨勢是否顯著不同於 2。

結果指出,樣本平均 ± 標準差為 0.76 ± 0.797 (n = 10)。由 Shapiro-Wilk test 檢驗常態性發現拒絕常態之虚無假設 (W = 0.841, P = 0.045),故以 Wilcoxon signed rank sum test 進行檢驗 H_0 :中位數 = 2。結果指出,應拒絕中位數 = 2 的虚無假說 (樣本中位數 = 0.575, V = 2, P = 0.006)。此外,多達 90% 的樣本小於 2,顯示高度的效果量。結論是,母體中位數顯著不等於 2 且小於 2。1

3 配對兩樣本均值檢驗

3.1 常態情況

檢驗以下配對樣本

 x_1 8.8 10.3 11.1 7.7 10.4 10.5 9.4 9.5 x_2 9.2 10.4 11.6 7.7 10.6 11.6 11.4 10.4

之差值 $(x_1 - x_2)$ 中央趨勢是否顯著小於 0.1。

¹在雙尾檢驗後若顯著可以藉樣本平均或中位數的大小直接解釋為顯著大於或小於。

結果指出, x_1 與 x_2 之平均 ± 標準差分別為 9.71 ± 1.095 及 10.36 ± 1.344 ($n_{\text{pair}} = 8$; 圖 1a)。差值平均 ± 標準差為 -0.65 ± 0.665 (圖 1b)。由 Shapiro-Wilk test 檢驗差值之常態性發現不能拒絕常態之虚無假設 (W = 0.883, P = 0.202),故以 two-sample paired t-test 檢驗 $H_0: \mu_1 - \mu_2 \ge 0.1$ 。結果指出,應拒絕虚無假設 (T = -3.188, DF = 7, P = 0.015)。此外,差值平均之 95% 信賴區間為 [-1.206, -0.0936],且 Cohen's D = 1.728 顯示高度效果量。結論是:差值平均 顯著小於 0 且差距之效果量甚高。

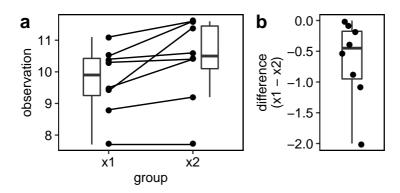


圖 1: 配對兩樣本的觀測值盒形圖 (a) 及差值盒形圖 (b)。

3.2 非常態情況

檢驗以下配對樣本

$$x_1$$
 5.1 6.9 7.2 6.5 7.2 6.4 5.3 7.7 x_2 5.6 6.2 6.6 6.7 6.7 5.8 4.8 8.1

之差值 $(x_1 - x_2)$ 中央趨勢是否顯著偏離 1。

結果指出, x_1 與 x_2 之平均 ± 標準差分別為 6.538 ± 0.924 及 6.313 ± 0.975 ($n_{pair} = 8$; 圖 2a)。差值平均 ± 標準差為 0.225 ± 0.501 (圖 2b)。由 Shapiro-Wilk test 檢驗差值之常態性,結果顯示應拒絕常態之虚無假設 (W = 0.797, P = 0.026),故以 Wilcoxon signed rank sum test 進行檢驗 H_0 : 差值中位數 = 1。 結果顯示,差值中位數顯著不等於 1 (V = 0, P = 0.014) 而是小於 1。此外, 100% 的樣本差值小於 1,具極高的效果量。結論是,差值母體中位數顯著小於 1 且效果量高。

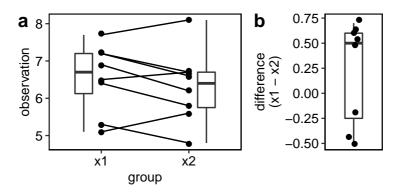


圖 2: 配對兩樣本的觀測值盒形圖 (a) 及差值盒形圖 (b)。

4 獨立兩樣本均值檢驗

4.1 常態情況

檢驗以下兩獨立樣本

*x*₁ 8.6 10 9.2 10.2 11.4 10.7 *x*₂ 9.7 8.8 9.2 10.2 9.3 7.6 8.6

之中央趨勢是否顯著偏離 0。

結果指出, x_1 與 x_2 之平均 ± 標準差分別為 10.02 ± 1.095 及 9.057 ± 0.836 ($n_1 = 6$, $n_2 = 7$; 圖 3)。由 Shapiro-Wilk test 檢驗差值之常態性發現二樣本皆不能拒絕常態之虚無假設 (x_1 , W = 0.985, P = 0.975; x_2 , W = 0.976, P = 0.938),故以 Welch two-Sample t-test 檢驗 $H_0: \mu_1 - \mu_2 = 0$ 。結果指出不應拒絕虚無假設 (T = 1.848, DF = 9.794, P = 0.095)。此外,差值平均之 95% 信賴區間為 [-0.201, 2.120],且 Cohen's D = 1.044 顯示高度效果量。結論是二樣本平均無顯著差異,但效果量甚高,可能因樣本數不足而發生型二錯誤。

4.2 非常態情況

檢驗以下兩獨立樣本

 x_1 0 0.1 0.7 0.7 0.9 0.7 0 0. x_2 0.7 1.6 0.6 0.4 1.7 0.2 1.4

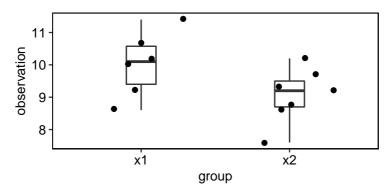


圖 3: 獨立兩樣本的觀測值盒形圖。

之中央趨勢是否顯著偏離 0。

結果指出, x_1 與 x_2 之平均 ± 標準差分別為 0.5 ± 0.396 及 0.943 ± 0.611 ($n_1 = 8$; $n_2 = 7$; 圖 4)。由 Shapiro-Wilk test 檢驗差值之常態性發現 x_1 拒絕常態之虚無假設 (x_1 , W = 0.794, P = 0.024; x_2 , W = 0.890, P = 0.276),故以 Mann-Whitney U test 檢驗 H_0 : Median₁ — Median₂ = 0。結果指出不應拒絕虚無假設 (W = 18.5, P = 0.292)。此外,Cliff's d = 0.339 顯示中等程度效果量。結論是,二樣本之中位數無顯著差異,但效果量程中度,可能因樣本數不足而發生型二錯誤。

