Rekursionsschemata Zygohistomorphic prepromorphisms

Christian Höner zu Siederdissen christian.hoener.zu.siederdissen@uni-jena.de

Theoretische Bioinformatik, Bioinformatik Uni Jena

Dec 15th, 2022

Rush-hour

https://www.thinkfun.de/products/rush-hour/



Rushhour ist *PSPACE-complete* und damit wahrscheinlich nur in exponentieller Zeit lösbar

Wir beginnen mit foldr

```
foldr :: (a -> b -> b) -> b -> [a] -> b
   foldr _ b [] = b
   foldr f b (x:xs) = f x (foldr f b xs)
4
5
6
   foldr(-)0[1..3] =
8
   foldr(-) 0 (1:[2,3]) = (-) 1 (foldr(-) 0 [2,3])
9
                         = (-1) 1 (-1) = 2
10
   foldr(-) 0 (2:[3]) = (-) 2 (foldr(-) 0 [3])
11
                       = (-) 2 3 = -1
12
   foldr(-) 0 [3] = (-) 3 (foldr(-) 0 [])
13
                   = (-) 3 0 = 3
14
   foldr(-)0[]=0
```

Wir beginnen mit foldr

```
foldr :: (a -> b -> b) -> b -> [a] -> b
   foldr _ b [] = b
   foldr f b (x:xs) = f x (foldr f b xs)
4
5
6
   foldr (:) [] [1..3] =
8
   foldr(:) 0 (1:[2,3]) = (:) 1 (foldr(:) [] [2,3])
9
                          = (:) 1 [2,3] = [1,2,3]
10
   foldr (:) 0 (2:[3]) = (:) 2 (foldr (:) [] [3])
11
                        = (:) 2 [3] = [2.3]
12
   foldr (:) [] [3] = (:) 3 (foldr (:) [] [])
13
                    = (:) 3 [] = [3]
14
   foldr (:) [] =
```

```
foldl

1  foldl :: (b -> a -> b) -> b -> [a] -> b
2  foldl _ b [] = b
3  foldl f b (x:xs) = foldl f (f b x) xs
4
5
6  foldl (-) 0 [1,2,3] = foldl (-) ((-) 0 1) [2,3]
7  foldl (-) (-1) [2,3] = foldl (-) ((-) (-1) 2) [3]
8  foldl (-) (-3) [3] = foldl (-) ((-) (-3) 3) []
9  foldl (-) (-6) [] = -6
10
11 -- oder?
```

```
foldl

1  foldl :: (b -> a -> b) -> b -> [a] -> b
2  foldl _ b [] = b
3  foldl f b (x:xs) = foldl f (f b x) xs
4
5
6  foldl (-) 0 [1,2,3] = foldl (-) ((-) 0 1) [2,3]
7  foldl (-) ((-) 0 1) [2,3] = foldl (-) ((-) ((-) 0 1) 2) [3]
8  foldl (-) ((-) ((-) 0 1) 2) [3]
9  = foldl (-) ((-) ((-) ((-) 0 1) 2) 3) []
10  foldl (-) (((-) ((-) ((-) 0 1) 2) 3)) [] = -6
```

```
foldl'

1 foldl':: (b -> a -> b) -> b -> [a] -> b

2 foldl' _ b [] = b

3 foldl' f b (x:xs) = let z = f b x

4   in z 'seq' foldl' f z xs

5

6

7

8 foldl' (-) 0 [1,2,3] = foldl (-) ((-) 0 1) [2,3]

9 foldl' (-) (-1) [2,3] = foldl (-) ((-) (-1) 2) [3]

10 foldl' (-) (-3) [3] = foldl (-) ((-) (-3) 3) []

11 foldl' (-) (-6) [] = -6
```

Merke: foldl ist eigentlich nie korrekt, immer foldl', nutzen.

```
foldl
   foldl :: (b -> a -> b) -> b -> [a] -> b
   fold1 _ b [] = b
   foldl f b (x:xs) = foldl f (f b x) xs
4
5
   snoc xs x = x:xs
6
7
8
   fold1 snoc [] [1,2] = fold1 snoc (snoc [] 1) [2]
   foldl snoc (snoc [] 1) [2]
10
     = foldl snoc (snoc (snoc [] 1) 2) []
   foldl snoc (snoc (snoc [] 1) 2) []
11
12
     = (snoc (snoc [] 1) 2)
13
     = snoc(1:[]) 2
14
     = 2:(1:[]) = [2,1]
```

(Hier ist es egal ob wir foldl oder foldl', nutzen)

Das Inverse eines fold?

```
unfoldr :: (b \rightarrow Maybe (a,b)) \rightarrow b \rightarrow [a]
   unfoldr f b = case f b of
      Nothing -> []
4
      Just (a,b') -> a : unfoldr f b'
5
6
7
    go x = if x < 0 then Nothing else Just (x, x-1)
8
9
10
    unfoldr go 2 = case go 2 of
      Just (2,1) -> 2 : unfoldr go 1
11
      = 2 : 1 : []
12
13
    unfoldr go 1 = case go 1 of
14
      Just (1,0) \rightarrow 1 : unfoldr go 0
      = 1 : []
15
16
   unfoldr go 0 = case go 0 of
17
      Nothing = []
```

