Hier steht der Titel

Autor 1 und Autor 2 Universität Bamberg

Erklärung Vorgehen

- 1. Das Thema ist besonders relevant, weil ...
- 2. Außerdem ...
- 3. Weiterhin ...

Übersicht Genetic Matching Algorithmus

Genetic Matching Theorie

- ► Genetic Matching ist ein verallgemeinertes Distanzmaß (Gleichgewichtung der Kovariaten entspricht der Mahalanobis Distanz)
- ▶ Das Verfahren verwendet GENOUD (Genetic Optimization Using Derivates)
- ► Basierend auf neun heuristischen Regeln werden neue Generationen an Gewichtungen erzeugt
- durchschnittlich werden die angelegten Kriterien so von Generation zu Generation verbessert
- ► Genetic Matching ist mit anderen Matching Methoden verknüpfbar (z.B. Nearest Neighbour)
- ▶ Über eine Verlustfunktion (paarweise t-Tests, KS-Tests) wird die beste Gewichtung der Kovariaten zur Erstellung der nächsten Generation ausgewählt
- ► In jedem Schritt wird der kleinste p-Wert der standardisierten Tests maximiert

Theorie

Formeln macht man so:

$$\int_a^b f(x)\,dx\approx (b-a)\frac{f(a)+f(b)}{2}$$

Umsetzung

Hier wird das Vorgehen erklärt:

- **...**
- **...**
- **>**

Umsetzung

Ein Algorithmus zur Lösung des Problems:

- 1. Wähle Startwerte für die Parameter.
- 2. Fülle die fehlenden Daten auf.
- 3. Berechne über die aufgefüllten Daten neue Parameterwerte.
- 4. Führe Schritte 2 und 3 bis zur Konvergenz aus.

(Simulations-) Ergebnisse

So schreibt man **fett**.

(Simulations-) Ergebnisse

Kursiv geht auch

Fazit

- Erkennisse
- ► Schlussfolgerungen
- Ausblick.
- Burgard, J.P.; Münnich, R. (2010): Modelling over and undercounts for design-based Monte Carlo studies in small area estimation: An application to the German register-assisted census. Computational Statistics and Data Analysis.
- Gabler, S,; Ganninger, M.; Münnich, R. (2010): Optimal allocation of the sample size to strata under box constraints. Metrika.
- Gelman, A.; (2007): Struggles with Survey Weighting and Regression Modeling. Statistical Science.

 Alfons, A.; Filzmoser, P.; Hulliger, B., Kolb, J.P.; Kraft, S.; Münnich, R. und Templ, M. (2011): The AMELI
- simulation study. Research Project Report WP6 D6.1, FP7-SSH-2007-217322 AMELI.
- Alfons, A.; Filzmoser, P.; Hulliger, B., Kolb, J.-P.; Kraft, S.; Münnich, R., und Templ, M. (2011): Synthetic data generation of SILC Data. Research Project Report WP6 D6.2, FP7-SSH-2007-217322 AMELI.

FÜR WEITERE INFORMATIONEN

UniLogo

Kontakt:

Pepito Montoto

Name Matrikel N. Max Mustermann 1576246

1576246 15468285 e-mail
max.mustermann@stud.uni-bamberg.de
pepito.montoto@stud.uni-bamberg.de