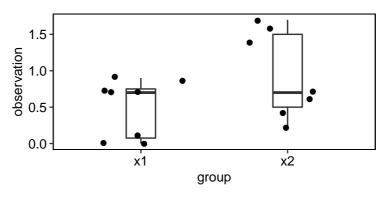


圖 4: 獨立兩樣本的觀測值盒形圖。

5 多樣本單因子均值檢驗

5.1 常態且變方同質情況

檢驗以下三獨立樣本

$$x_1$$
 5.16 4.24 4.7 4.58 6.06 5.99 x_2 4.91 5.65 5.58 5.12 4.32 x_3 7.65 6.64 7 5.57 5.84 8.48 7.07

之中央趨勢是否相等。

三樣本的描述性統計如表 1。由於三組樣本分布並不顯著偏離常態 (Shapiro-Wilk test, $P_1 = 0.709$, $P_2 = 0.85$, $P_3 = 0.925$),且變異數不顯著不等 (Bartlett test, $\chi^2 = 0.469$, DF = 2, P = 0.791),故以 one-way ANOVA 檢驗 $H_0: \mu_1 = \mu_2 = \mu_3$ 。結果顯示,x 為顯著因子 (F = 9.297, DF = [2,15], P = 0.0024),且 η^2 顯示有 55.3% 的變異量可由 x 因子解釋。接下來以 Tukey's range test 進行多重比較,結果顯示, x_1 與 x_3 存在顯著差異,而 x_2 與另二組皆無顯著差異 (表 2; 圖 5)。

表 1: 獨立三樣本的描述性統計。

Group	Mean	SD	n
x_1	4.94	0.77	6
x_2	5.86	0.79	5
x_3	6.65	0.59	7

表 2: 獨立三樣本的事後多重比較。

Comparison	Estimate	95% CI lower	95% CI upper	$P_{ m adj}$
$x_2 - x_1$	0.917	-0.200	2.034	0.117
$x_3 - x_1$	1.704	0.677	2.730	0.002
$x_3 - x_2$	0.787	-0.293	1.867	0.175

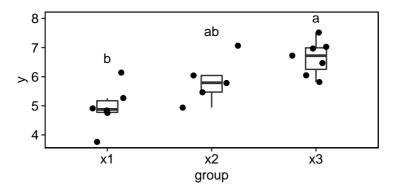


圖 5: 獨立三樣本的觀測值盒形圖。上方字母為多重比較的分群結果;若任二組存在相同字母則表示不存在顯著差異,反則反之。

5.2 常態且變方異質情況

檢驗以下三獨立樣本

 x_1 3.18 4.12 3.52 3.29 5.13 5.2

 x_2 5.7 5.21 7.62 8.19 6.26

*x*₃ 7.12 7.4 8.19 3.66 3.78 11.9 6.87

之中央趨勢是否相等。

三樣本的描述性統計如表 3。由於三組樣本分布並不顯著偏離常態 (Shapiro-Wilk test, $P_1=0.158$, $P_2=0.593$, $P_3=0.388$),且變異數顯著不相等 (Bartlett test, $\chi^2=6.340$, DF = 2,P=0.042),故以 Welch one-way ANOVA 檢驗 $H_0: \mu_1=\mu_2=\mu_3$ 。結果顯示,x 為顯著因子 (F=8.248, DF = (2,8.953),P=0.009) 即三組母體平均不全相等,且 η^2 顯示有 34.77% 的變異量可由 x 因子解釋。接下來以 Games-Howell method 進行多重比較,結果顯示, x_1 與 x_3 存在顯著差異,而 x_2 與另二組皆無顯著差異 (表 4;圖 6)。

5.3 非常態情況

檢驗以下三獨立樣本

 x_1 11.2 0.5 4.5 2.8 16.5 2.2 2.1 2

*x*₂ 2.8 1.8 1.7 3.6 3.5 1.4 0.5

 x_3 0.5 2 0.8 0.3 0.4 0.4

表 3: 獨立三樣本的描述性統計。

Group	Mean	SD	n
$\overline{x_1}$	4.073	0.906	6
x_2	6.596	1.267	5
x_3	6.989	2.803	7

表 4: 獨立三樣本的事後多重比較。

Comparison	Estimate	95% CI	T	DF	$P_{ m adj}$
$x_2 - x_1$	2.523	[0.536, 4.509]	3.727	7.103	0.017
$x_3 - x_1$	2.915	[-0.345, 6.175]	2.598	7.420	0.077
$x_3 - x_2$	0.393	[-2.973, 3.758]	0.327	8.840	0.943

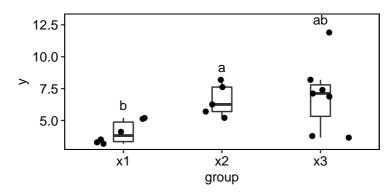


圖 6: 獨立三樣本的觀測值盒形圖。上方字母為多重比較的分群結果;若任二組存在相同字母則表示不存在顯著差異,反則反之。

之中央趨勢是否相等。

三樣本的描述性統計如表 5。由於 x_1 與 x_3 分布顯著偏離常態 (Shapiro-Wilk test, $P_1 = 0.014$, $P_2 = 0.577$, $P_3 = 0.008$), 故以 Kruskal-Wallis rank sum test 檢驗 H_0 : 中位數 $_1$ = 中位數 $_2$ = 中位數 $_3$ 。結果顯示, $_4$ 為顯著因子 ($_4$ = 9.041, DF = 2, $_4$ = 0.011),且 $_4$ = 0.391 顯示高度效果量。Dunn's Kruskal-Wallis multiple comparisons 之多重比較結果顯示, $_4$ 與 $_4$ 存在顯著差異,而 $_4$ 與 $_4$ 二組皆無顯著差異 (表 $_4$ 6;圖 $_4$ 7)。

