

MutaViz

El objetivo de este trabajo práctico es construir una aplicación simple pero innovadora que sirva de asistencia al proceso del análisis bioinformático y/o herramienta educativa para la enseñanza de la Biología.

Requerimiento

El objetivo es desarrollar un software que permita resolver tareas de análisis de proteínas.

Carga de secuencias

El sistema debe permitir ingresar una secuencia en el formato [FASTA](#), para su posterior procesamiento. Si la secuencia ingresada es inválida, el software deberá notificarlo apropiadamente, mostrando a el/la usuario/a un mensaje claro y útil.

Mutación

Esta aplicación debe poder simular mutaciones, sobre la secuencia ingresada, de manera automática.

Mutación automática

Este tipo de mutación permite mutar la secuencia de forma no supervisada, siguiendo el siguiente modo

- Azar: Podrá suceder de forma equiprobable una **modificación** de una base.

Visualización

Finalmente, el sistema deberá permitir visualizar proteínas (preferentemente alineadas o superpuestas), en dos momentos diferentes:

- Tras la carga de la secuencia
- Tras la mutación de la secuencia