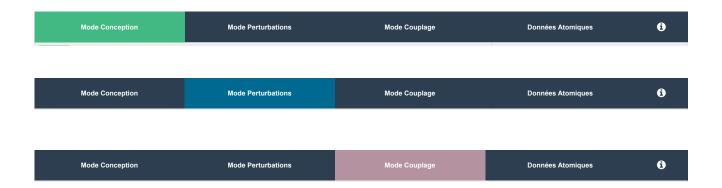
SIMULATEUR DE MOLÉCULES COULOMBIQUES CHM-1000

Christophe Bolduc Jesse Greener

Département de Chimie Université Laval

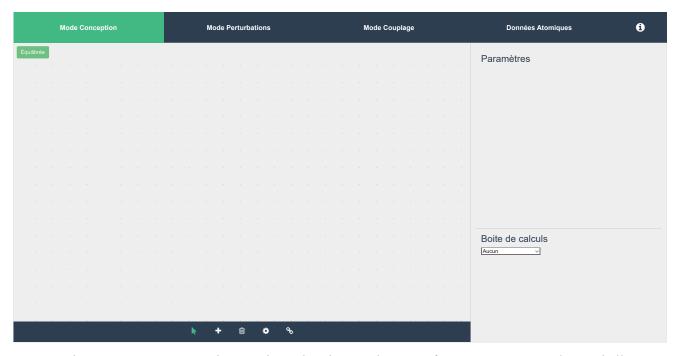
Contenu Barre de navigation 3 Mode Conception 4

Barre de navigation

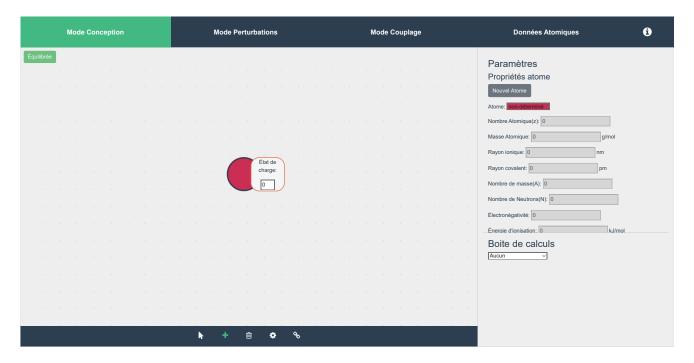


La barre de navigation permet d'accédéaux différents modes du simulateurs. Chacun de ces modes Lest présenté dans ce document. L'icone d'intérogation permet d'accéder au présent document. Chacun des trois modes a sa couleur caractéristique.

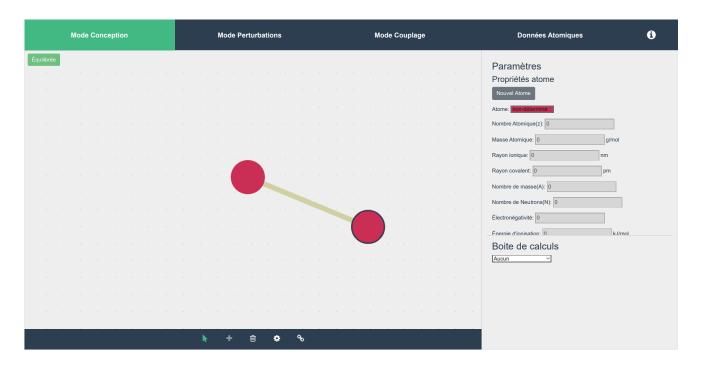
Mode Conception



Le mode conception permet de créer la molécule à analyser. La fenêtre comportant le quadrillé L'représente l'interface graphique où l'utilisateur peut placer et intéragir avec les atomes. Une barre d'outils est également disponible au bas pour définir le type d'intéraction avec l'interface. La section "Paramètres" permet d'observer et de modifier les paramètres d'un molécule ou d'une liaison entre deux atomes. La sous-fenêtre "Boite de calculs" affiche la formule, le développement et la réponse à un calcul sélectionné. ajout de molécule s'effectue par l'interface graphique du modede conception.



En sélectionant l'outil ajouter (représenté par un + dans la barre d'outils) et en cliquant sur l'interface, un atome est ajouté. Une fenêtre permet de modifier l'état de charge de la molécule. Cette option n'est disponible que lorsqu'une seule molécule est présente sur l'interface et est accecible en double cliquant l'atome.