表 5: 獨立三樣本的描述性統計。

group	Mean	SD	n	
	x_1	5.225	5.617	8
	x_2	2.186	1.151	7
	x_3	0.733	0.644	6

表 6: Dunn's Kruskal-Wallis 多重比較之結果。

Comparison	Z	$P_{ m adj}$
$x_1 - x_2$	0.964	0.335
$x_1 - x_3$	2.979	0.009
$x_2 - x_3$	1.994	0.092

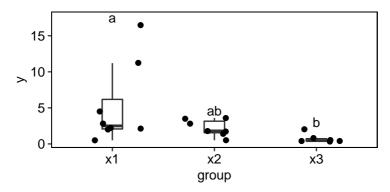


圖 7: 獨立三樣本的觀測值盒形圖。上方字母為多重比較的分群結果;若任二組存在相同字母則表示不存在顯著差異,反則反之。

6 多樣本多因子均值檢驗

6.1 二因子交互作用因子實驗

完全隨機 3×2 雙因子之因子實驗結果如下,

因子 A	因子 B	Y
A_1	B_1	4.7, 3.4, 4, 4.7
A_1	B_2	3.8, 4.2, 5.1, 5.9
A_1	B_3	6.7, 5.9, 6.7, 5.5, 5.9
A_2	B_1	5.4, 4.4, 5.9, 6.6
A_2	B_2	7.4, 8, 5.9, 6.8
A_2	B_3	9.5, 9.5, 11, 10.3, 10

分析二因子或交互作用對 Y 中央趨勢之影響。

各組平均及其信賴區間如圖 8 所示。Twoway ANOVA 結果指出顯著的因子 A 與 B 之交互作用 (P=0.006; 7),故將二因子合併進行 oneway ANOVA 以估計簡單主效應。結果指出,六組間不全相等 (F=35.33, DF = [5, 20],P<0.001, $\eta^2=89.8\%$)。以 Tukey's range test 進行事後兩兩比較,結果指出,在 A 因子相同的情況下, B_3 皆顯著高於 B_1 與 B_2 且 B_1 與 B_2 間沒有顯著差異;在 B_2 與 B_3 之內, A_2 皆顯著高於 A_1 (圖 8)。上述二點即為 $A\times B$ 交互作用顯著之原因。在模型診斷方面,六組皆無顯著偏離常態且變方無顯著差異,符合 ANOVA 及 Tukey's range test 之前題。 ²

表 7: Twoway TYPE III ANOVA variance 拆解。

	SS	DF	F	P
\overline{A}	40.93	1	71.01	< 0.001
B	49.28	2	42.74	< 0.001
$A \times B$	7.56	2	6.56	0.006
Residuals	11.53	20		

6.2 二因子無交互作用因子實驗

(todo)

²此例中的簡單主效應其實與第5節所述的單因子均值比較相同,可一併參考該節。



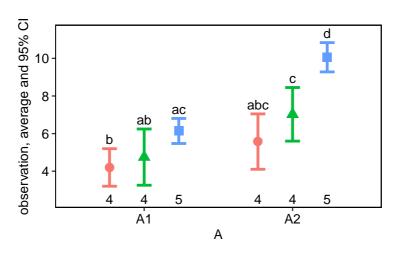


圖 8: 雙因子之因子實驗於各組的觀測結果、平均及 95% 信賴區間。上方字母為 多重比較的分群結果;若任二組存在相同字母則表示不存在顯著差異,反則反 之。下方數字表示各組之重覆數。

7 簡單線性迴歸

以下樣本

x 8.8 10.3 11.1 7.7 10.4 10.5 9.4 9.5 *y* 17 19.7 21.7 14.4 20 21.1 19.8 18.9

中, y 為應變數, x 為自變數, 建立 $y = \beta_0 + \beta_1 x + \varepsilon$ 的簡單線性迴歸。

簡單線性迴歸之結果如表 8 及圖 9a。結果顯示,每 x 增加 1 單位使 y 平均顯著增加 2.069 單位,應拒絕 H_0 : $\beta_1 = 0$ (表 8a)。就效果量而言,自變數可解釋 $R^2 = 92.4\%$ 之變異量,屬高效果量。就迴歸診斷而言,殘差之 Q-Q 圖 (圖 9b) 顯示殘差呈輕微右偏態,Shapiro-Wilk test 顯示殘差並未顯著偏離常態分布 (W = 0.848, P = 0.090),模型配適尚可。結論是,自變數顯著地增加應變數且效果明顯。

表 8: 簡單線性迴歸之結果。

Variable	Estimate ± Std. Error	T (DF = 6)	P	95% CI
Intercept	-1.016 ± 2.408	-0.422	0.688	[-6.909, 4.877]
X	2.069 ± 0.247	8.389	< 0.001	[1.465, 2.672]

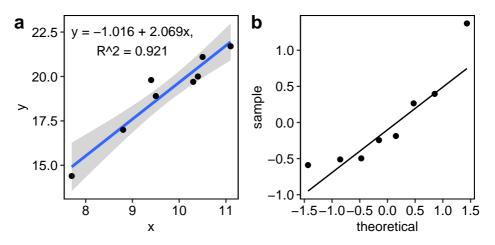


圖 9: 簡單線性迴歸之散布圖及迴歸線 (a) 及 Q-Q plot (b)。圖中灰色區域為 95% confidence pointwise band。

8 簡單相關

8.1 雙常態分布情況

以下樣本

$$x_1$$
 8.8 10.3 11.1 7.7 10.4 10.5 9.4 9.5 x_2 17 19.7 21.7 14.4 20 21.1 19.8 18.9

中,分析二變數之間的相關性。

首先以 Shapiro-Wilk multivariate normality test 檢驗 x_1 與 x_2 是否偏離雙變量常態分布,結果顯示不能拒絕 $H_0: x_1$ 與 x_2 之母體聯合分配為常態 (W=0.860, P=0.120),故可計算 Pearson correlation。結果指出,r=0.960 屬高度正相關且應拒絕 $H_0: \rho=0$ (95% CI = [0.789,0.993],F=8.389,DF = 6,P<0.001;圖 10)。結論是, x_1 與 x_2 間存在顯著的高度正向線性相關性。

