# SIMULATEUR DE MOLÉCULES COULOMBIQUES Manuel de fonctionnement

CHM-1000

Christophe Bolduc Jesse Greener

Département de Chimie Université Laval

# Contenu

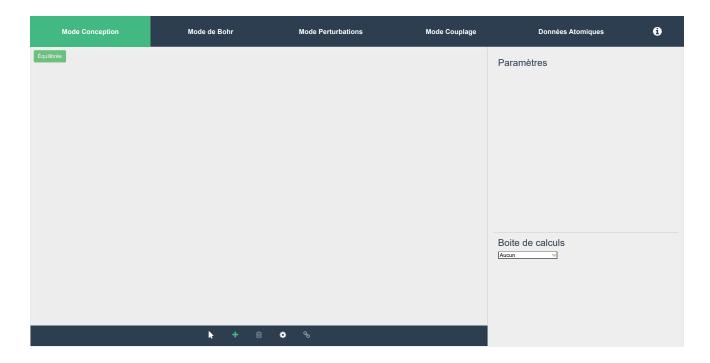
Barre de navigation	3
Mode Conception	4
Mode de Bohr	10
Mode Perturbations	13
Mode Couplage	17
Données Atomiques	19

## Barre de navigation



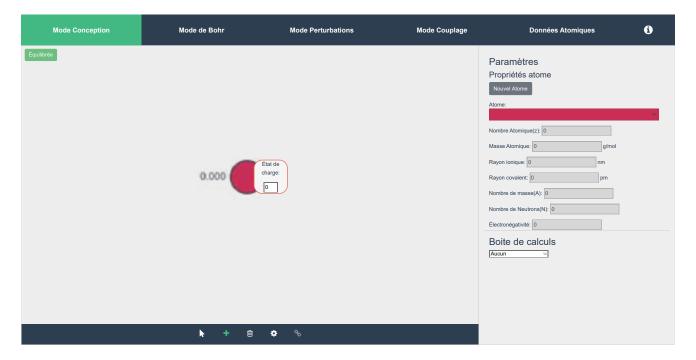
La barre de navigation permet d'accédéaux différents modes du simulateurs. Chacun de ces modes est présenté dans ce document. L'icone d'intérogation permet d'accéder au présent document. Chacun des quatres modes a sa couleur caractéristique.

## Mode Conception

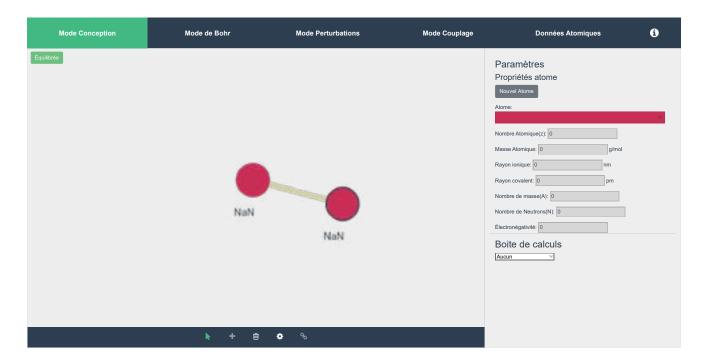


L'représente l'interface graphique où l'utilisateur peut placer et intéragir avec les atomes. Une barre d'outils est également disponible au bas pour définir le type d'intéraction avec l'interface. La section "Paramètres" permet d'observer et de modifier les paramètres d'un molécule ou d'une liaison entre deux atomes. La sous-fenêtre "Boite de calculs" affiche la formule, le développement et la réponse à un calcul sélectionné.

ajout de molécule s'effectue par l'nterface graphique du modede conception.



En sélectionant l'outil ajouter (représenté par un + dans la barre d'outils) et en cliquant sur l'interface, un atome est ajouté. Une fenêtre permet de modifier l'état de charge de la molécule. Cette option n'est disponible que lorsqu'une seule molécule est présente sur l'interface et est accecible en double cliquant l'atome.

