SIMULATEUR DE MOLÉCULES COULOMBIQUES Manuel de fonctionnement

CHM-1000

Christophe Bolduc Jesse Greener

Département de Chimie Université Laval

Contenu

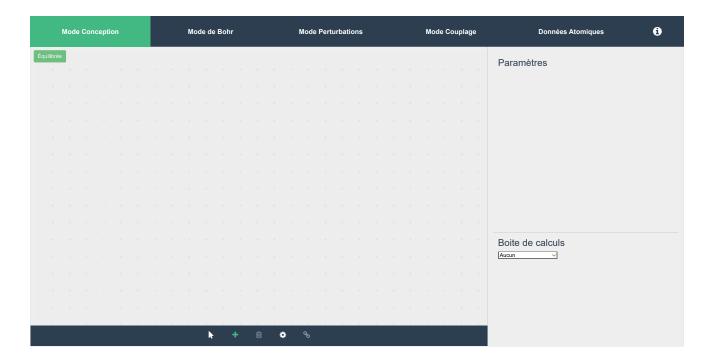
Barre de navigation	3
Mode Conception	4
Mode de Bohr	10
Mode Perturbations	13
Mode Couplage	17
Données Atomiques	19

Barre de navigation



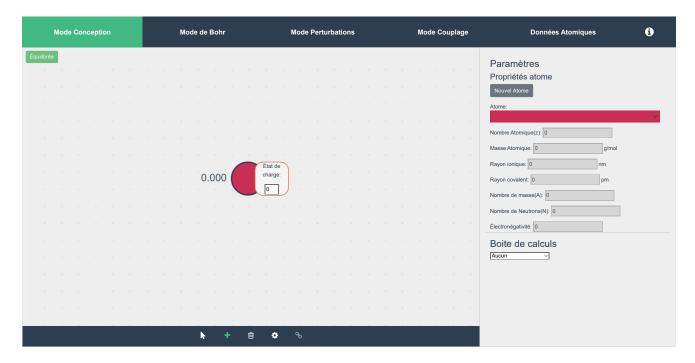
La barre de navigation permet d'accéder aux différents modes du simulateur. Chacun de ces modes Lest présenté dans ce document. L'icône d'interrogation permet d'accéder au présent document. Chacun des quatre modes a sa couleur caractéristique.

Mode Conception

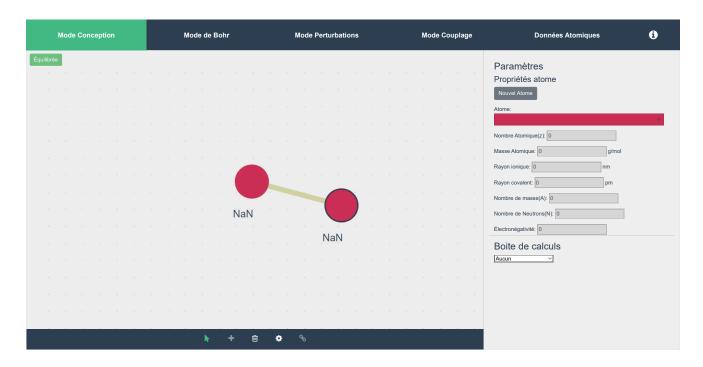


L'e mode conception permet de créer la molécule à analyser. La fenêtre comportant le quadrillé représente l'interface graphique où l'utilisateur peut placer et interagir avec les atomes. Une barre d'outils est également disponible au bas pour définir le type d'interaction avec l'interface. La section "Paramètres" permet d'observer et de modifier les paramètres d'une molécule ou d'une liaison entre deux atomes. La sous-fenêtre "Boite de calculs" affiche la formule, le développement et la réponse à un calcul sélectionné.

ajout de molécule s'effectue par l'interface graphique du mode conception.



En sélectionnant l'outil ajouter (représenté par un + dans la barre d'outils) et en cliquant sur l'interface, un atome est ajouté. Une fenêtre permet de modifier l'état de charge de la molécule. Cette option n'est disponible que lorsqu'une seule molécule est présente sur l'interface et est accessible en double cliquant l'atome.

