Stool FDIs	None										Depth confounding										
Taxa number	50			200				500		Score	50				200		500			Score	Overall
Sample size	50	100	200	50	100	200	50	100	200		50	100	200	50	100	200	50	100	200		
DACOMP	***	***	**	***	***	***	***	***	***	26	***	***	***	***	***	***	***	***	***	27	53
Rarefy+Spearman	***	***	**	**	***	**	***	***	***	24	**	***	**	***	**	***	***	***	***	24	48
Beta-binomial	***	***	***	**	***	***	*	**	***	23	**	***	***	**	**	***	*	**	**	20	43
LDM	**	***	**	**	***	**	**	**	***	21	**	**	**	**	**	**	**	*	*	16	37
TSS+Spearman	***	**	**	**	***	**	***	***	***	23	**	**	*	*	Х	Х	Χ	Х	Х	6	29
ANCOM-BC	*	**	***	Χ	**	***	Χ	*	**	14	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	0	14
GLM(quasipoisson)	Х	Х	*	Χ	Х	Х	Х	Х	Х	1	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	Χ	Х	Χ	0	1
DESeq2	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	0	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	0	0
edgeR	Χ	Χ	Х	Χ	Х	Х	Χ	Χ	Х	0	Χ	Χ	Х	Х	Χ	Χ	Χ	Х	Х	0	0
GMPR+DESeq2	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	0	Χ	Х	Х	Χ	Х	Х	Χ	Х	Χ	0	0
GMPR+edgeR	Х	Χ	Х	Х	Χ	Χ	Х	Х	Χ	0	Х	Х	Х	Х	Χ	Х	Х	Χ	Х	0	0