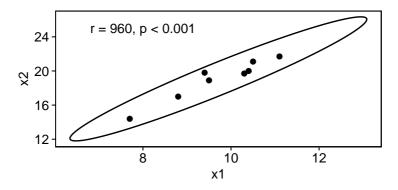


圖 10: x_1 與 x_2 散布圖。圖中楕圓區域表示相關性之 95% confidence ellipse。

8.2 次序相關

以下樣本

$$x_1$$
 7.5 5.4 5.9 6.1 7.9 7.9 6.6 6 x_2 0.3 0.2 4.4 2.7 0.1 1 0.3 0.5

中,分析二變數之間的相關性。

首先以 Shapiro-Wilk multivariate normality test 檢驗 x_1 與 x_2 是否偏離雙變量常態分布,結果顯示不能拒絕 $H_0: x_1$ 與 x_2 之母體聯合分配為常態 (W=0.739, P=0.006),故計算 Spearman's rank correlation coefficient。結果指出, $r_{\rm s}=-0.241$ 屬低度負相關且無法拒絕 $H_0: \rho_{\rm s}=0$ (S=104.24, P=0.565; 圖 11)。結論是, x_1 與 x_2 間不存在顯著次序相關性。

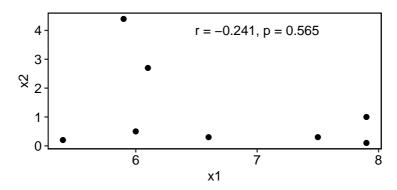


圖 11: x_1 與 x_2 散布圖。

9 卡方適合度檢驗

隨機抽樣 40 人,發現各血型次數為 $\{O:A:B:AB\} = \{20:15:3:2\}$ 。檢驗 $H_0:\pi_O:\pi_A:\pi_B:\pi_{AB}=0.4:0.3:0.2:0.1$ 。

四種血型的母體比例估計如表 9。卡方適合度檢驗結果指出 $\chi^2 = 5.875$ (DF = 3)。由於血型 B 和 AB 之期望值極低 (< 1),故採用 4,999 次 permutation 得 P = 0.112 而不能拒絕 H_0 。

Blood type	Frequency	Proportion	95% CI
A	15	0.375	[0.216, 0.598]
AB	2	0.050	[0.008, 0.154]
В	3	0.075	[0.019, 0.194]
O	20	0.500	[0.312, 0.752]

表 9: 血型頻率與比例估計。

10 卡方獨立性檢驗

隨機抽樣 350 人,發現居住地與收入分級的次數為

	income		
location	low	median	high
A	2	10	68
В	30	10	50
C	60	19	101

試檢驗居住地與收入分級獨立 $H_0: \pi_{ij} = \pi_i \pi_j$ 。

居住地與收入的邊際比例如圖 12。卡方適合度檢驗結果指出應拒絕 H_0 表示居住地與收入並不獨立而存在關聯性 (χ^2 = 30.849,DF = 4,P < 0.001)。Cohen's W = 0.297 顯示居住地與收入之關聯性幾乎達到中等程度 (0.3 即達中度關聯)。若以居住地為多重比較的目標因子,再以卡方適合度比較居住地間比例並以 Holm-Bonferroni method 控制整體型一錯誤率,結果顯示居住地 A 顯著不

同於居住地 B 及居住地 C 但 B 與 C 間無顯著差異 (圖 12a)。綜合上述,居住地 與收入並不獨立而存在顯著關聯性,主要由居住地 A 與另外二地點的差異 (若 以居住地為比較對象) 造成。

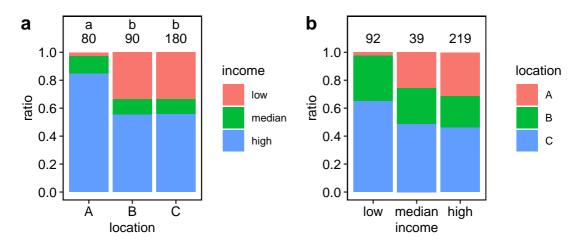


圖12: 按居住地(a) 與收入(b) 的邊際比例。柱上方的數字表示該居住地或收入的樣本數。柱上方的小寫字母表示居住地間多重比較之結果;若任二組存在相同字母則表示不存在顯著差異,反則反之。