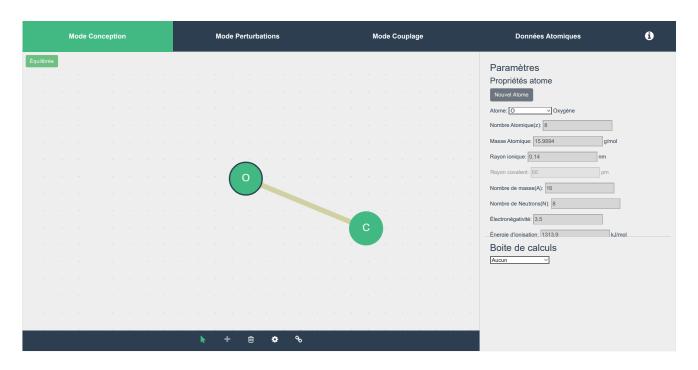


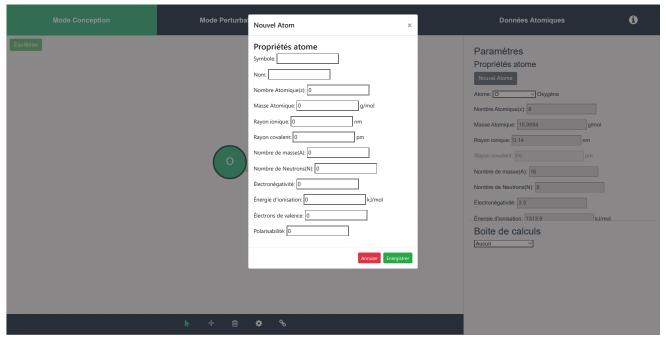
Cliquer une seconde fois sur l'interface avec l'outil ajouter crée une seconde molécule et une liaison entre les deux. Puisque le nombre maximum d'atomes est attain, l'outil est automatiquement changer pour sélection et l'outil ajouter est indisponible.

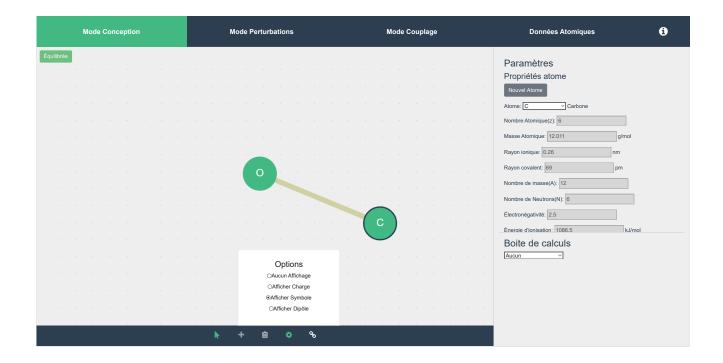
Les atomes ajoutés sont en rouge pour indiquer qu'ils ne sont pas définis. Pour définir un atome, il doit être sélectionné en cliquant sur celui-ci avec l'outil sélection, puis, dans la fenêtre paramètres, un atome pré-défini peut-être sélectionner ou un nouvel atome peut être défini avec le bouton "Nouvel Atome".

Les atomes, maintenant définis, leurs couleurs ont changés de rouge à vert et le symbole de l'atome apparait dans l'interface.

L'icon de poubelle permet de supprimer l'atome sélectionné.

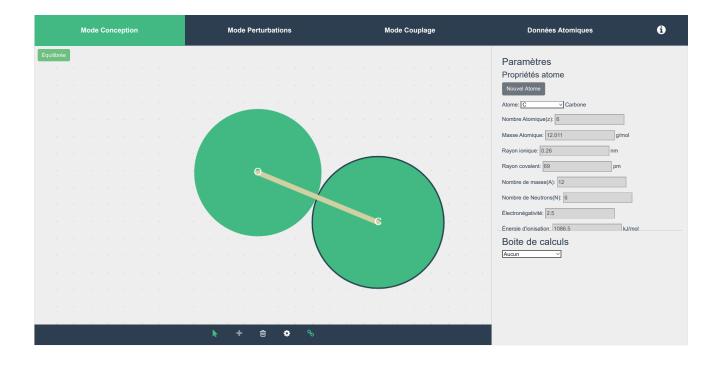






L'affichage lié à chaque atome peut être changé en sélectionnant les Options (représenté par un engranage dans la barre d'outils). Chaque atome peut indiquer sa charge ou son symbole ou la molécule peut indiquer son dipôle.