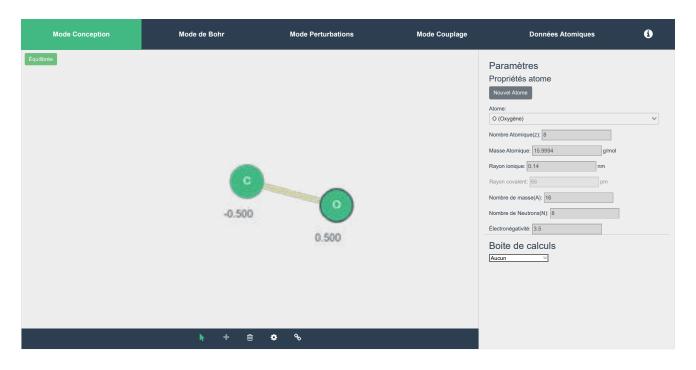


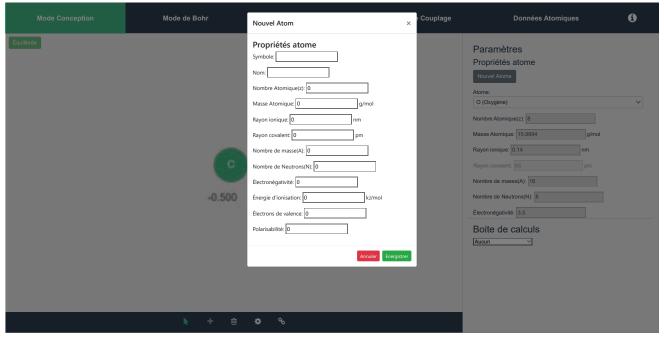
Cliquer une seconde fois sur l'interface avec l'outil ajouter crée une seconde molécule et une liaison entre les deux. Puisque le nombre maximum d'atomes est attain, l'outil est automatiquement changer pour sélection et l'outil ajouter est indisponible.

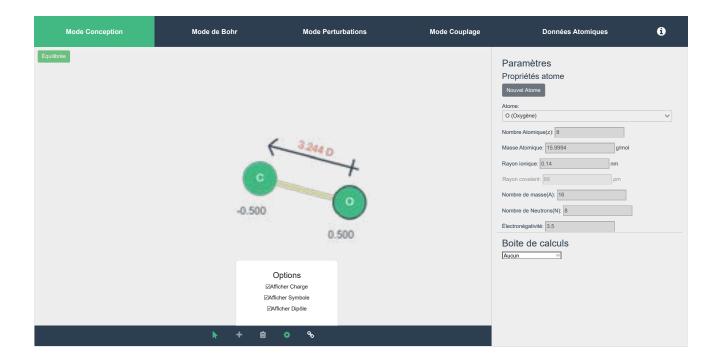
Les atomes ajoutés sont en rouge pour indiquer qu'ils ne sont pas définis. Pour définir un atome, il doit être sélectionné en cliquant sur celui-ci avec l'outil sélection, puis, dans la fenêtre paramètres, un atome pré-défini peut-être sélectionner ou un nouvel atome peut être défini avec le bouton "Nouvel Atome".

Les atomes, maintenant définis, leurs couleurs ont changés de rouge à vert et le symbole de l'atome apparait dans l'interface.

L'icon de poubelle permet de supprimer l'atome sélectionné.

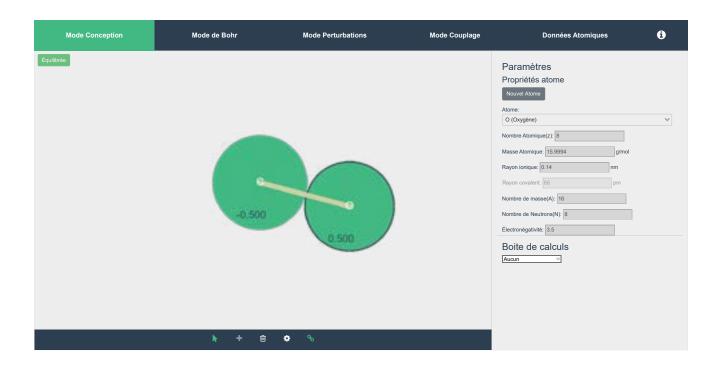






L'affichage lié à chaque atome peut être changé en sélectionnant les Options (représenté par un Lengranage dans la barre d'outils). Chaque atome peut indiquer sa charge ou son symbole ou la molécule peut indiquer son dipôle.