A R code

以下為本文中所有產生資料、進行分析、製作表格與繪圖之 R code, 亦可至 https://github.com/chenpanliao/report-statistical-results-TC/blob/master/plot/report-results.R下載。

```
library(lsr)
    library(coin)
    library(ggpubr)
    library(data.table)
    library(multcomp)
5
    library(multcompView)
    library(xtable)
7
    library(userfriendlyscience)
8
    library(mvnormtest)
9
    library(car)
10
    library(FSA)
11
    library(rstatix)
12
    library(rcompanion)
13
14
    ## normal one-sample test
15
    set.seed(1234)
    x \leftarrow rnorm(10, 10, 1) \% round(1)
    paste0(x, collapse = ", ")
    mean(x)
19
    sd(x)
    shapiro.test(x)
21
    t.test(x)
22
    t.test(x, mu = 9)
23
    cohensD(x, mu = 9)
24
25
26
    ## non-normal one-sample test
27
    set.seed(1234)
28
    x \leftarrow rexp(10, 1) \% \% round(2)
29
    paste0(x, collapse = ", ")
30
    mean(x)
31
    sd(x)
32
    shapiro.test(x)
    wilcox.test(x, mu = 2)
34
35
36
    ## normal paired test
37
    set.seed(1234)
38
    x1 <- rnorm(8, 10, 1) %>% round(1)
39
    x2 < - round(x1 + rnorm(8, 1), 1)
40
    shapiro.test(x1 - x2)
41
    t.test(x1, x2, paired = T, mu = 0.1)
```

```
paste0(x1, collapse = " & ")
43
    paste0(x2, collapse = " & ")
44
    mean(x1)
45
    sd(x1)
46
    mean(x2)
47
    sd(x2)
48
    mean(x1 - x2)
49
    sd(x1 - x2)
50
    cohensD(x1 - x2, mu = 0.5)
51
    d.plot <-
52
      data.table(
53
        observation = c(x1, x2),
        group = gl(2, 8, labels = c("x1", "x2")),
        block = gl(8, 1, 16)
56
57
    f1 <-
58
      ggplot(d.plot, aes(group, observation)) +
59
      geom_boxplot(width = 0.2,
60
                    position = position_nudge(x = c(-0.2, 0.2)),
61
                    outlier.shape = NA) +
62
      geom_jitter(width = 0) +
63
      geom_segment(
64
        aes(
65
          x = 1,
66
          xend = 2,
67
          y = x1,
68
          yend = x2
69
70
        dcast(d.plot, block ~ group, value.var = "observation")
71
      theme_pubr(10, border = T)
73
    f2 <-
74
      dcast(d.plot, block ~ group, value.var = "observation") %>%
75
      [, (difference = x1 - x2), by = block] %%
76
      ggplot(aes(x = 0, y = difference)) +
77
      geom_boxplot(width = 0.1) +
78
      geom_jitter(width = 0.05) +
79
      theme_pubr(10, border = T) +
80
      theme(
81
        axis.ticks.x = element_blank(),
82
        axis.text.x = element_blank(),
83
        axis.title.x = element_blank()
84
85
      ylab("difference\n(x1 - x2)") +
86
      xlim(c(-0.15, 0.15))
87
    windows(4, 2.0)
88
    ggarrange(
89
      f1,
90
      f2,
91
```

```
nrow = 1,
92
       labels = "auto",
93
       align = "h",
94
       widths = c(2, 1.2)
95
96
     ggsave("normal_paired_test.pdf")
97
98
99
     ## non-normal paired test
100
     set.seed(1212314)
101
     x1 <- runif(8, 5, 8) \% > % round(1)
102
     x2 \leftarrow round(x1 + runif(8, -1, 1), 1)
103
     shapiro.test(x1 - x2)
     wilcox.test(x1,
105
106
                  paired = T,
107
                  mu = 1,
108
                  exact = F)
109
     t.test(x1, x2, paired = T, mu = 0.1)
110
     paste0(x1, collapse = " & ")
111
     paste0(x2, collapse = " & ")
112
     mean(x1)
113
     sd(x1)
114
     mean(x2)
115
     sd(x2)
116
     mean(x1 - x2)
117
     sd(x1 - x2)
118
     cohensD(x1 - x2, mu = 0.5)
119
     table(x1 - x2 < 1)
120
     d.plot <-
       data.table(
122
123
         observation = c(x1, x2),
         group = gl(2, 8, labels = c("x1", "x2")),
124
         block = gl(8, 1, 16)
125
       )
126
127
       ggplot(d.plot, aes(group, observation)) +
128
       geom_boxplot(width = 0.2,
129
                      position = position_nudge(x = c(-0.2, 0.2)),
130
                     outlier.shape = NA) +
131
       geom_jitter(width = 0) +
132
       geom_segment(
133
         aes(
134
           x = 1,
135
           xend = 2,
           y = x1,
           yend = x2
139
         dcast(d.plot, block ~ group, value.var = "observation")
140
```

```
) +
141
       theme_pubr(10, border = T)
142
     f2 <-
143
       dcast(d.plot, block ~ group, value.var = "observation") %>%
144
       [, (difference = x1 - x2), by = block] %%
145
       ggplot(aes(x = 0, y = difference)) +
146
       geom_boxplot(width = 0.1) +
147
       geom_jitter(width = 0.05) +
148
       theme_pubr(10, border = T) +
149
       theme(
150
         axis.ticks.x = element_blank(),
151
         axis.text.x = element_blank(),
         axis.title.x = element_blank()
       vlab("difference\n(x1 - x2)") +
155
       xlim(c(-0.15, 0.15))
156
     windows(4, 2.0)
157
     ggarrange(
158
       f1,
159
       f2,
160
       nrow = 1,
161
       labels = "auto",
162
       align = "h",
163
       widths = c(2, 1.2)
164
165
     ggsave("non-normal_paired_test.pdf")
166
167
168
     ## normal independent two-sample test
169
     set.seed(124)
     x1 <- rnorm(6, 10, 1) \% > \% round(1)
171
     x2 <- rnorm(7, 9, 1) \% > \% round(1)
172
     shapiro.test(x1)
173
     shapiro.test(x2)
174
     t.test(x1, x2)
175
     paste0(x1, collapse = " & ")
176
     paste0(x2, collapse = " & ")
177
     mean(x1)
178
     sd(x1)
179
     mean(x2)
180
     sd(x2)
181
     cohensD(x1, x2)
182
     d.plot <-
183
       data.table(
184
         observation = c(x1, x2),
185
         group = c(rep("x1", 6), rep("x2", 7))
     windows(4, 2.0)
     ggplot(d.plot, aes(group, observation)) +
```

```
geom_boxplot(width = 0.2,
190
                     outlier.shape = NA) +
191