Deforestation

```
1 foldl' (+) 0 (unfoldr go 10) =
2 foldl' (+) 0 (10 : unfoldr go 9) =
3 foldl' (+) (0+10 = 10) (unfoldr go 9) =
```

- Ersetze 10 durch 10¹⁰⁰
- unfoldr wird nur soweit aufgerollt wie n\u00e4ig ist um das n\u00e4chste
 Element zu nehmen
- Haskell kann die "temporären" Datenstrukturen sogar "wegrechnen" (2023)

Rekursions-Schemata

- Ersetze rekursive Funktionen auf rekursiven Datentypen
- durch nicht-rekursive Funktionen auf verwandten nicht-rekursiven Datentypen
- Diese Strukturen nennen wir Basis-Funktoren (base functor)

```
type family Base t :: * -> *
2
3
   type instance Base Natural = Maybe -- ??!
4
5
   data ListF a b = NilF | ConsF a b
6
   instance Functor (ListF a) where
8
     fmap f NilF = NilF
     fmap f (ConsF a b) = Cons a (f b)
10
11
   type instance Base [a] = ListF a
   Base ist eine Funktion von Typ- nicht Datenargumenten!
```

Und für Bäume

```
1 data Tree a = Node a [Tree a]
2
3 type ForestF a b = [b]
4 data TreeF a b = NodeF a (ForestF a b)
5
6 instance Functor (TreeF a) where
7 fmap f (NodeF x xs) = NodeF x (fmap f xs)
8
9 type instance Base (Tree a) = TreeF a
```

Recursive

```
class Functor (Base t) => Recursive t where
     project :: t -> Base t t
3
   instance Recursive Natural where
5
     project 0 = Nothing
6
     project n = Just (n-1)
   instance Recursive [a] where
     project [] = NilF
10
     project (x:xs) = ConsF x xs
11
12
   instance Recursive (Tree a) where
13
     project (Node x xs) = NodeF x xs
```

Hinweis: durch (momentane) Magie kann Recursive automatisch generiert werden.

fold / catamorphism

Layer um Layer wird die Struktur zu einem Wert zusammengefaltet

```
1 cata :: Recursive t => (Base t a -> a) -> t -> a
2 cata f = c where c = f . fmap c . project
3
4 t = cata (\x -> case x of { NilF -> 0; ConsF a b -> a+b})
5 [1..4]
```

Paramorphismus

Layer um Layer wird die Struktur zu einem Wert zusammengefaltet; in jedem Layer steht der noch zu verarbeitende Teil der Struktur zur Verfügung

```
para :: Recursive t \Rightarrow (Base t (t,a) \rightarrow a) \rightarrow t \rightarrow a
    para t = p where p x = t . fmap ((,) <*> p) $ project x
3
    testpara1 = para (\xspace x of
 5
      { NilF -> 0; ConsF a (bs,b) -> a+b}) [1..4]
6
7
   10
8
    testpara2 = para (\xspace x of
10
      { NilF -> [[]]; ConsF a (rs,as) -> [rs,[a]] : as}) [1..4]
11
12
    [[2,3,4],[1]]
13
    , [[3,4] , [2]]
14
    , [[4] , [3]]
             , [4]]
15
    , [[]
\frac{1}{6}, [ ]
                                                   Christian Höner zu Siederdissen
```

Histomorphismen

- Variante eines catamorphismus
- innerhalb jedes Layers stehen alle cata-Ergebnisse aller Layer zur Verfügung

```
histo :: Recursive t => (Base t (Cofree (Base t) a) -> a) -
histo = gcata
fmap extract fc :< fmap (distHisto . Cofree.unwrap) fc

gcata k g = g . extract . c where
    c = k . fmap (duplicate . fmap g . c) . project</pre>
```

(wir geniessen jetzt nur noch)

Zygo Histo und weitere Varianten

- Die Komplexität weiterer Algorithmen nimmt jetzt stark zu
- Zygohistomorphic prepromorphisms sind eigentlich ein Witz
- aber Ed Kmett dachte sich: why not?
- wenn man Rekursion, alle vorigen Layer, und eine rekursiv angewandte natürliche Transformation will, warum nicht?

Was soll das Ganze?

- Wir koennen rekursive Algorithmen einmal generisch entwickeln
- Die Entwicklung konzentriert sich auf einzelne Ebenen, die nicht rekursiv sind
- Diese Idee ist fuer einige effiziente Compilerkonstruktionen wichtig
- Insbesondere Histomorphismen haben (unerwartet) praktische Anwendung in der dynamischen Optimierung
- die Basetypen können vom Compiler automatisch generiert werden

```
1 newtype Fix f = In (f (Fix f))
```