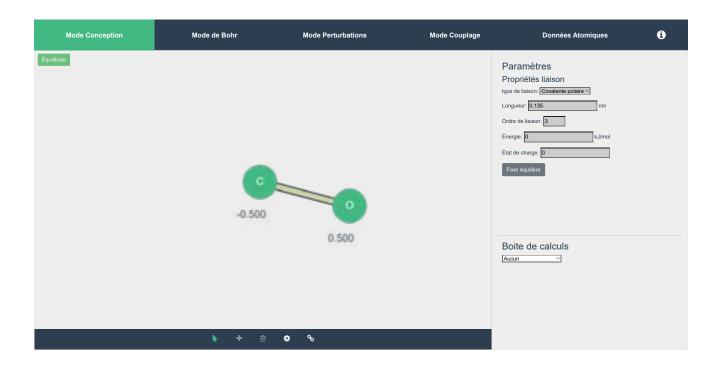
Le paramètre adjacent représenté par un icon de lien, permet d'activer le mode d'affichage proportionnel des atomes basé sur le rayon de chaque.

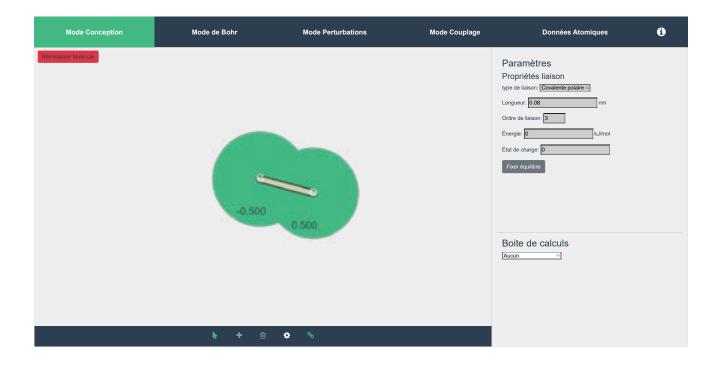


Sélectionner la liaison permet d'afficher ses propriétés dans la fenêtre "Paramètres". Les valeurs affichées ont été calculées à partir des propriétés des atomes formant la molécule.

Modifier un des paramètres crée un déséquilibre dans la molécule, représenté par l'indicateur rouge dans le coin supérieur gauche de l'interface. Les calculs dans la boite de calculs utilisent les valeurs entrées par l'utilisateur.

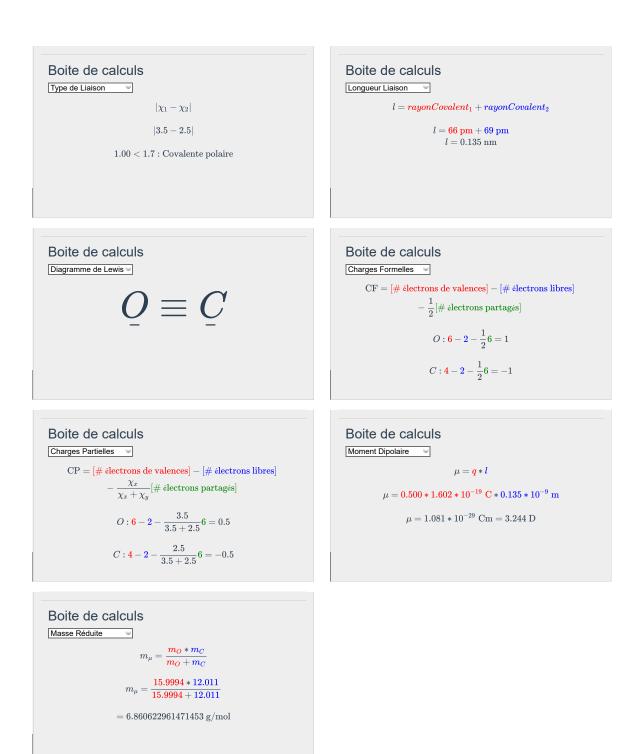
Cliquer sur l'indicateur permet de recalculer les valeurs et de revenir à l'équilibre. L'option "Fixer Équilibre" défini l'état présent comme l'état d'équilibre.