       geom_jitter(width = 0.3) +
192
       theme_pubr(10, border = T)
193
     ggsave("normal_independent_test.pdf")
194
195
196
     ## non-normal independent two-sample test
197
     set.seed(6324)
198
     x1 \leftarrow runif(8, 0, 1) \% round(1)
199
     x2 <- runif(7, 0, 2) \% > \% round(1)
200
     shapiro.test(x1)
201
     shapiro.test(x2)
202
     paste0(x1, collapse = " & ")
203
     paste0(x2, collapse = " & ")
204
     mean(x1)
205
     sd(x1)
206
     mean(x2)
207
     sd(x2)
208
     windows(4, 2.0)
209
     d.plot <-
210
       data.table(
211
         observation = c(x1, x2),
212
         group = c(rep("x1", 8), rep("x2", 7))
213
214
     windows(4, 2.0)
215
     ggplot(d.plot, aes(group, observation)) +
216
       geom_boxplot(width = 0.2,
217
                     outlier.shape = NA) +
218
       geom_jitter(width = 0.3) +
       theme_pubr(10, border = T)
220
     ggsave("non-normal_independent_test.pdf")
221
222
223
     ## oneway ANOVA
224
     set.seed(364)
225
     d <-
226
       data.table(y = round(c(rep(5, 6), rep(6, 5), rep(7, 7)) + rnorm(18), 2),
227
                   group = factor(c(rep("x1", 6), rep("x2", 5), rep("x3", 7))))
228
     tapply(d$y, d$group, shapiro.test)
229
     bartlett.test(y ~ group, d)
230
     d[, pasteO(y, collapse = " & "), by = group]
231
     d[, .(Mean = mean(y),
232
           SD = sd(y),
233
           n = length(y)), by = group] %>%
234
       as.data.frame %>%
       xtable(
237
         digits = 3,
238
```

```
auto = T,
239
         label = "table:oneway_ANOVA",
240
         caption = "獨立三樣本的描述性統計。"
241
242
     fit <- aov(y ~ group, d)
243
     summary(fit)
244
     TukeyHSD(fit, "group")$group
245
     TukeyHSD(fit, "group")$group %>%
246
       xtable(
247
         digits = 3,
248
         auto = T,
249
         label = "table:oneway_ANOVA_post",
250
         caption = "獨立三樣本的事後多重比較。"
       )
     fit.mult <-
253
       TukeyHSD(fit, "group")$group[, "p adj"] %>%
254
       multcompLetters %>%
255
       .$Letters %>%
256
       data.table(group = names(.), rank = .) %>%
257
       merge(., d[, .(max.val = max(y)), by = group], by = "group")
258
     windows(4, 2.0)
259
     ggplot(d, aes(group, y)) +
260
       geom_boxplot(width = 0.2,
261
                     outlier.shape = NA) +
262
       geom_{jitter}(width = 0.3) +
263
       geom_text(aes(group, max.val + 0.5, label = rank),
264
                 fit.mult,
265
                 size = 10 * 0.352777778) +
266
       theme_pubr(10, border = T)
267
     ggsave("oneway_ANOVA.pdf")
268
269
270
     ## Welch's ANOVA
271
     set.seed(12234)
272
     d <-
273
       data.table(y = round(rnorm(
274
275
         mean = c(rep(4, 6), rep(6, 5), rep(7, 7)),
276
         sd = c(rep(1, 6), rep(2, 5), rep(3, 7))
277
       ), 2),
278
       group = factor(c(rep("x1", 6), rep("x2", 5), rep("x3", 7))))
279
     tapply(d$y, d$group, shapiro.test)
280
     bartlett.test(y ~ group, d)
281
     d[, paste0(y, collapse = " & "), by = group]
282
     d[, .(Mean = mean(y),
283
           SD = sd(y),
284
           n = length(y)), by = group \%\%
       as.data.frame %>%
286
       xtable(
287
```

```
288
         digits = 3,
289
         auto = T,
290
         label = "table:Welch_ANOVA",
291
         caption = "獨立三樣本的描述性統計。"
292
293
     aov(y ~ group, data = d) %>% summary
294
     oneway.test(y ~ group, data = d)
295
     mc <- posthocTGH(d$y, d$group, digits = 3)$output$games.howell</pre>
296
     mc %>%
297
       xtable(
298
         digits = 3,
299
         auto = T,
         label = "table:Welch_ANOVA_post"
301
         caption = "獨立三樣本的事後多重比較。"
302
303
     fit.mult <-
304
       mc$p %>%
305
       set_names(rownames(mc)) %>%
306
       multcompLetters %>%
307
       .$Letters %>%
308
       data.table(group = names(.), rank = .) %>%
309
       merge(., d[, .(max.val = max(y)), by = group], by = "group")
310
     windows(4, 2.0)
311
     ggplot(d, aes(group, y)) +
312
       geom_boxplot(width = 0.2,
313
                     outlier.shape = NA) +
314
       geom_jitter(width = 0.3) +
315
       geom_text(aes(group, max.val + 1, label = rank),
                 fit.mult,
317
                 size = 10 * 0.352777778) +
318
       theme_pubr(10, border = T)
319
     ggsave("Welch_ANOVA.pdf")
320
321
322
     ## Kruskal-Wallis Rank Sum Test
323
     set.seed(1132234)
324
     d <-
325
       data.table(y = c(rexp(8, 0.2), rexp(7, 0.5), rexp(6, 1)) %>% round(1),
326
                  group = c(rep("x1", 8), rep("x2", 7), rep("x3", 6)))
327
     d[, shapiro.test(y), by = group]
328
     d[, pasteO(y, collapse = " & "), by = group]
329
     d[, .(Mean = mean(y),
330
           SD = sd(y),
331
           n = length(y)), by = group] %>%
332
       as.data.frame %>%
       xtable(
334
335
         digits = 3,
336
```

```
auto = T,
337
         label = "table:rank_oneway".
338
         caption = "獨立三樣本的描述性統計。"
339
340
     kruskal.test(y ~ group, d)
341
     kruskal_effsize(d, v ~ group)
342
     dunnTest(y ~ group, d)
343
     dunnTest(y ~ group, d)$res %>%
344
       xtable(caption = "Dunn's Kruskal-Wallis多重比較之結果。",
345
              label = "table:rank_oneway_post",
346
              digits = 3)
347
     fit.mult <-
348
       dunnTest(y ~ group, d)$res[, "P.adj"] %>%
349
       set_names(dunnTest(y ~ group, d)$res[, "Comparison"] %>% gsub(" ", "", .)) %>%
350
       multcompLetters %>%
351
       .$Letters %>%
352
       data.table(group = names(.), rank = .) %>%
