Novogene

The directory for the results files of the bacterial genome diagram

```
Result/
├── 00.Rawdata
│   ├── sample1
│   └── sample2
├── 01.Cleandata
│   ├── all_sample.Cleandata.stat.xls
│   ├── Cleandata.readme.pdf
│   ├── sample1
│   └── sample2
├── 02.Assembly
│   ├── all_kmer.stat.xls
│   ├── all_sample.contig.stat.xls
│   ├── all_sample.scaf.stat.xls
│   ├── Assembly.readme.pdf
│   ├── sample1
│   └── sample2
├── 03.Genome_Component
│   ├── all_sample.crispr.stat.xls
│   ├── all_sample.gene.stat.xls
│   ├── all_sample.GIs.stat.xls
│   ├── all_sample.ncRNA.stat.xls
│   ├── all_sample.prophage.stat.xls
│   ├── all_sample.repbase.stat.xls
│   ├── all_sample.trf.stat.xls
│   ├── CRISPR.readme.pdf
│   ├── Gene.readme.pdf
│   ├── Genomic_Island.readme.pdf
│   ├── ncRNA.readme.pdf
│   ├── Prophage.readme.pdf
│   ├── Repeat.readme.pdf
│   ├── sample1
│   └── sample2
├── 04.Genome_Function
│   ├── all_sample.annoSummary.stat.xls
│   ├── all_sample.cazy.stat.xls
│   ├── all_sample.secondary_metablism.stat.xls
│   ├── all_sample.secretory.stat.xls
│   ├── all_sample.t3ss.stat.xls
│   ├── all_sample.tnss.stat.xls
│   ├── AnnoSummary.readme.pdf
│   ├── ARDB.readme.pdf
│   ├── CARD.readme.pdf
│   ├── CAZy.readme.pdf
│   ├── COG.readme.pdf
│   ├── GO.readme.pdf
│   ├── KEGG.readme.pdf
│   ├── NR.readme.pdf
│   ├── Pfam.readme.pdf
│   ├── PHI.readme.pdf
│   ├── Secondary_Metabolism.readme.pdf
│   ├── secretory.readme.pdf
│   ├── Swiss-Prot.readme.pdf
│   ├── T3SS.readme.pdf
│   ├── TCDB.readme.pdf
│   ├── TnSS.readme.pdf
│   ├── VF.readme.pdf
│   ├── sample1
│   └── sample2
```

Note: The directory of this result file includes all the analysis content of the product, and the specific analysis content of this project is subject to the report