Concentração de marcação histológica em uma região específica de um tecido – *ImageJ e Python*

Laura Damasceno de Campos

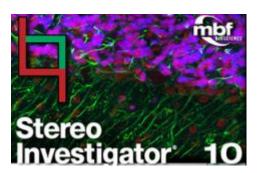




Contextualização

- Linha de pesquisa não definida;
- Necessidade atual Orientador;
- Morfometria x Estereologia:







ImageJ

• É um programa de processamento de imagem, desenvolvido na linguagem Java. Trata-se de um software de domínio público e sua principal vantagem é a possibilidade de visualizar em tempo real o resultado de diferentes técnicas de processamento de imagens através de uma interface gráfica.

Stereo Investigator

• Fornece estimativas precisas e imparciais do número, comprimento, área e volume de células ou estruturas biológicas em uma amostra de tecido.

Por que, então, não utilizar o Stereo Investigator?

• Depende do objetivo.



Artigo

• Utilizar uma metodologia semelhante ao realizado neste artigo:

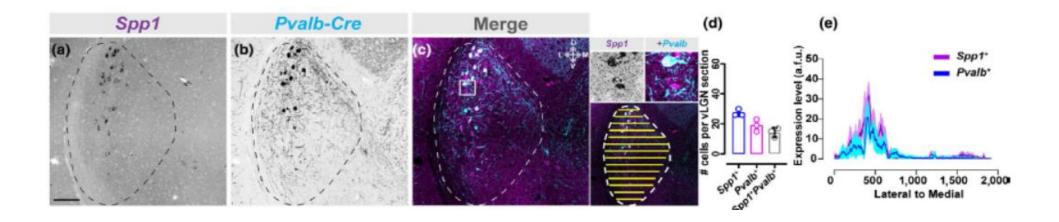


Objetivo

Quantificar a distribuição espacial da expressão do marcador de tipo de célula em todo o vLGN (núcleo geniculado ventral lateral).



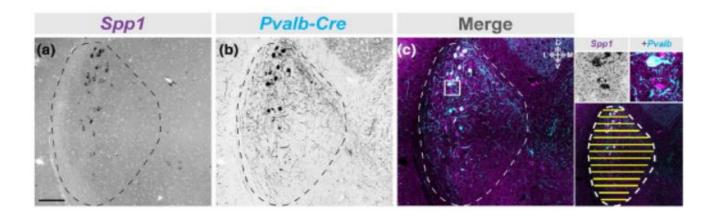




- Resume a ideia central do método utilizado;
- Descobrir se existe uma concentração de marcação histológica (por exemplo, um tipo particular de neurônios) em uma região específica de um dado tecido.



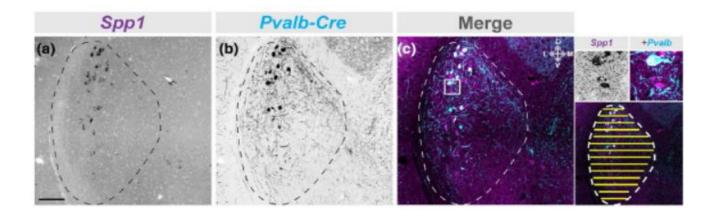
O que foi realizado



- Desenvolveu-se um script de varredura de linha personalizado, que é executado em ImageJ;
- Em (a) e (b): neurônios distintos se organizam em uma sublâmina de vLGN;
- Em (c) tem-se essa sublâmina com a sobreposição dos neurônios;
- Ilustração da abordagem de varredura de linha automatizada usada para quantificar a expressão espacial;
- Sobrepõe o vLGN com linhas igualmente espaçadas;
 - Por que fazer automatizado? Para evitar o viés do usuário.



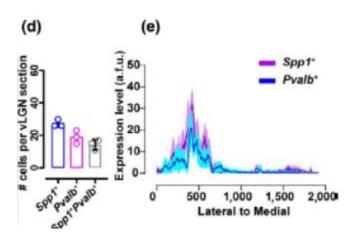
Como funciona o script



- Limiarização;
- Para determinar a curvatura do vLGN em uma imagem específica, solicita-se que o usuário desenhe uma linha ao longo do trato óptico adjacente ao vLGN;
- Desenha-se automaticamente linhas de comprimento e número definidos, guiados por essa curva, e é plotado a intensidade do sinal nas coordenadas x de cada linha.



O que retorna



- Em (d) tem-se a quantificação de neurônios, que geram um ou ambos SPP1 e Pvalb ARNm (que são os tipos de neurônios analisados);
- Em (e) consta a análise de varredura de linha da distribuição espacial dos neurônios;
- Essas intensidades podem então ser calculadas para determinar onde há uma concentração específica daquele neurônio no vLGN.

INSTITUTO INTERNACIONAL DE NEUROCIÊNCIAS Edmond e Lily Safra

Ideal

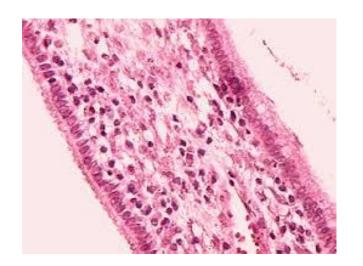
- Buscar desenvolver um código que tenha uma funcionalidade semelhante ao script desenvolvido no artigo;
 - O professor desenvolveu um semelhante, porém fazendo dois códigos: um em ImageJ e outro em Python (o editor de scripts do ImageJ oferece suporte a muitas linguagens diferentes).