353
       merge(...d[...(max.val = max(v)), by = group], by = "group")
354
     windows(4, 2.0)
355
     ggplot(d, aes(group, y)) +
356
       geom_boxplot(width = 0.2,
357
                     outlier.shape = NA) +
358
       geom_jitter(width = 0.3) +
359
       geom_text(aes(group, max.val + 1, label = rank),
360
                 fit.mult,
361
                 size = 10 * 0.352777778) +
362
       theme_pubr(10, border = T)
363
     ggsave("rank_oneway.pdf")
364
366
     ## twoway ANOVA factorial design
367
     set.seed(1224)
368
     d <- data.table(</pre>
369
       A = c(rep("A1", 13), rep("A2", 13)),
370
       B = c(rep("B1", 4), rep("B2", 4), rep("B3", 5)) %>% rep(2),
371
       Y = rnorm(26, mean = c(
372
         rep(5, 4), rep(5, 4), rep(6, 5), rep(6, 4), rep(6, 4), rep(10, 5)
373
       )) %>% round(1)
374
375
     d[, shapiro.test(Y), by = .(A, B)]
376
     bartlett.test(Y ~ interaction(A, B), data = d)
377
     fit.full <-
378
       lm(Y \sim A * B,
379
          data = d,
380
          contrasts = list(A = contr.sum, B = contr.sum))
381
     summary(fit.full)
382
     Anova(fit.full, type = 3) %>%
383
       xtable(caption = "Twoway ANOVA之變方分析表。", label = "table:twowayANOVA")
384
     drop1(fit.full, test = "F")
385
```

```
d[, group := paste0(A, B)]
386
     fit <- aov(Y ~ group, data = d)
387
     summary(fit)
388
     TukeyHSD(fit, "group")$group
389
     TukeyHSD(fit, "group")$group %>%
390
       xtable(
391
         digits = 3,
392
         auto = T,
393
         label = "table:twoway_ANOVA_post",
394
         caption = "$3\tiems2$因子實驗之簡單主效應事後多重比較。"
395
396
     fit.mult <-
397
       TukeyHSD(fit, "group")$group[, "p adj"] %>%
       multcompLetters %>%
       .$Letters %>%
400
       data.table(group = names(.), rank = .) %>%
401
       merge(., d[, .(max.val = max(Y)), by = group], by = "group")
402
     d.summary <-
403
       d[, .(
404
         average = mean(Y),
405
         SD = sd(Y),
406
         CI.lower = t.test(Y)$conf.int[1],
407
         CI.upper = t.test(Y)$conf.int[2],
408
         n = .N
409
       ), by = .(A, B, group)] \% > \%
410
       merge(., fit.mult, by = "group") %T>%
411
       print
412
     ggplot(fortify(fit.full), aes(sample = .resid)) +
413
       stat_qq() +
414
       stat_qq_line() +
       theme_pubr(10, border = T)
416
417
     pd <- position_dodge(0.7)
418
     windows(4, 3)
419
     ggplot(d.summary, aes(A, average)) +
420
       geom_errorbar(
421
         aes(ymin = CI.lower, ymax = CI.upper, color = B),
422
         width = 0.3,
423
         size = 1,
424
         position = pd
425
426
       geom_point(aes(shape = B, color = B), position = pd, size = 3) +
427
       geom_text(
428
         aes(
429
           y = CI.upper + 0.5,
430
           label = rank,
           group = B
433
         position = pd,
434
```

```
size = 10 * 0.352777778
435
       ) +
436
       geom_text(aes(y = 2.5, label = n, group = B),
437
                  position = pd,
438
                  size = 10 * 0.352777778) +
439
       geom_jitter(
440
         aes(A, Y, shape = B),
441
         data = d,
442
         position = position_jitterdodge(jitter.width = 0.15, dodge.width = 0.7),
443
         size = 1.2,
444
         color = 8
445
446
       theme_pubr(10, border = T, legend = "top") +
447
       ylab("observation, average and 95% CI") +
       theme(legend.text = element_text(size = 10))
449
     ggsave("twoway_ANOVA.pdf")
450
451
452
     ## simple linear regression
453
     set.seed(1234)
454
     x <- rnorm(8, 10) \% > \% round(1)
455
     y <- (x * 2 + rnorm(8)) %>% round(1)
456
     d <- data.table(x, y)</pre>
457
     fit \leftarrow lm(y \sim x, d)
458
     summary(fit)
459
     confint(fit)
460
     shapiro.test(fit$residuals)
461
     d[, paste0(x, collapse = " & ")]
462
     d[, paste0(y, collapse = " & ")]
463
     fit %>% {
       cbind(
465
         (.) %>% summary %>% .$coefficients ,
466
         confint(.)
467
468
     } %>%
469
       xtable(caption = "簡單線性迴歸之結果。",
470
               label = "table:simple_regression",
471
               digits = 3)
472
     f1 <-
473
       ggplot(d, aes(x, y)) +
474
       geom_smooth(method = "lm") +
475
       geom_point() +
476
       annotate(
477
         "text",
478
         label = "y = -1.016 + 2.069x, \nR^2 = 0.921",
479
         x = 9
         y = 22,
         size = 10 * 0.352777778
483
```

```
theme_pubr(10, border = T)
484
     f2 <-
485
       ggplot(d, aes(sample = fit$residuals)) +
486
       stat_qq() +
487
       stat_qq_line() +
488
       theme_pubr(10, border = T)
489
     windows(5, 2.5)
490
     ggarrange(
491
       f1,
492
       f2,
493
       nrow = 1,
494
       labels = "auto".
495
       align = "hv",
       widths = c(1, 1)
497
498
     ggsave("simple_regression.pdf")
499
500
501
     ## simple linear cor
502
     set.seed(1234)
503
     x1 <- rnorm(8, 10) \% > \% round(1)
504
     x2 <- (x1 * 2 + rnorm(8)) %>% round(1)
505
     d <- data.table(x1, x2)</pre>
506
     d[, paste0(x1, collapse = " \& ")]
507
     d[, paste0(x2, collapse = " & ")]
508
     mshapiro.test(d %>% as.matrix %>% t)
509
     cor.test(d$x1, d$x2)
510
     fit <- lm(x2 ~ x1, d)
511
     windows(4, 2.0)
512
     ggplot(d, aes(x1, x2)) +
513
       geom_path(data =
514
                     dataEllipse(
515
                       x1,
516
                       x2,
517
                       draw = F,
518
                       levels = 0.95,
