

实验记录时间:2018-01-29 10:29:01

实验记录人:miao02

test-0009000tes

关键词汇:

实验编号:NB17378-6

室温: 相对湿度: 天气:多云

反应式



原料表

名称	Eq	分子量	摩尔量	质量	体积	密度(g/ml)	摩尔浓度(mol/ml)	%wt
benzene	1	78.1118	0	0	0	0	0	100
cyclohexane	1	84.1594	0	0	0	0	0	100

产物表

名称	分子量	摩尔量	理论质量	实际量	产率
没有找到匹配的记录					

实验过程

adfasdfasdfa

2018/01/26 10:40:50 94

9999

(null)



结果与分析

1. 以PBS为空白对照，将标准蛋白BSA梯度稀释为20、17.5、15、12.5、10、7.5、5、2.5 $\mu\text{g/mL}$ ，待测样品做适当稀释，每管100 μL 。

做标准曲线用的标准蛋白和待测样品应一起准备，这对待测样品的浓度确定十分重要；每次实验都应做一新的标准曲线；每个样品两到三个重复管。

2. 加入1mL Bradford工作液，振荡混匀，室温反应2mins。

由于染料和蛋白的反应是连续的，所以染料应依次加入到各蛋白样品中，所有样品也应按照加入染料的顺序测定A595值。

3. 测定A595值，测量应在1h内完成。

可提前打开并设定好酶标仪或分光光度仪，以提高测量准确度和节约时间。建议使用酶标仪，可以一次性完成测定。反应5 mins后充分显色，10~15 mins后开始出现沉淀，尤其是高浓度蛋白，所以10mins内完成测定，可将误差控制在最小。

4. 以标准蛋白的浓度为横坐标，A595值为纵坐标画出标准曲线，根据标准曲线，通过待测样品的A595值，确定其浓度。

如果待测样品的吸光值落在标准曲线之外，则结果误差会很大，应根据结果调整样品的稀释比例后再进行检测。

2018/01/26 11:00:48 36

Mobile test-001

2018/01/26 11:00:48 37

Speak can be used in real iPhone

附件

名称	文件选择	上传时间	文件地址
Transparency.cdss	-	2018-01-25 14:50:45	https://www.ilabpower.com/UploadDocument/Attachment/1/Version1/201801251

参考文献

期刊名称	文献名称	文件操作	年份	卷	期	起止页码
33	-	-	-	-	-	-

历史追踪记录

历史版本创建记录

标题	保存时间	版本号	创建者
test-0009000tes	2018-01-29 10:29:01	9	miao02
test-0009000test-0009000test-0009000test-0009000test-0009000test-0009000test-0009000	2018-01-26 16:08:27	8	miao02
test-0009000	2018-01-26 13:37:02	7	miao02
test-0009	2018-01-26 11:00:51	6	miao02
test-0009	2018-01-26 11:00:08	5	miao02
test-0009	2018-01-26 10:57:07	4	miao02
test-0009	2018-01-26 10:54:45	3	miao02
test-0009	2018-01-26 10:40:55	2	miao02
test-0009	2018-01-25 14:51:58	1	miao02

流程历史记录