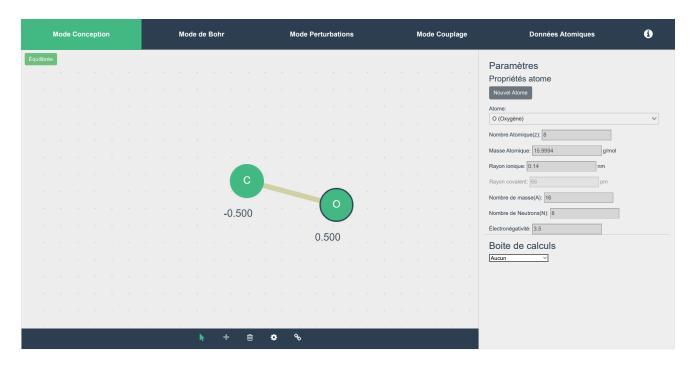


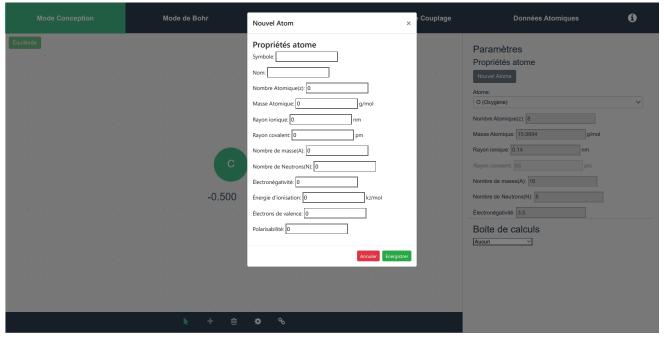
Cliquer une seconde fois sur l'interface avec l'outil ajouter crée une seconde molécule et une liaison entre les deux. Puisque le nombre maximum d'atomes est atteint, l'outil est automatiquement changé pour sélection et l'outil ajouter est indisponible.

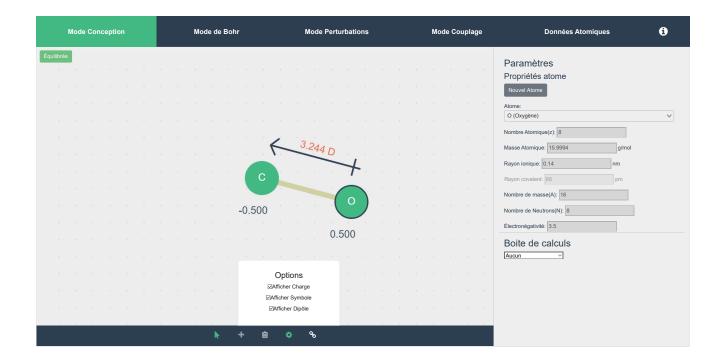
Les atomes ajoutés sont en rouge pour indiquer qu'ils ne sont pas définis. Pour définir un atome, il doit être sélectionné en cliquant sur celui-ci avec l'outil sélection, puis, dans la fenêtre paramètres, un atome prédéfini peut-être sélectionner ou un nouvel atome peut être défini avec le bouton "Nouvel Atome".

Les atomes, maintenant définis, leurs couleurs ont changé de rouge à vert et le symbole de l'atome apparait dans l'interface.

L'icône de poubelle permet de supprimer l'atome sélectionné.

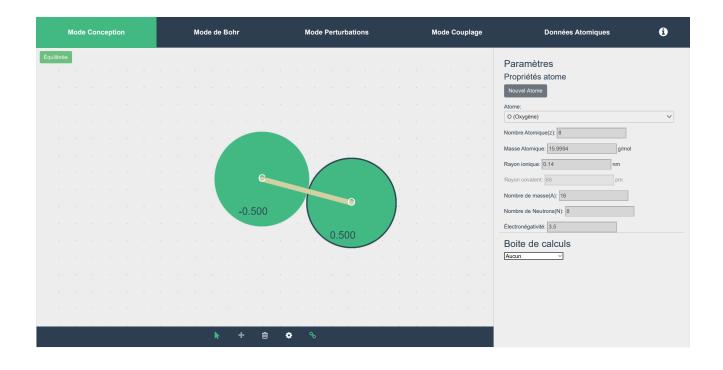






L'affichage lié à chaque atome peut être changé en sélectionnant les Options (représenté par un Lengrenage dans la barre d'outils). Chaque atome peut indiquer sa charge ou son symbole ou la molécule peut indiquer son dipôle.

