Erklärung Vorgehen

- 1. Das Thema ist besonders relevant, weil ...
- 2. Außerdem ...
- 3. Weiterhin ...

Theorie

Formeln macht man so:

$$\int_a^b f(x) dx \approx (b-a) \frac{f(a)+f(b)}{2}$$

MSE of EBP and Gini Population Value per Domain

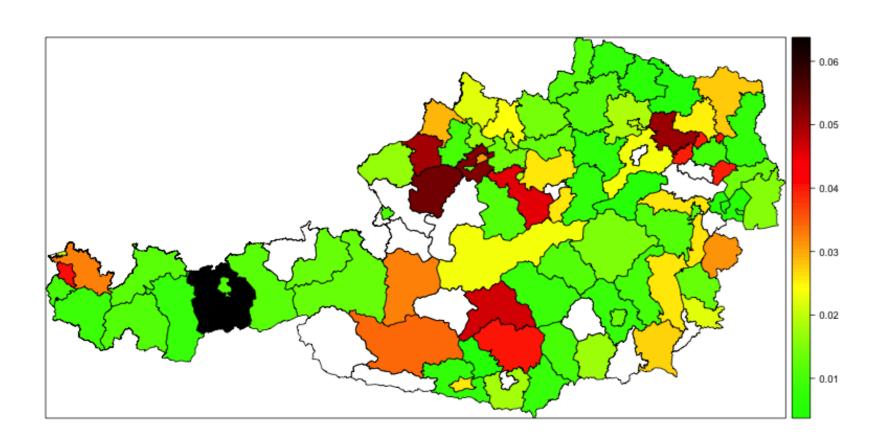


Figure: RMSE of Weighted EBP per Domain

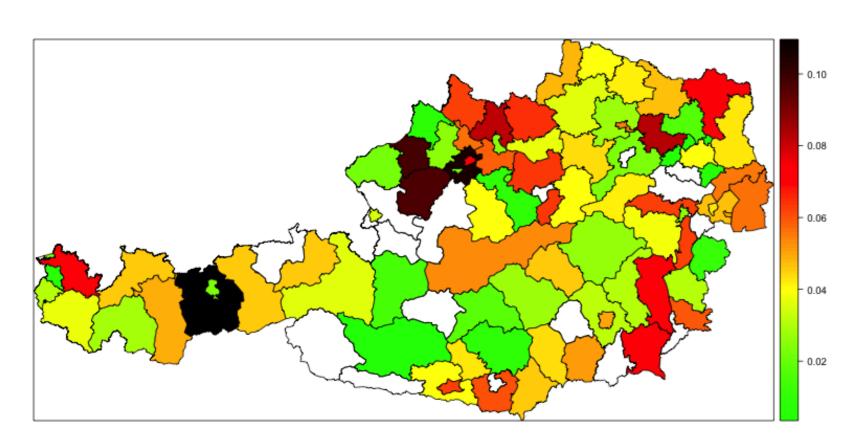


Figure: RMSE of Uneighted EBP per Domain

Übersicht Genetic Matching Algorithmus

Umsetzung

Hier wird das Vorgehen erklärt:

- **•** ...
- **>** ...
- **>** ...

