#### Erklärung Vorgehen

- 1. Das Thema ist besonders relevant, weil ...
- 2. Außerdem ...
- 3. Weiterhin ...

#### **Theorie**

Formeln macht man so:

$$\int_a^b f(x)\,dx\approx (b-a)\frac{f(a)+f(b)}{2}$$

# MSE of EBP and Gini Population Value per Domain

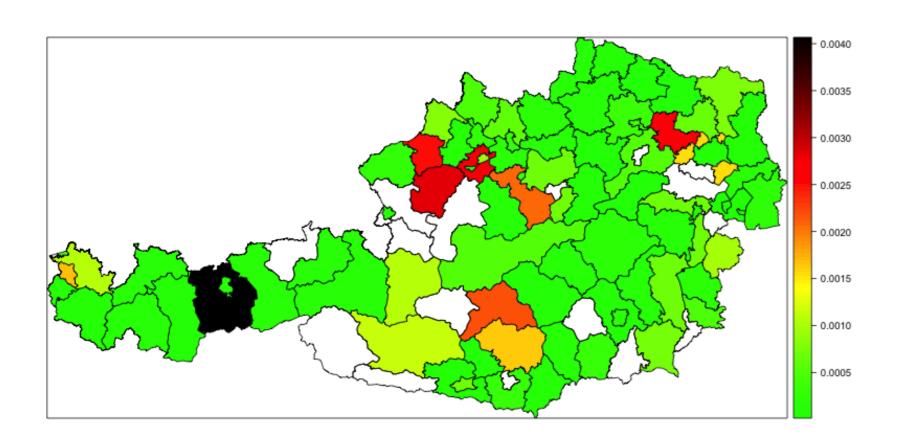


Figure: MSE of weighted EBP per Domain

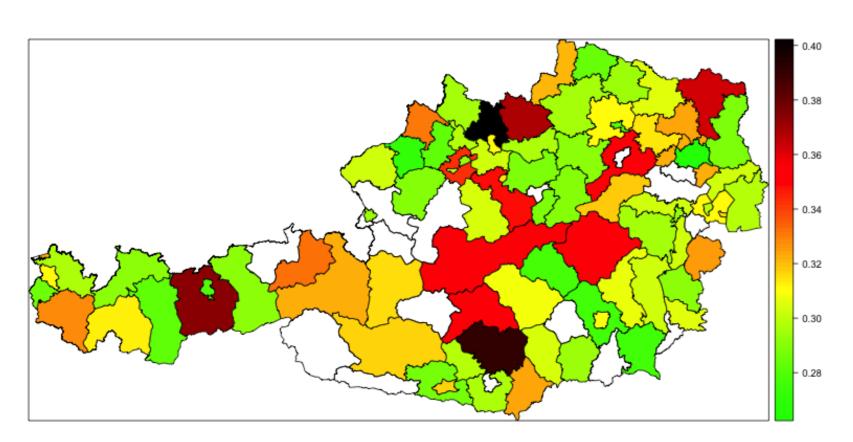


Figure: Population Gini per Domain

# Übersicht Genetic Matching Algorithmus

#### Umsetzung

Hier wird das Vorgehen erklärt:

- **...**

## **Domain Level MSE and MAE of Estimators**

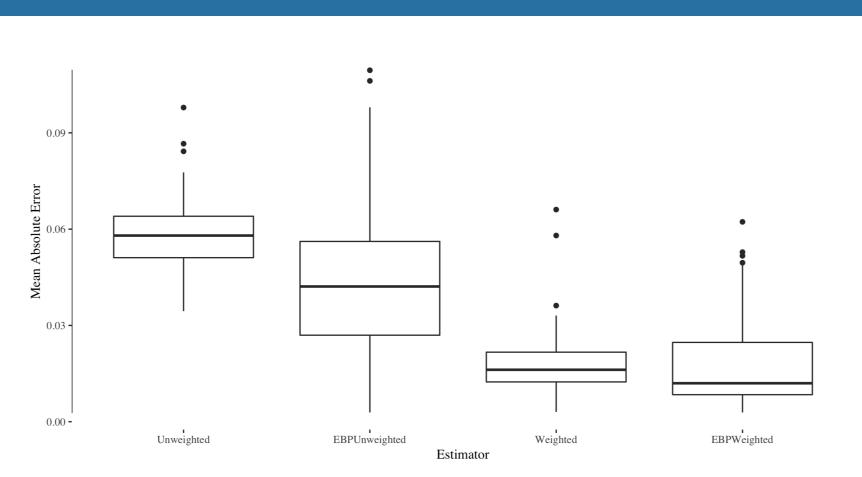


Figure: Boxplot of MAE on Domain Level

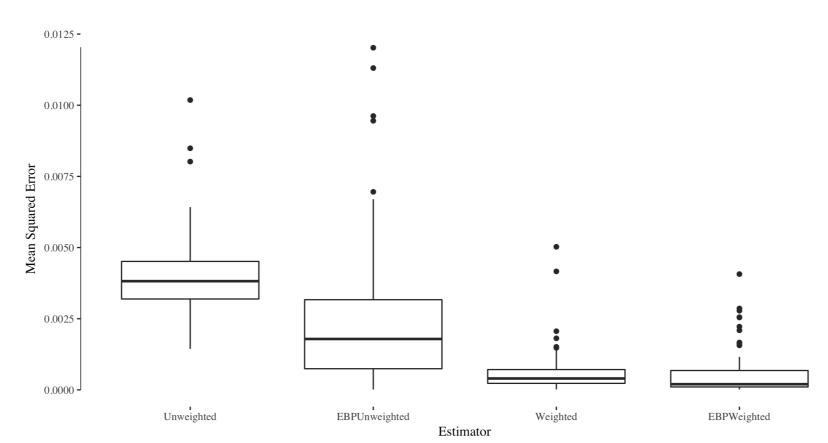


Figure: Boxplot of MSE on Domain Level

### **Genetic Matching Theorie**

# Umsetzung

Ein Algorithmus zur Lösung des Problems:

- 1. Wähle Startwerte für die Parameter.
- 2. Fülle die fehlenden Daten auf.
- 3. Berechne über die aufgefüllten Daten neue Parameterwerte.
- 4. Führe Schritte 2 und 3 bis zur Konvergenz aus.

# **Accuracy of inbuilt MSE estimator**

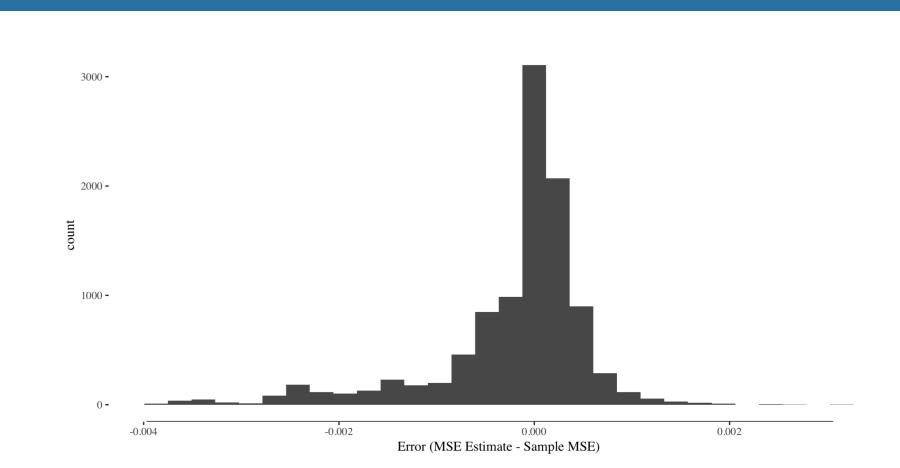


Figure: Histogram of Difference between EBP MSE estimator and the sample MSE across iterations

#### **Observations:**

- ► Bootstrap estimator agrees quite well with sample MSE
- ► Slightly more likely to underestimate sample MSE

# FÜR WEITERE INFORMATIONEN

UniLogo

**Kontakt:** 

Name

Pepito Montoto

Matrikel N. Max Mustermann 1576246

15468285

e-mail

max.mustermann@stud.uni-bamberg.de pepito.montoto@stud.uni-bamberg.de