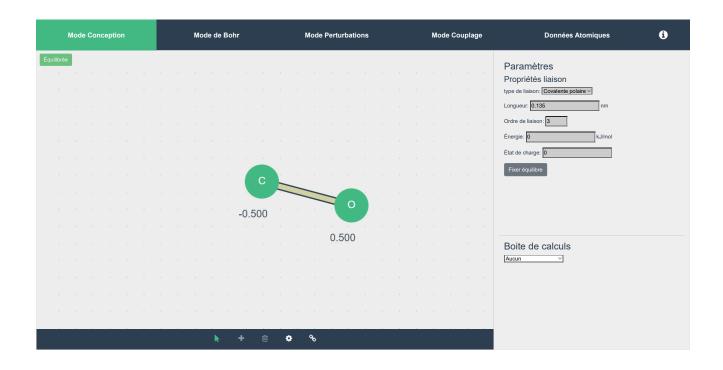
Le paramètre adjacent, représenté par une icône de lien, permet d'activer le mode d'affichage proportionnel des atomes basé sur le rayon de chacun.

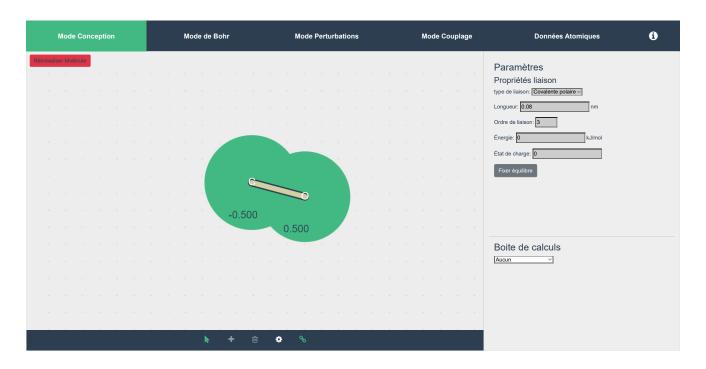


Sélectionner la liaison permet d'afficher ses propriétés dans la fenêtre "Paramètres". Les valeurs affichées ont été calculées à partir des propriétés des atomes formant la molécule.

Modifier un des paramètres crée un déséquilibre dans la molécule, représenté par l'indicateur rouge dans le coin supérieur gauche de l'interface. Les calculs dans la boite de calculs utilisent les valeurs entrées par l'utilisateur.

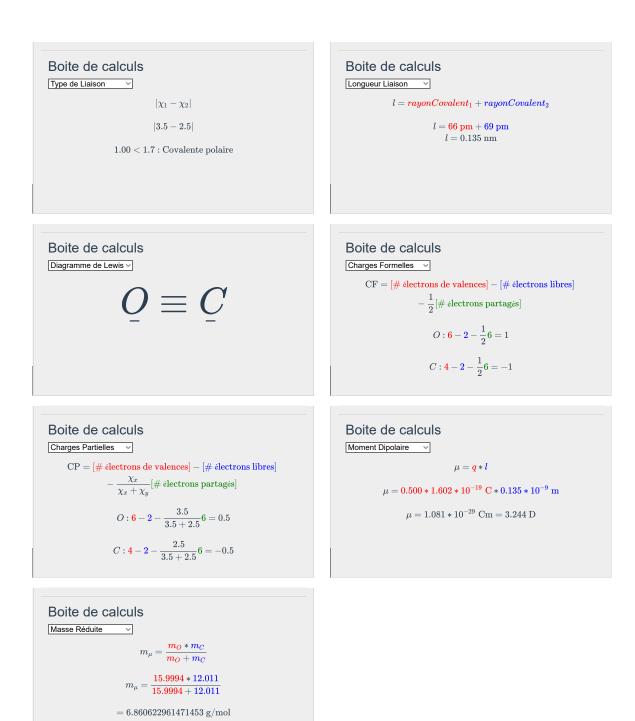
Cliquer sur l'indicateur permet de recalculer les valeurs et de revenir à l'équilibre. L'option "Fixer Équilibre" définit l'état présent comme l'état d'équilibre.





