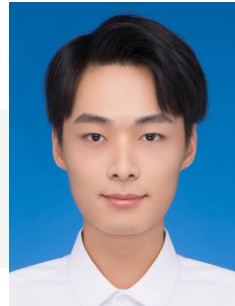


# 姜辰 (2022 届应届生)



性别：男

年龄：24

电话：18967008799

现所在地：广州

邮箱：cherryamme@163.com

QQ：1102141133



## 教育经历

2014.9-2018.8

北京化工大学 211

专业：生物工程 | 本科

2019.09-2022.07

中山大学 985

专业：生物信息学 | 硕士

(生物信息学是一门交叉学科，需要深厚的生物学基础、较强的计算机技术本领和一定的统计学知识，擅于使用计算机的技术进行生物数据的大数据分析，简单的说就是运用计算机来分析生物数据，是当今生命科学领域最为热门的新兴学科。)



## 在校经历

2014.08-2016.06

院宣传部 宣传委员

此作为班级宣传委员，院宣传部干事负责班级活动，院活动的开展组织，绘制海报等。

2015.9-2016.7

院学生会 文艺部干事

此作为生命学院院级学生会主要负责组织各个活动的展开

2015.6-2016.6

绿色生命环保协会 校级组织 项目部部长

作为社团绿色生命环保协会主要负责协会活动的策划和进行以及协会内大小事务的运作

2016.9-2017.9

勤工助学中心 校级组织 宣传部干事

作为校级勤工助学中心宣传部的干事主要负责助学中心宣传海报、活动展板、国奖书刊的制作

2019.09-2020.08

院研学生会 副部长干事

作为院研会的干事，处理学生事务，协助举办院大小活动，例如举办校开学典礼，统筹学生调动。



## 工作经历

2017.10-2018.2

粉笔蓝天科技 技术客服

我在粉笔蓝天科技公司的粉笔公考内担任技术客服,主要对接工程师和用户,解决用户使用客户端上碰到的问题,并将不能解决的问题与工程师对接修复。

2016

腾讯 校园代言人

与腾讯校园社交 app “同学我来了” 合作，担任北京化工大学校园形象代言人拍摄宣传海报。

2019.4-2020

个人微信公众号

个人运营公众号“双鸭梨山大”，主要分享考研有关信息，给学生提供帮助，发表推送数十篇，现有关关注三千余人。



## 相关技能

- 通过英语四级，具备一定的英语交流能力。

- 熟悉计算机技术，熟练计算机维修、计算机组装及服务器管理。
- 熟练使用 R 语言进行数据分析；常用 R 包：stat、readr、rio、tibble、dplyr、tidyr、stringr、ggplot2、plotly 等
- 熟悉 python 的使用；常用工具：jupyterbook；常用包：pandas、plotly 等。
- 熟练使用 MySQL 数据库，掌握 SQL 语言的使用。
- 熟练使用 linux 服务器，熟练使用 shell 脚本。熟练 tableau 的使用，从导入数据至故事分享。
- 熟练 git 版本控制系统的使用，熟悉数据库的使用，熟练使用 markdown。
- 擅于操作数据，处理数据，提取出关键内容进行分析，常用方法：差异检验，pca 降维，聚类分析。
- 擅于对数据进行可视化展示，汇报展示能力强。
- 熟悉细胞的培养、传代、消化、冻存复苏、感受态制备等细胞技术。
- 熟悉流式细胞仪进行细胞周期、细胞凋亡的测定，熟悉 PCR、RT-PCR、q-PCR 等技术。



## 大赛经历

2015.09-2016.06

萌芽杯科技创新大赛 课题组员

课题研究 rab 蛋白的分离提取，在另两个组员的合作下研究取得了很好的成果

2016.09-2017.07

大学生创新创业大赛 课题组员

大创课题研究改性 PDMS 膜的制备，制备出改良后具有更优异性能的膜类，课题取得的成果经过答辩获得了院级三等奖



## 学术经历

NASA 数据的统计分析

课程项目 主持

运用气象统计学的原理和方法，分析 NASA 提供的的数据，通过联合多组变量信息和聚类分析预测出两处可能的山脉地形。

宏基因组

研究生课题 主持

肠道菌群的重要作用日益被证明，我们研究了对于 pd1 免疫疗法有贡献的菌群种类，基于最新的 UPGG 大型菌种数据库比对，得到了对于 pd1 免疫疗法良性和恶性的菌群种类，结果存在文献的阳性对照。

GWAS 关联分析

研究生课题 主持

关于免疫表型的 GWAS 关联分析，使用 GTEx 数据库得到显著关联的 SNP 位点，计算 SNP 位点的遗传力和表型的遗传相关性。

HiC：肝癌的染色质结构分析（在投）

研究生课题 共同一作

在肝癌细胞中，HBV 的感染会导致基因组产生插入位点，插入位点影响了基因组结构，从 Hic 染色质构象捕获分析中，得到一系列结果证明，插入位点倾向于 TAD 边界位置，改变了部分染色质状态。

新冠患者的单细胞转座子分析

研究生课题 主持

新冠患者的单细胞测序数据（scRNA-seq），分析其转座子的表达差异，得到被新冠病毒影响的转座子，并在单细胞分群中检查细胞分群的新冠作用偏好，从而补充解释新冠病毒的作用机制。



## 自我评价

个性坚韧，吃苦耐劳，学习能力强，对待工作认真负责，善于沟通，有较强的组织能力和团队精神，学习适应能力强，抗压能力强，责任感强，多次参与社会志愿活动，实现社会价值。