Domain Level MSE and MAE of Estimators

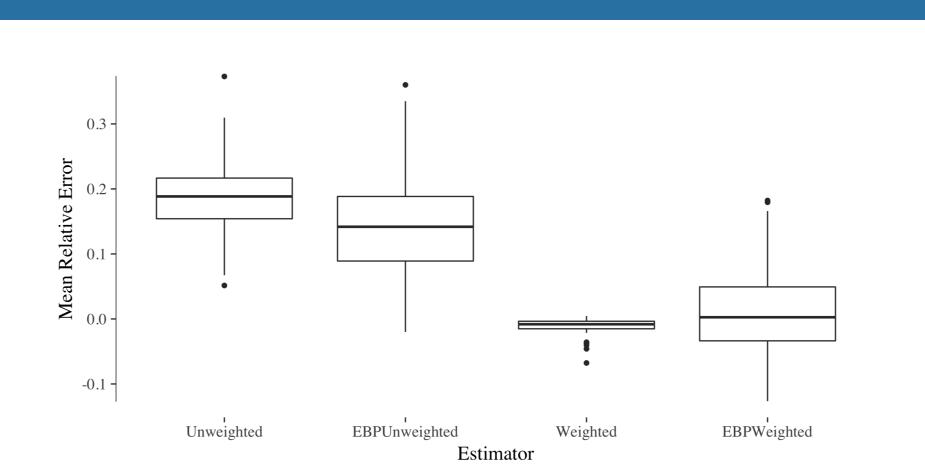


Figure: Boxplot of Mean Relative Error on Domain Level

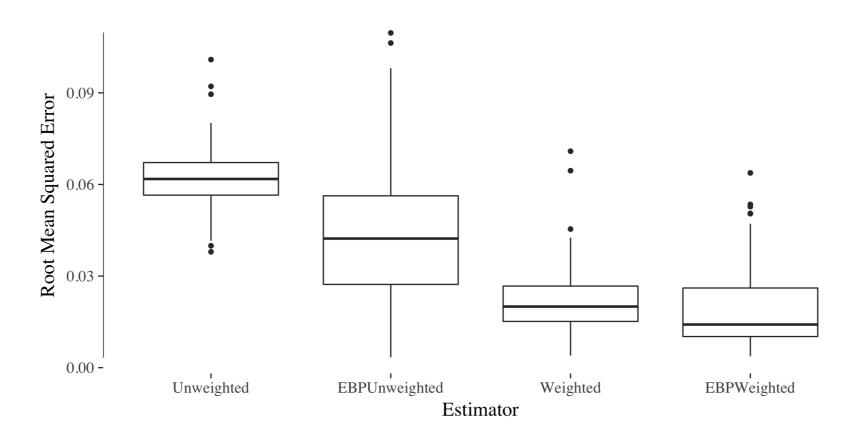


Figure: Boxplot of RMSE on Domain Level

Genetic Matching Theorie

Umsetzung

Ein Algorithmus zur Lösung des Problems:

- 1. Wähle Startwerte für die Parameter.
- 2. Fülle die fehlenden Daten auf.
- 3. Berechne über die aufgefüllten Daten neue Parameterwerte.
- 4. Führe Schritte 2 und 3 bis zur Konvergenz aus.

Accuracy of inbuilt MSE estimator

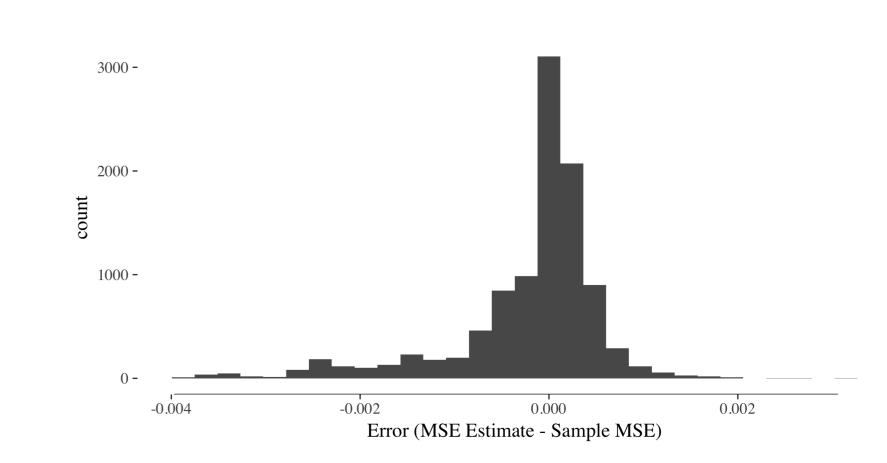


Figure: Histogram of Difference between EBP MSE estimator and the sample MSE across iterations

Observations:

- ► Bootstrap estimator agrees quite well with sample MSE
- ► Slightly more likely to underestimate sample MSE

FÜR WEITERE INFORMATIONEN

UniLogo

Kontakt:

Name Max Mustermann

Pepito Montoto

Matrikel N. 1576246 15468285

e-mail
max.musterr

max.mustermann@stud.uni-bamberg.de pepito.montoto@stud.uni-bamberg.de