519
                       segments = 500
520
                     ) %>%
521
                     as.data.table,
522
                  aes(x, y)) +
523
       geom_point() +
524
       annotate(
525
         "text",
526
         label = "r = 960, p < 0.001",
527
         x = 8,
528
         y = 25,
529
         size = 10 * 0.352777778
531
       theme_pubr(10, border = T)
532
```

```
ggsave("simple_cor.pdf")
533
534
535
     ## spearman correlation
536
     set.seed(125)
537
     x1 \leftarrow runif(8, 5, 8) \%\% round(1)
538
     x2 <- rexp(8) \% > \% round(1)
539
     d <- data.table(x1, x2)</pre>
540
     mshapiro.test(d %>% as.matrix %>% t)
541
     d[, paste0(x1, collapse = " & ")]
542
     d[, paste0(x2, collapse = " & ")]
543
     cor.test(d$x1, d$x2, method = "spearman")
544
     windows(4, 2.0)
545
     ggplot(d, aes(x1, x2)) +
546
       geom_point() +
547
       annotate(
548
         "text",
549
         label = "r = -0.241, p = 0.565",
550
         x = 7,
551
         y = 4,
552
         size = 10 * 0.352777778
553
554
       theme_pubr(10, border = T)
555
     ggsave("spearman_cor.pdf")
556
557
558
     ## chi-squared goodness of fit
559
     obs.val \leftarrow c(20, 15, 3, 2)
560
     exp.p <- c(4, 3, 2, 1) \% % divide_by(sum(.))
     d <-
562
       data.table(observation = obs.val,
563
                   expectation = exp.p * sum(obs.val),
564
                   blood = c("0", "A", "B", "AB")) %>%
565
       melt(measure.vars = c("observation", "expectation"), value.name = "frequency") %>%
566
       .[, proportion := frequency / sum(frequency), by = variable] %T>%
567
       print
568
     glm(
569
       frequency ~
570
         -1 + blood +
571
         offset(sum(d[variable == "observation"]$frequency) %>% log %>% rep(4)),
572
       family = poisson,
573
       data = d[variable == "observation"]
574
     ) %>%
575
       confint %>%
576
       exp %>%
577
       as.data.table(keep.rownames = "blood") %>%
       .[, blood := gsub("blood", "", blood)] %>%
       merge(d[variable == "observation"], .) %>%
580
       .[, variable := NULL] %>%
581
```

```
xtable(caption = "血型頻率與比例估計。",
582
               label = "table:chisq_goodness",
583
               digits = 3)
584
     chisq.test(
585
       obs.val,
586
       p = exp.p,
587
       rescale.p = T,
588
       simulate.p.value = T,
589
       B = 4999
590
     )
591
592
593
     ## chi-squared independent test
594
595
       matrix(c(2, 10, 68, 30, 10, 50, 60, 19, 101), 3, byrow = T) %%
596
       set_rownames(c("A", "B", "C")) %>%
597
       set_colnames(c("low", "median", "high"))
598
     chisq.test(d)
599
     chisq.test(d, simulate.p.value = T, B = 4999)
600
     # ufs::cramersV(d)
601
     # ufs::confIntV(d)
602
     # rcompanion::cramerV(d, ci = T, bias.correct = T)
603
     chisq.val <- chisq.test(d)$statistic</pre>
604
     C <- sqrt(chisq.val/(chisq.val + sum(d)))</pre>
605
     W <- sqrt(C^2 / (1-C^2))
606
     W # Cohan's W
607
     mc <-
608
       combn(1:nrow(d), 2, function(x) {
609
         chisq.test(d[, c(x[1], x[2])], simulate.p.value = T, B = 4999)
610
       }) %>%
       .[c(1, 3), ] \%
612
       as.matrix %>%
613
       set_rownames(c("chisq", "p")) %>%
614
       set_colnames(combn(rownames(d), 2, function(x) {
615
         paste0(x[1], "-", x[2])
616
       })) %T>%
617
       print %>%
618
       .["p",] %>%
619
       unlist %>%
620
       p.adjust %>%
621
       multcompLetters %>%
622
       .$Letters %T>%
623
       print
624
     d %>% as.table %>% prop.table
625
     d %>% as.table %>% plot
626
     d.long <-
       merge(
628
         d %>%
629
           reshape2::melt(
630
```

```
varnames = c("location", "income"),
631
             value.name = "frequency"
632
           ) %>%
633
           as.data.table,
634
         d %>% as.table %>% prop.table(margin = 1) %>%
635
           reshape2::melt(
636
             varnames = c("location", "income"),
637
             value.name = "ratio by location"
638
           ) %>%
639
           as.data.table,
640
         by = c("location", "income")
641
       ) %>%
642
       merge(
             d %>% as.table %>% prop.table(margin = 2) %>%
           reshape2::melt(
645
             varnames = c("location", "income"),
646
             value.name = "ratio by income"
647
           ) %>%
648
           as.data.table
649
       ) %T>%
650
       print
651
     f1 <-
652
       ggplot(d.long, aes(location, `ratio by location`)) +
653
       geom_col(aes(fill = income)) +
654
       theme_pubr(10, border = T) +
655
       annotate(
656
         "text",
657
         label = rowSums(d),
658
         x = 1:3,
         y = 1.1,
660
         size = 10 * 0.352777778
661
662
       annotate(
663
         "text",
664
         label = mc.
665
         x = 1:3
666
         y = 1.2,
667
         size = 10 * 0.352777778
668
669
       scale_y = continuous("ratio", breaks = seq(0, 1, 0.2), limits = c(0, 1.2))
670
     f2 <-
671
       ggplot(d.long, aes(income, `ratio by income`)) +
672
       geom_col(aes(fill = location)) +
673
       theme_pubr(10, border = T) +
674
       annotate(
675
         "text",
         label = colSums(d),
         x = 1:3,
678
         y = 1.1,
679
```

```
size = 10 * 0.352777778

) +

scale_y_continuous("ratio", breaks = seq(0, 1, 0.2), limits = c(0, 1.2))

windows(6, 2.5)

ggarrange(f1, f2, nrow = 1, align = "hv", labels = "auto", legend = "right")

ggsave("chisq_independent.pdf")
```