Lorsque possible, la formule est présentée, la formule avec les valeurs est ensuite affichée et la réponse est montrée. Des couleurs sont présentes dans les équations pour bien distinguer le développement des différentes variables.

Les calculs disponibles sont présentés:

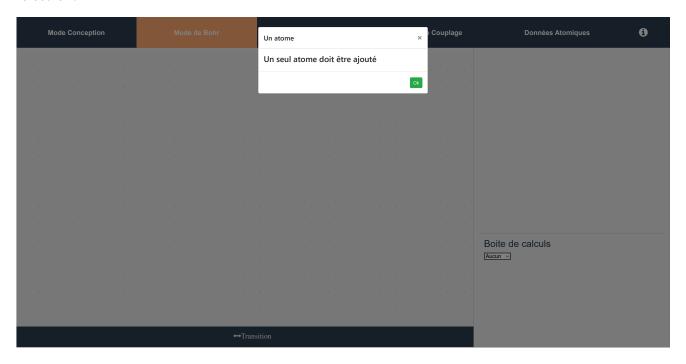


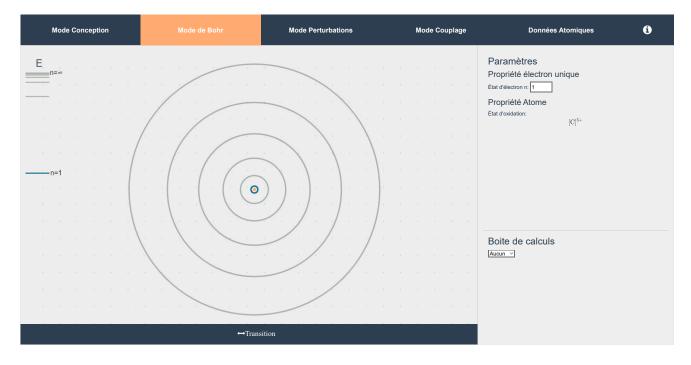
Mode de Bohr

 \mathbf{E}^{n} entrant dans le mode de Bohr, s'il n'y a pas qu'un seul atome qui a été placé, un message apparait pour vous en informer.

Lorsqu'un seul atome a été ajouté avant d'entrer dans le mode de Bohr, celui-ci apparait dans l'interface graphique. Six niveaux possibles d'électrons sont également présentés, ainsi que leurs énergies relatives à gauche.

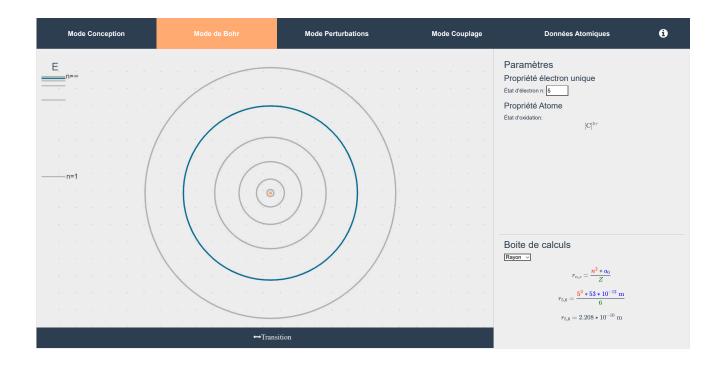
La section paramètres informe sur l'état d'oxydation de l'atome et permet de modifier l'état de l'électron.