Lorsque possible, la formule est présentée, la formule avec les valeurs est ensuite affichée et la réponse est montrée. Des couleurs sont présentes dans les équations pour bien distinguer le développement des différentes variables.

Les calculs disponibles sont présentés:

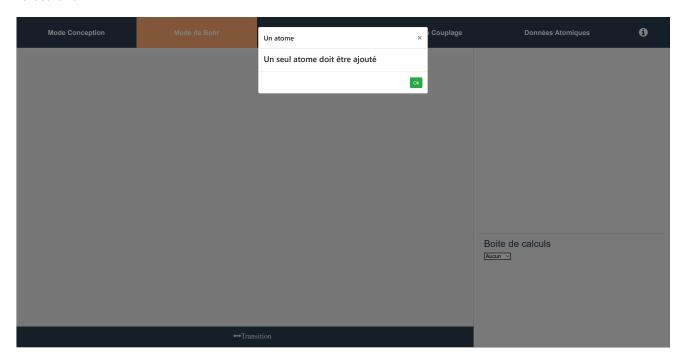


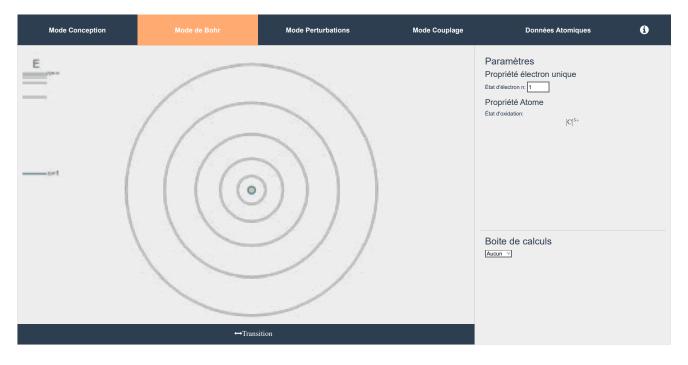
#### Mode de Bohr

 $\mathbf{E}^{\mathrm{n}}$  entrant dans le mode de Bohr, si il n'y a pas qu'un seul atome qui a été pacée, un message apparait pour vous en informer.

Lorsqu'un seul atome a été ajouté avant d'entrer dans le mode de Bohr, celui-ci apparait dans l'interface graphique. Six niveaux possible d'électrons sont également présentés, ainsi que leurs énergies relative à gauche.

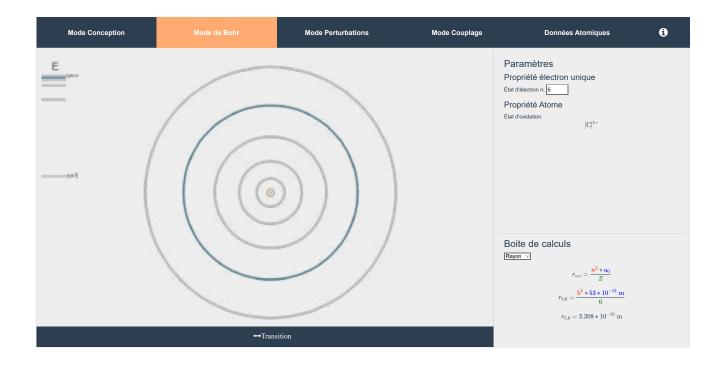
La section paramètres informe sur l'état d'oxidation de l'atome et permet de modifier l'état de l'électron.