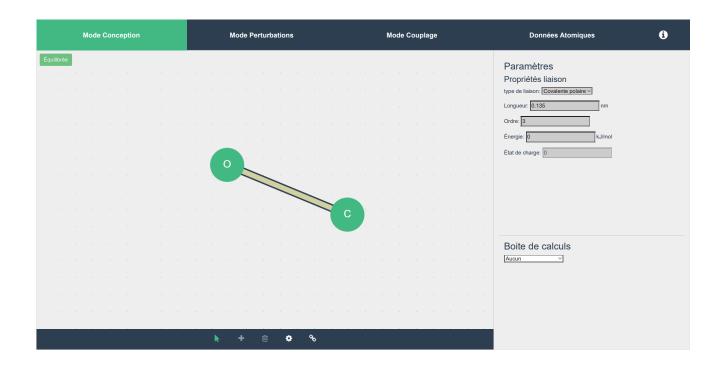
Le paramètre adjacent représenté par un icon de lien, permet d'activer le mode d'affichage proportionnel des atomes basé sur le rayon de chaque.

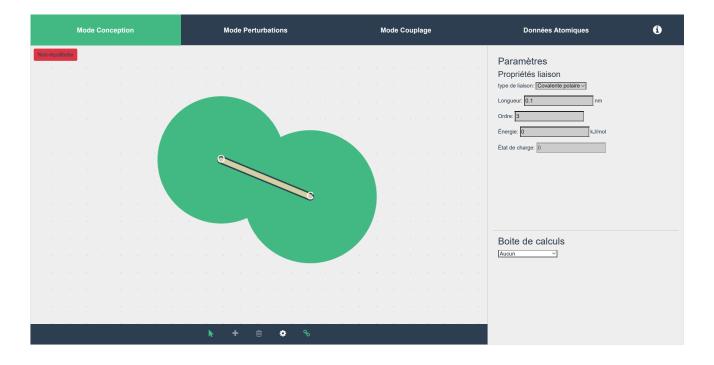


Sélectionner la liaison permet d'afficher ses propriétés dans la fenêtre "Paramètres". Les valeurs affichées ont été calculées à partir des propriétés des atomes formant la molécule.

Modifier un des paramètres crée un déséquilibre dans la molécule, représenté par l'indicateur rouge dans le coin supérieur gauche de l'interface. Les calculs dans la boite de calculs utilisent les valeurs entrées par l'utilisateur.

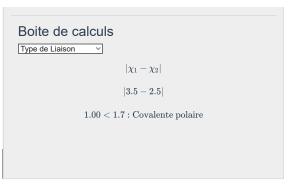
Cliquer sur l'indicateur permet de recalculer les valeurs et de revenir à l'équilibre.

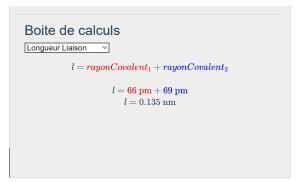


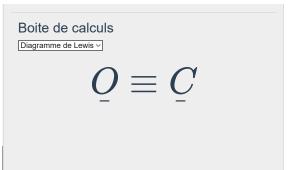


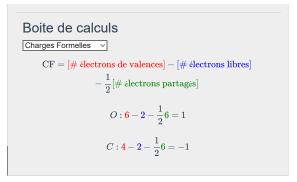
La boite de calculs permet de développer certains calculs effectués avec les paramètres entrés. Lorsque possible, la formule est présentée, la formule avec les valeurs est ensuite affichée et la réponse est montrée. Des couleurs sont présentes dans les équations pour bien distinguer le développement des différentes variables.

Les calculs disponibles sont présentés:









```
Boite de calculs

[Charges Partielles \checkmark]

CP = [\# \text{ électrons de valences}] - [\# \text{ électrons libres}]
-\frac{\chi_x}{\chi_x + \chi_y} [\# \text{ électrons partagés}]
O: 6 - 2 - \frac{3.5}{3.5 + 2.5} 6 = 0.5
C: 4 - 2 - \frac{2.5}{3.5 + 2.5} 6 = -0.5
```

```
Boite de calculs \mu = q*l \mu = 0.500*1.602*10^{-19} \text{ C}*0.135*10^{-9} \text{ m} \mu = 1.081*10^{-29} \text{ Cm} = 3.244 \text{ D}
```

```
Boite de calculs m_{\mu} = \frac{m_O * m_C}{m_O + m_C} m_{\mu} = \frac{15.9994 * 12.011}{15.9994 + 12.011} = 6.860622961471453 \, \mathrm{g/mol}
```