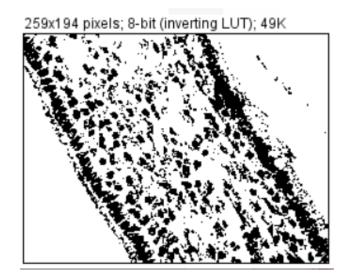
- O objetivo passou a ser:
 - Fazer um código unificado e, para fins desta disciplina, utilizar o Python sem ser por meio do ImageJ.

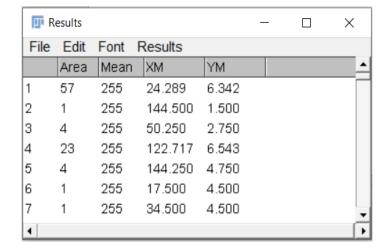


Passo a passo

- Escolhi uma imagem histológica qualquer;
- 2. No ImageJ, abri a imagem, limiarizei e fiz o contorno da área que queria observar;
- 3. Como resultado o programa irá abrir duas janelas.









Código

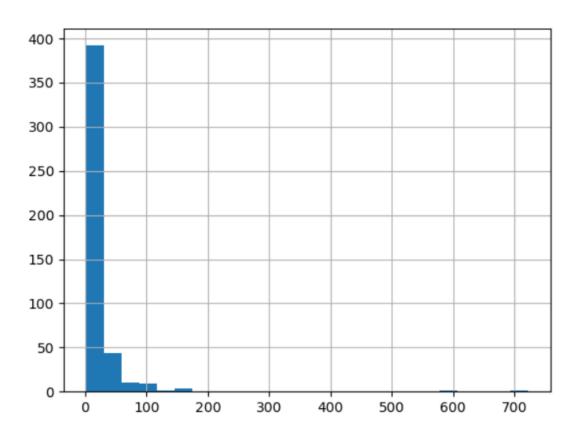
```
import matplotlib.pyplot as plt
import pandas as pd
import statistics

a = pd.read_excel('Resultados ImageJ.xlsx')
print('Arquivo importado com sucesso.')

print(a.head())
print(a['Area'].value_counts())
fig = a['Area'].hist(bins=25)
plt.show()
```

```
print('Media: ',a['Area'].mean())
print('DP: ', statistics.stdev(a['Area']))
print('Mediana: ', statistics.median(a['Area']))
print('Maximo: ', max(a['Area']))
print('Mínimo: ', min(a['Area']))

class Experimento:
    def __init__(self, data):
        self.media = data.mean()
        self.desvpad = statistics.stdev(data)
        self.mediana = statistics.median(data)
        self.max = max(data)
        self.min = min(data)
```





```
def salvarResultados(self, arquivo, tipo):
    if tipo == 'txt':
        arquivo += '.txt'
        temp = open(arquivo, 'w')
        temp.write('Media: '+str(self.media) + '\n')
        temp.write('Mediana: '+str(self.mediana) + '\n')
        temp.write('DP: '+str(self.desvpad) + '\n')
        temp.write('Maximo: '+str(self.max) + '\n')
        temp.write('Minimo: '+str(self.min) + '\n')
        print('Arquivo Salvo com resultados.')
        temp.close()
```

```
elif tipo == 'csv':
                                                                elif tipo == 'excel':
           data = dict()
                                                                  data = dict()
42
           data['Media'] = [self.media]
                                                                 data['Media'] = [self.media]
           data['Mediana'] = [self.mediana]
                                                                 data['Mediana'] = [self.mediana]
           data['DP'] = [self.desvpad]
                                                                 data['DP'] = [self.desvpad]
44
                                                                  data['Maximo'] = [self.max]
           data['Maximo'] = [self.max]
                                                                  data['Minimo'] = [self.min]
           data['Minimo'] = [self.min]
           dataframe = pd.DataFrame(data)
                                                                  dataframe = pd.DataFrame(data)
                                                                  arquivo += '.xlsx'
           arquivo += '.csv'
                                                                 dataframe.to excel(arquivo)
           dataframe.to csv(arquivo)
                                                                 print('Arquivo Salvo com resultados.')
           print('Arquivo Salvo com resultados.')
                                                                else: print('Tipo não identificado.')
```

```
escolha = input('Deseja salvar arquivo de saída? ')
if escolha == 'sim':
nomeArquivo = input('Digite o nome do arquivo de saída: ')
while True:
tipoSaida = input('Informe o tipo de arquivo que deseja salvar de saída [txt, csv ou excel]: ')
if tipoSaida in ['csv','excel','txt']:
break

experimento.salvarResultados(nomeArquivo,tipoSaida)
```



Referências

- FERREIRA, Tiago. RASBAND, Wayne. ImageJ User Guide. Fiji 1.46, 2012.
- Diverse GABAergic neurons organize into subtype-specific sublaminae in the ventral lateral geniculate nucleus. Disponível em: https://onlinelibrary.wiley.com/doi/full/10.1111/jnc.15101. Acesso em: 19 de setembro de 2020.
- Tutorial Image J. Disponível em: https://www.if.ufrj.br/~pef/producao_academica/dissertacoes/2014_Fernanda_a_Pantoja/fernandapantoja_matinstruc_2.pdf. Acesso em: 20 de setembro de 2020.

Obrigada!

laura.campos@edu.isd.org.br