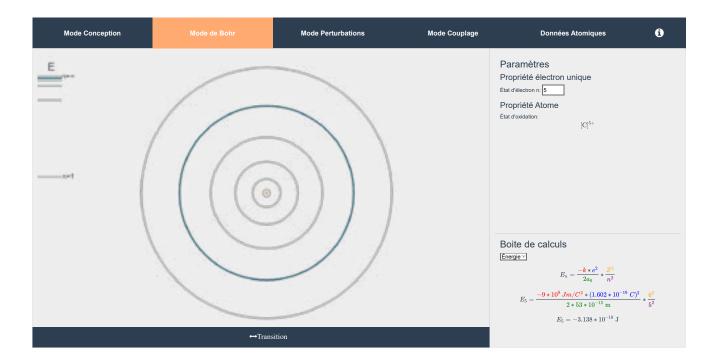




En sélectionant un état d'électron, son rayon relatif et son énergie relative sont affichés dans l'interface. Les états de 1 à 6 ainsi que infini peuvent être sélectionnés.

La boite de calculs permet d'afficher le rayon de l'électron au noyau et son énergie.

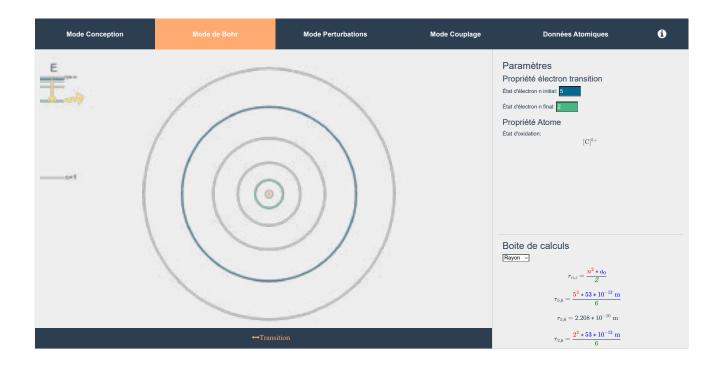


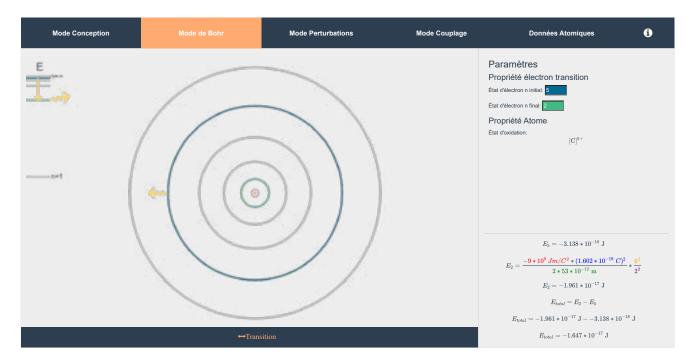


Sélectionner l'option transition sans la barre d'outils de l'interface graphique permet de sélectionner un état d'électron initial et un état d'électron final dans la section paramètres. La couleurs des paramètres correspond aux couleurs de l'affichage.

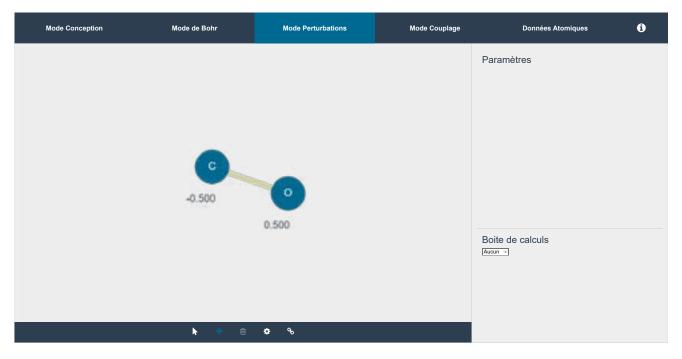
La boite de calculs permet maintenant d'afficher le rayon de l'électron au noyau et son énergie pour chacun des deux états en plus de la différence d'énergie.

