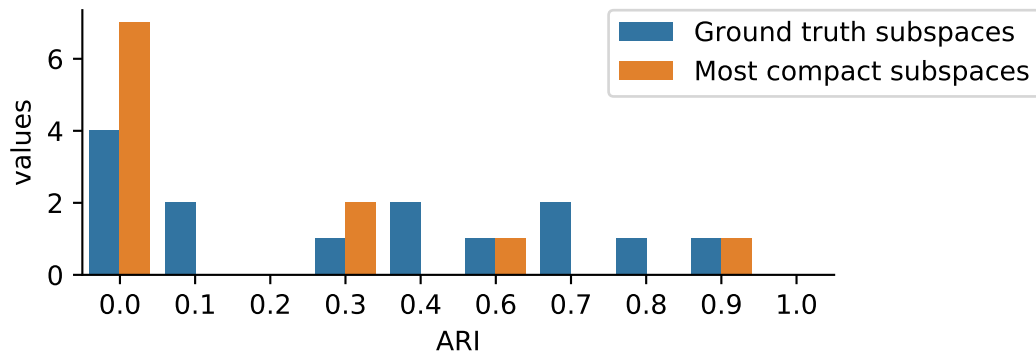


b) ARI scores on microarray datasets

	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10
Discover + GMM *	0.54	0.16	1.0	0.42	0.86	0.65	0.46	0.74	0.68	0.03
Discover + HDBSCAN	0.0	0.16	0.82	0.27	0.27	0.34	0.13	0.37	0.4	0.06
Affinity Propagation	0.35	0.0	0.28	0.1	0.06	0.22	0.36	0.57	0.16	0.01
Kmeans*	0.44	0.01	0.98	0.16	0.37	0.07	0.45	0.9	0.09	0.0
GMM*	0.22	0.01	0.98	0.21	0.02	0.05	0.38	0.64	0.03	0.01
Spectral Clustering*	-0.03	-0.01	0.2	0.02	0.0	0.24	0.21	0.09	0.04	-0.01
HDBSCAN	0.16	-0.02	0.45	0.05	-0.06	0.2	0.0	0.71	0.0	0.0
PCA50+ Kmeans*	0.1	0.0	0.98	0.18	0.4	0.16	0.5	0.9	0.08	0.0
PCA50 + GMM*	0.27	0.02	0.98	0.24	0.06	0.01	0.58	0.59	0.12	0.01
PCA50 + HDBSCAN	0.18	-0.01	0.37	-0.04	0.22	0.31	0.16	0.6	0.03	0.01
Xgboost+GMM*	0.75	0.5	1.0	1.0	1.0	1.0	0.76	0.97	0.89	0.69
Xgboost+HDBSCAN	0.44	0.38	0.96	0.66	0.89	0.98	0.29	0.87	0.75	0.2
MI+GMM*	1.0	0.36	0.97	0.94	1.0	1.0	0.77	1.0	0.81	0.76
MI+HDBSCAN	0.77	0.24	0.81	0.66	0.9	0.97	0.22	0.36	0.83	0.34

c) Our ARI all datasets



d) Our Silhouette all datasets