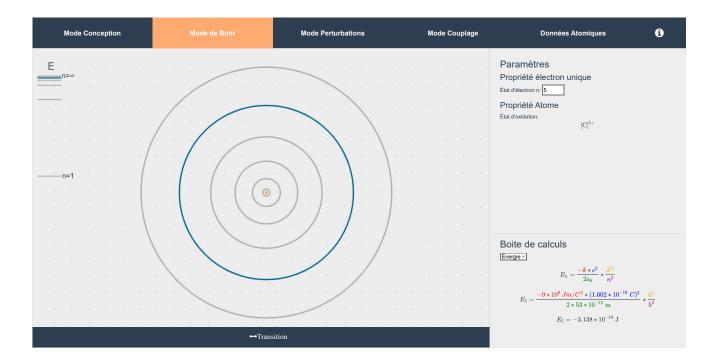




En sélectionnant un état d'électron, son rayon relatif et son énergie relative sont affichés dans l'interface. Les états de 1 à 6 ainsi que infini peuvent être sélectionnés.

La boite de calculs permet d'afficher le rayon de l'électron au noyau et son énergie.

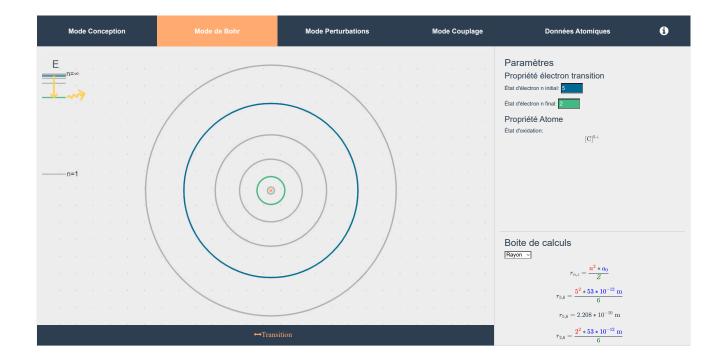


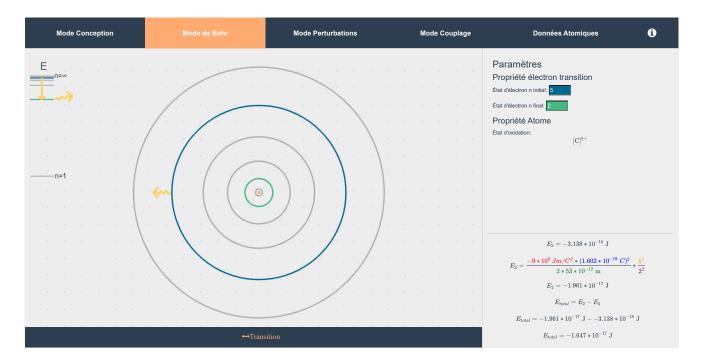


Sélectionner l'option transition sans la barre d'outils de l'interface graphique permet de sélectionner un état d'électron initial et un état d'électron final dans la section paramètres. La couleur des paramètres correspond aux couleurs de l'affichage.

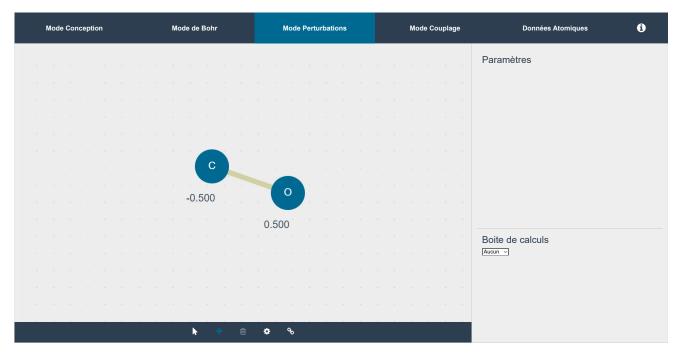
La boite de calculs permet maintenant d'afficher le rayon de l'électron au noyau et son énergie pour chacun des deux états en plus de la différence d'énergie.

Un photon démontre la direction de l'énergie.