Un photon démontre la direction de l'énergie.





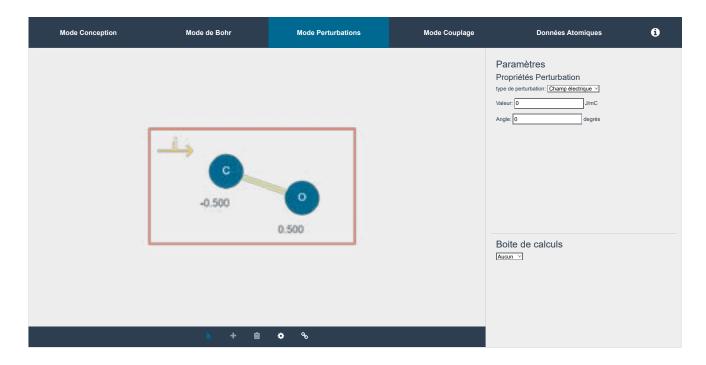
#### Mode Perturbations



A près la construction d'un atome ou d'une molécule dans le mode conception, le mode perturbations permet d'ajouter une perturbation Pour observer son effet sur la molécule en caculant l'énergie et en visualisant la force.

La barre d'outils du mode de perturbations est identique, visuellement et dans ses fonctionnalités, à celle disponnible dans le mode de conception.

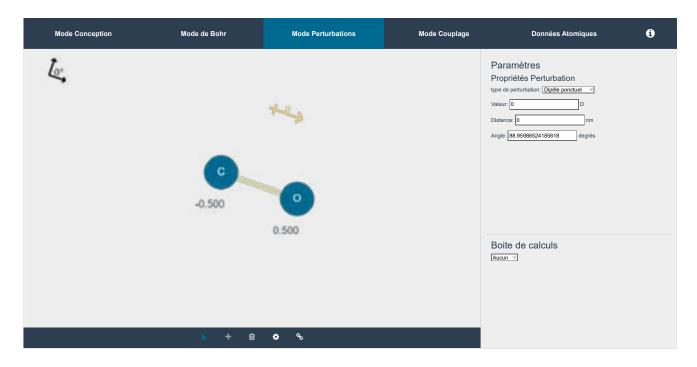
Les quatres types de perturbations disponnibles dans le simulateur sont présentés.



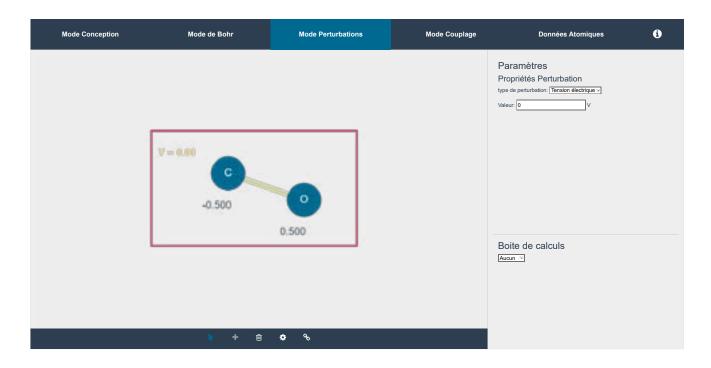
La perturbation de type champ électrique a une valeur d'intensité et un angle, et est appliquée de manière uniforme sur la molécule.



