Atividade 4

Clevia Bento de Oliveira 05/09/2021

Análise dos dados

Parcela subdividida

Inserção dos dados da tabela.

```
require (dae)
library(rmarkdown)
dados <-c(105, 101.4, 97.2, 89.6,
              94.3, 91.7, 93.5, 81.8,
              101.8, 96.3, 110, 90.5,
              86.3, 90.7, 92.4, 85.8,
              83.4, 60.7, 71.3, 62.6,
              90.7, 58.4, 65.2, 58.9,
              72.6, 54.2, 60.5, 57.4,
              65.7, 56.3, 51.3, 52.6,
              57.3, 50.2, 61.3, 65.2,
              51.6, 53.4, 51.9, 48.7)
n<- length(dados)</pre>
i<- 5
j<- 2
t<-10
bloco<- factor(rep(c("B1", "B2", "B3", "B4"), time=c(t, t, t, t)))
parcelas<- factor(rep(c(1:t), time=b))</pre>
variedade<- factor(rep(c(1:i), each=j, times=b), labels=c("v1","v2","v3","v4","v</pre>
5"))
espacamento<- factor(rep(c(1:j), times= i*b), labels=c("E1","E2"))
trat<- factor(rep(c(1:t), time=b), labels=c("T1","T2","T3","T4","T5","T6","T7","T
8", "T9", "T10"))
DBC<- data.frame(parcelas,bloco,variedade,espacamento,trat,dados);
```

Visualização dos 10 primeiros dados da Tabela

```
paged_table(DBC)
```

parcelas	bloco	variedade	espacamento	trat	dados
<fct></fct>	<fct></fct>	<fct></fct>	<fct></fct>	<fct></fct>	<dbl></dbl>
1	B1	v1	E1	T1	105.0

parcelas <fct></fct>	bloco <fct></fct>	variedade <fct></fct>	espacamento <fct></fct>	trat <fct></fct>	dados <dbl></dbl>
2	B1	v1	E2	T2	101.4
3	B1	v2	E1	Т3	97.2
4	B1	v2	E2	T4	89.6
5	B1	v3	E1	T5	94.3
6	B1	v3	E2	T6	91.7
7	B1	v4	E1	T7	93.5
8	B1	v4	E2	Т8	81.8
9	B1	v5	E1	Т9	101.8
10	B1	v5	E2	T10	96.3
1-10 of 40 rows		Prev	vious 1 2 3	4 Next	

Utizando o pacote ExpDes.pt para o cálculo da ANOVA e análise.

```
require(ExpDes.pt)
psub2.dbc(DBC$variedade,DBC$espacamento,DBC$bloco,DBC$dados, quali = c(TRUE, TRUE),
mcomp = "tukey")
```

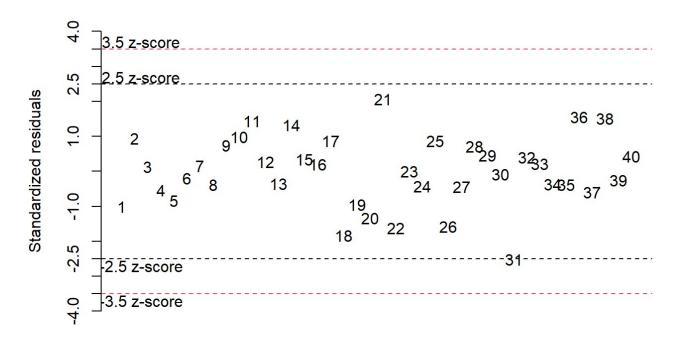
```
## Legenda:
## FATOR 1 (parcela): F1
## FATOR 2 (subparcela): F2
## -----
##
## ------
## $`Quadro da analise de variancia\n
-----\n`
     \operatorname{GL}
           SQ
               QM
                   Fc Pr(>Fc)
## F1
     4 1140.3 285.1 2.997 0.062664 .
## Bloco 3 10258.7 3419.6 35.951 3e-06 ***
## Erro a 12 1141.4
             95.1
## F2 1 615.4 615.4 12.823 0.002731 **
## F1*F2 4 104.2 26.0 0.543 0.707052
## Erro b 15 719.9
              48.0
## Total 39 13980.0
## Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
## CV 1 = 13.13651 %
## CV 2 = 9.331443 %
## Interacao nao significativa: analisando os efeitos simples
## ------
## F1
## De acordo com o teste F, as medias desse fator sao estatisticamente iquais.
## ------
  Niveis Medias
## 1 v1 82.4875
## 2
    v2 74.4250
## 3
    v3 77.1875
## 4
    v4 67.7875
## 5
    v5 69.3250
## F2
## Teste de Tukey
## ------
## Grupos Tratamentos Medias
## a E1 78.165
## b
    E2
         70.32
```

```
require(easyanova)
```

```
## Carregando pacotes exigidos: easyanova
```

```
DBC2<- data.frame(DBC$variedade,DBC$bloco,DBC$espacamento,DBC$dados)
anova<- ea2(DBC2,design = 5)</pre>
```

Standardized residuals vs Sequence data



Sequence data

De acordo com os resultados obtidos observa-se que pelo teste F as médias do fator 1 são estatisticamente iguais. Pela análise dos efeitos simples a interação é não significativa.

Na comparação de médias das variedades, vemos que a variedade 1 é a mais produtiva

```
$`Adjusted means (plot)`
 plot adjusted.mean standard.error tukey snk duncan
               82.4875
                                3.4482
#1
     v1
#2
     vЗ
               77.1875
                                3.4482
                                                       ab ab
#3
     v2
               74.4250
                                3.4482
                                                        ab ab
                                                 а
               69.3250
#4
     v5
                                3.4482
                                                            b
                                                         b
                                            а
                                                 а
     v4
               67.7875
                                3.4482
```

Na comparação de médias para espaçamentos temos que o espaçamento 1 é o mais vantajoso

```
# $`Adjusted means (split.plot)`
# split.plot adjusted.mean standard.error tukey snk duncan t
#1 E1 78.165 1.8915 a a a a
#2 E2 70.320 1.8915 b b b b
```