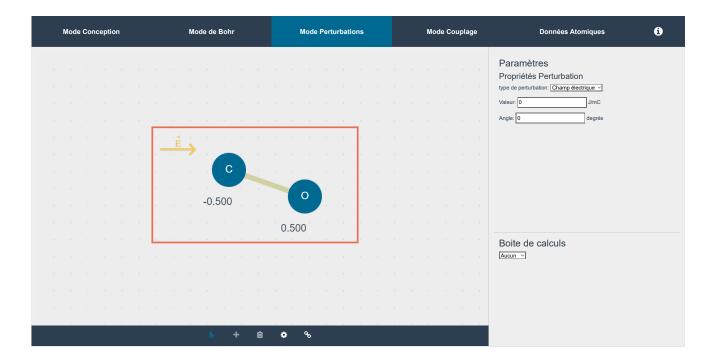
Mode Perturbations



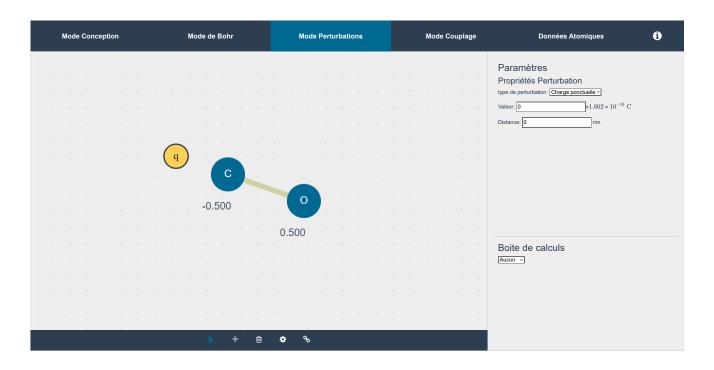
A près la construction d'un atome ou d'une molécule dans le mode conception, le mode perturbations permet d'ajouter une perturbation pour observer son effet sur la molécule en calculant l'énergie et en visualisant la force.

La barre d'outils du mode de perturbations est identique, visuellement et dans ses fonctionnalités, à celle disponible dans le mode de conception.

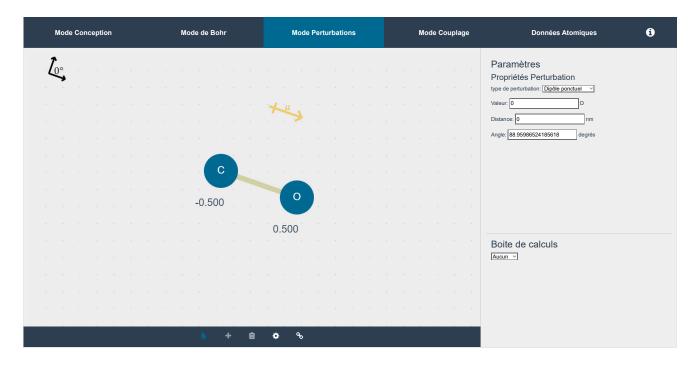
Les quatre types de perturbations disponibles dans le simulateur sont présentés.



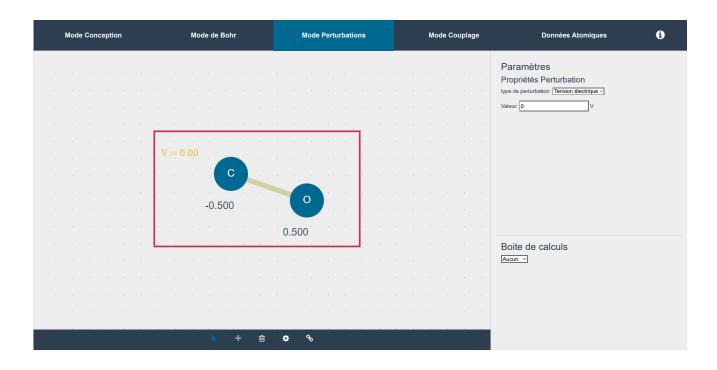
La perturbation de type champ électrique a une valeur d'intensité et un angle, et est appliquée de manière uniforme sur la molécule.