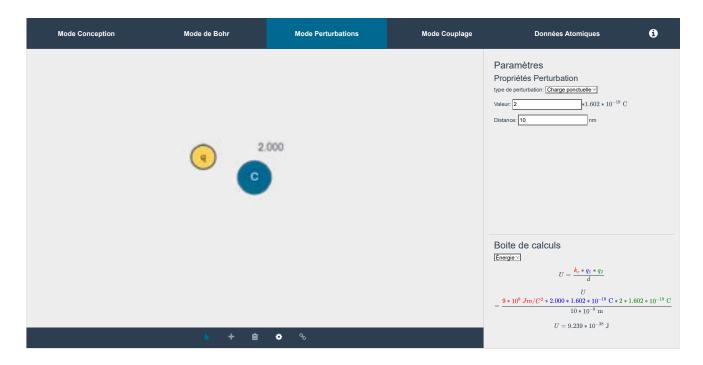
La perturbation de type charge ponctuelle a une valeur d'intensité et une distance, mais ne peut être placée que sur l'axe de la lisaison lorsqu'une est présente.



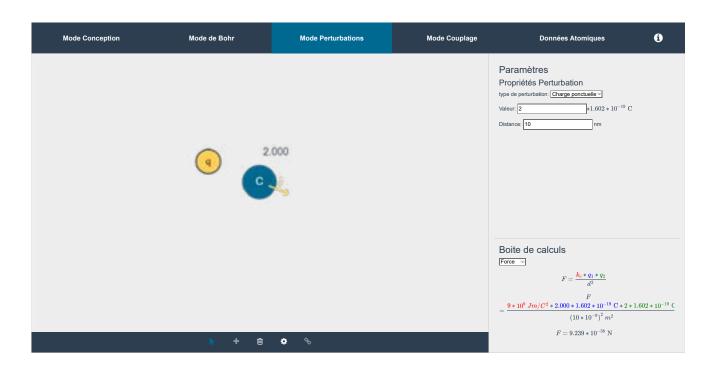
L'dipôle est conservé parallèle au dipôle de la molécule et l'angle représente sa position polaire relatif è la molécule



La perturbation de tension électrique a une valeur d'intensité. La perturbation est uniforme sur la molécule.



e calcul de l'énergie est disponible dans la boite de calcul.

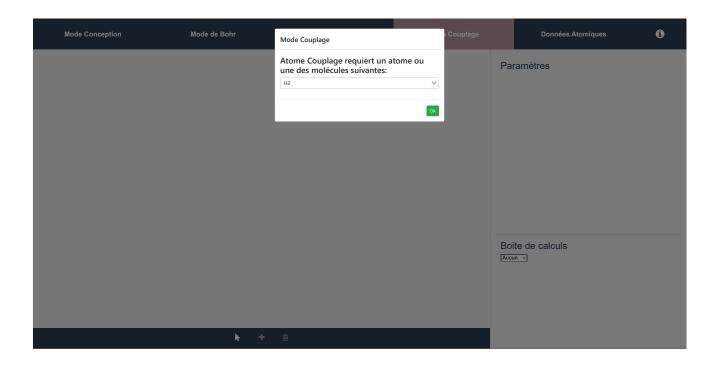


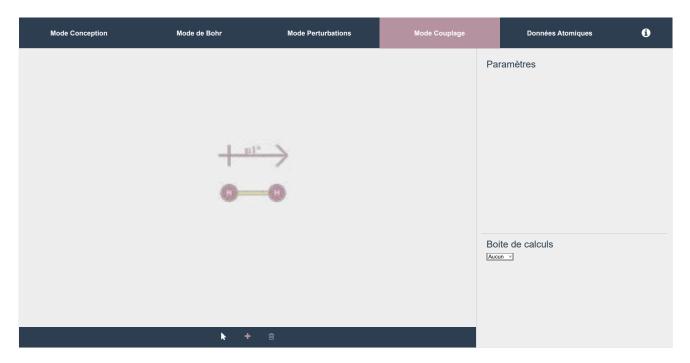
Le calcul de la force est disponible dans la boite de calcul. La direction de la force est également illustrée dans l'interface graphique.

# Mode Couplage

En entrant dans le mode de couplage, si un seul atome ou un molécule valide n'a pas été ajouté au mode de conception, un message apparait pour vous permettre de sélectionner une molécule valide.

Lorsqu'une configuration valide est sélectionnée, le mode couplage sera disponible.

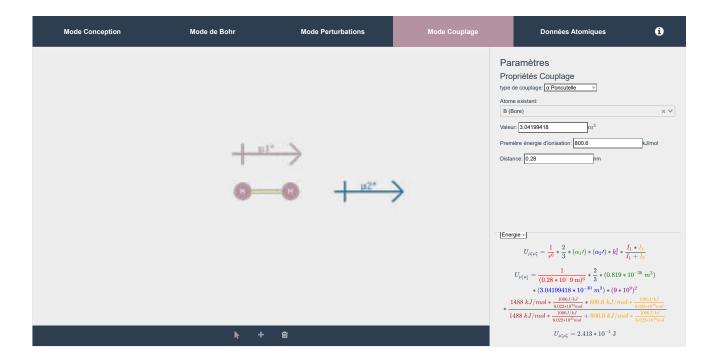




La barre d'outils permet d'ajouter une particule de couplage: une charge ponctuelle, une polarisabilité ponctuelle ou un dipôle ponctuel.

Lorsqu'une particule est ajoutée, ses options sont disponible dans la fenêtre paramètres. Les trois types de particule on les options de valeur et de distance, mais la polarisabilité ponctuelle requiert également une premiètre énergie d'ionisation. Pour ce dernier type, un atome existant peut être sélectionné.

La fenêtre boite de calculs affiche l'énergie du couplage.



### Données Atomiques

N	lode Concepti	on	Mode de	Bohr	Mode Pe	erturbations		Mode Couplage	Donnée	es Atomiques	0
Télécharger CSV											
Symbole *	Nom \$	Nombre Atomique	Masse Atomique [g/mol]	Rayon Ionique	Rayon Covalent	Nombre de Masse	Nombre de Neutrons	† Électronégativité †	Première Énergie Ionisation [kJ/mol]	Électrons de Valence	Polarisabilité (x10 <sup>-30</sup> ) [m <sup>3</sup> ]
Н	Hydrogène	1	1.00797	0.208	30	1	0	2.1	1312	1	0.6688098726156001
He	Hélium	2	4.0026	-	28	4	2	-	2372.3	2	0.20533460715000001
Li	Lithium	3	6.941	0.068	128	7	4	1	520.2	1	24.352647310500004
Be	Béryllium	4	9.01218	0.031	96	9	5	1.6	899.5	2	5.600237090400001
В	Bore	5	10.81		84	11	6	2	800.6	3	3.04199418
С	Carbone	6	12.011	0.26	69	12	6	2.5	1086.5	4	1.6768065480000003
N	Azote	7	14.0067	0.171	71	14	7	3	1402.3	5	1.0980857040000003
0	Oxygène	8	15.9994	0.14	66	16	8	3.5	1313.9	6	0.786466788
F	Fluor	9	18.998403	0.136	57	19	10	4	1681	7	0.5549784504
Ne	Néon	10	20.179		58	20	10		2080.7	8	0.39488052255600004
Na	Sodium	11	22.98977	0.095	166	23	12	0.9	495.8	1	24.143046492
Mg	Magnésium	12	24.305	0.065	141	24	12	1.3	737.7	2	10.565365152000002
Al	Aluminium	13	26.98154	0.05	121	27	14	1.6	577.5	3	8.576939688000001
Si	Silicium	14	28.0855	0.041	111	28	14	1.9	786.5	4	5.534945508
Р	Phosphore	15	30.97376	0.212	107	31	16	2.2	1011.8	5	3.7097490000000004

La section Données Atomiques permet d'accéder aux données pour chaque atome. Une barre de recherche permet de rapidement trouver une valeur recherchée.

L'option de télechargement facilite une utilisation externe des données en permettant d'ouvrir le fichier dans un éditeur de tableau tel Excel.

Lorsque de nouveaux atomes sont ajoutés dans le mode conception, ceux-ci apparaîtront au haut du tableau en bleu.