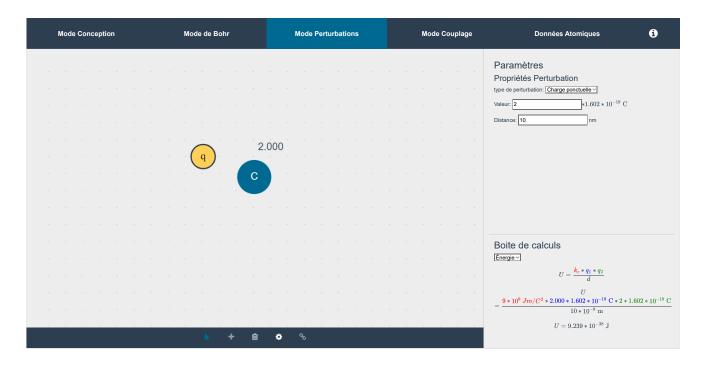
La perturbation de type charge ponctuelle a une valeur d'intensité et une distance, mais ne peut être placée que sur l'axe de la liaison lorsqu'une est présente.



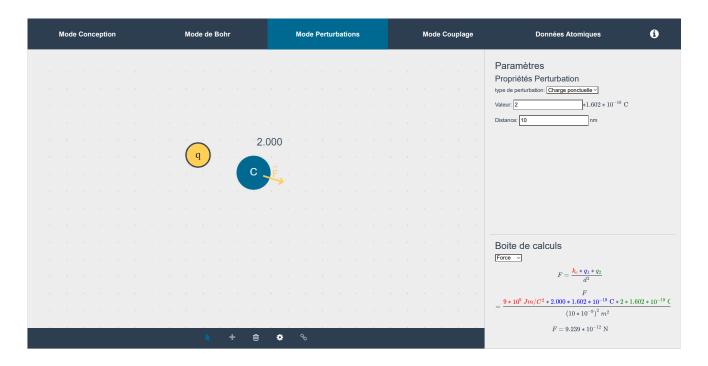
L'dipôle est conservée parallèle au dipôle de la molécule et l'angle représente sa position polaire relative à la molécule.



La perturbation de tension électrique a une valeur d'intensité. La perturbation est uniforme sur la molécule.



Le calcul de l'énergie est disponible dans la boite de calcul.

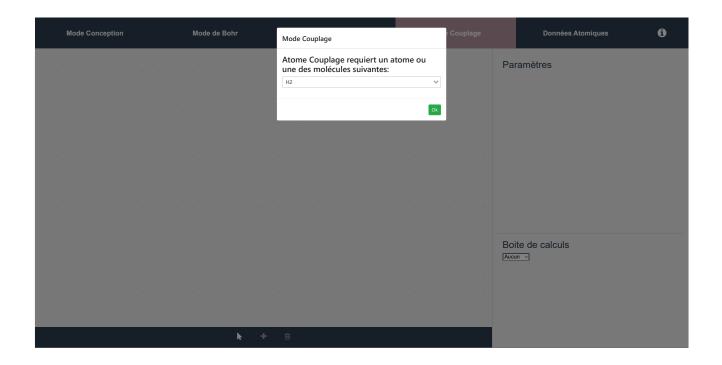


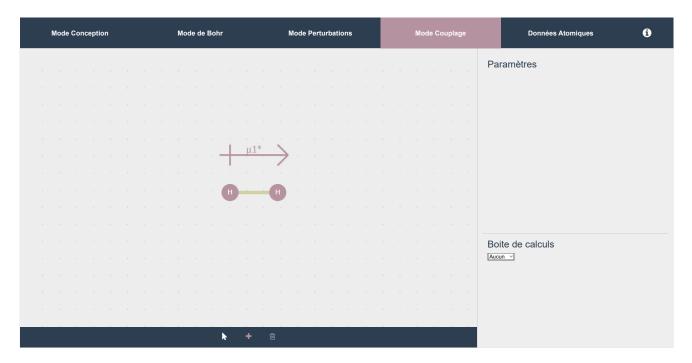
Le calcul de la force est disponible dans la boite de calcul. La direction de la force est également illustrée dans l'interface graphique.

Mode Couplage

En entrant dans le mode de couplage, si un seul atome ou une molécule valide n'a pas été ajouté au mode de conception, un message apparait pour vous permettre de sélectionner une molécule valide.

Lorsqu'une configuration valide est sélectionnée, le mode couplage sera disponible.

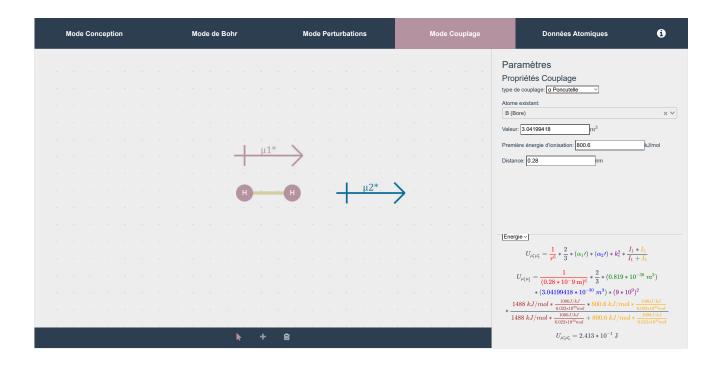




La barre d'outils permet d'ajouter une particule de couplage: une charge ponctuelle, une polarisabilité ponctuelle ou un dipôle ponctuel.

Lorsqu'une particule est ajoutée, ses options sont disponibles dans la fenêtre paramètres. Les trois types de particules ont les options de valeur et de distance, mais la polarisabilité ponctuelle requiert également une première énergie d'ionisation. Pour ce dernier type, un atome existant peut être sélectionné.

La fenêtre boite de calculs affiche l'énergie du couplage.



Données Atomiques

Mode Conception		Mode de Bohr Mode Perturbations				Mode Couplage	Données Atomiques		0				
	Télécharger CSV												
Symbole *	Nom [‡]	Nombre Atomique	Masse Atomique	Rayon lonique	Rayon Covalent	Nombre de Masse	Nombre de Neutrons	Électronégativité [†]	Première Énergie Ionisation [kJ/mol]	Électrons de Valence	Polarisabilité (x10-³°) [m³]		
Н	Hydrogène	1	1.00797	0.208	30	1	0	2.1	1312	1	0.6688098726156001		
He	Hélium	2	4.0026	-	28	4	2	-	2372.3	2	0.20533460715000001		
Li	Lithium	3	6.941	0.068	128	7	4	1	520.2	1	24.352647310500004		
Be	Béryllium	4	9.01218	0.031	96	9	5	1.6	899.5	2	5.600237090400001		
В	Bore	5	10.81		84	11	6	2	800.6	3	3.04199418		
С	Carbone	6	12.011	0.26	69	12	6	2.5	1086.5	4	1.6768065480000003		
N	Azote	7	14.0067	0.171	71	14	7	3	1402.3	5	1.0980857040000003		
0	Oxygène	8	15.9994	0.14	66	16	8	3.5	1313.9	6	0.786466788		
F	Fluor	9	18.998403	0.136	57	19	10	4	1681	7	0.5549784504		
Ne	Néon	10	20.179		58	20	10		2080.7	8	0.39488052255600004		
Na	Sodium	11	22.98977	0.095	166	23	12	0.9	495.8	1	24.143046492		
Mg	Magnésium	12	24.305	0.065	141	24	12	1.3	737.7	2	10.565365152000002		
Al	Aluminium	13	26.98154	0.05	121	27	14	1.6	577.5	3	8.576939688000001		
Si	Silicium	14	28.0855	0.041	111	28	14	1.9	786.5	4	5.534945508		
Р	Phosphore	15	30.97376	0.212	107	31	16	2.2	1011.8	5	3.7097490000000004		

La section Données Atomiques permet d'accéder aux données pour chaque atome. Une barre de recherche permet de rapidement trouver une valeur recherchée.

L'option de téléchargement facilite une utilisation externe des données en permettant d'ouvrir le fichier dans un éditeur de tableau tel Excel.

Lorsque de nouveaux atomes sont ajoutés dans le mode conception, ceux-ci apparaîtront au haut du tableau en bleu.

