0.5	1	0.07	-0.25	0.25	0.19	0.22	0.16	0.05	-0.01	-0.32	0.23	0.18	-0.28	-0.01	-0.08	0.26	0.1	0.25	0.12	0.23 -	· SO4
0.26	0.07	1	0.62	0.41	0.48	0.4	0.52	-0.27	-0.1	-0.48	0.65	-0.09	-0.65	-0.41	0.08	0.37	0.27	-0.15	0.16	-0.28-	· CH4_ug_m2_h
-0.24	-0.25	0.62	1	0.32	0.38	0.36	0.37	0.21	-0.39	0.13	0.03	-0.48	-0.25	-0.48	0.15	0.39	0.38	-0.04	0.36	-0.03	· CO2_mg_m2_h
-0.12	0.25	0.41	0.32	1	0.88	0.89	0.72	0.38	-0.4	0.18	80.0	-0.52	-0.56	-0.64	0.12	0.66	0.81	0.11	0.45	0.14 -	· CH4_mix
-0.17	0.19	0.48	0.38	0.88	1	0.91	0.81	0.34	-0.5	0.11	0.14	-0.57	-0.65	-0.74	0.12	0.73	0.88	0.19	0.47	0.07 -	· CH4_me
-0.23	0.22	0.4	0.36	0.89	0.91	1	0.87	0.39	-0.54	0.17	0.06	-0.61	-0.59	-0.75	0.06	0.64	0.91	0.23	0.5	0.12 -	CH4_H2
-0.26	0.16	0.52	0.37	0.72	0.81	0.87	1	0.14	-0.45	-0.05	0.21	-0.49	-0.71	-0.76	0.01	0.54	0.77	0.2	0.27	-0.15-	· CH4_ac
-0.46	0.05	-0.27	0.21	0.38	0.34	0.39	0.14	1	-0.63	0.68	-0.7	-0.7	0.03	-0.39	0.14	0.47	0.56	0.33	0.64	0.6	· MOB_I
0.34	-0.01	-0.1	-0.39	-0.4	-0.5	-0.54	-0.45	-0.63	1	-0.22	0.29	0.83	0.37	0.77	-0.09	-0.61	-0.64	-0.26	-0.6	-0.32-	MOB_II
-0.67	-0.32	-0.48	0.13	0.18	0.11	0.17	-0.05	0.68	-0.22	1	-0.79	-0.5	0.42	-0.09	0.19	0.15	0.33	0.29	0.3	0.33 -	· MOB_IIa
0.65	0.23	0.65	0.03	0.08	0.14	0.06	0.21	-0.7	0.29	-0.79	1	0.46	-0.5	0	-0.12	-0	-0.09	-0.27	-0.2	-0.4 -	ANME
0.63	0.18	-0.09	-0.48	-0.52	-0.57	-0.61	-0.49	-0.7	0.83	-0.5	0.46	1	0.29	0.81	-0.23	-0.66	-0.68	-0.36	-0.57	-0.18-	AOA
-0.16	-0.28	-0.65	-0.25	-0.56	-0.65	-0.59	-0.71	0.03	0.37	0.42	-0.5	0.29	1	0.68	-0	-0.53	-0.52	-0.16	-0.29	0.15 -	AOB
0.36	-0.01	-0.41	-0.48	-0.64	-0.74	-0.75	-0.76	-0.39	0.77	-0.09	0	0.81	0.68	1	0.03	-0.72	-0.72	-0.28	-0.49	0 -	NOB
-0.17	-0.08	0.08	0.15	0.12	0.12	0.06	0.01	0.14	-0.09	0.19	-0.12	-0.23	-0	0.03	1	0.18	0.11	0.1	0.08	-0 -	- Anamx
-0.21	0.26	0.37	0.39	0.66	0.73	0.64	0.54	0.47	-0.61	0.15	-0	-0.66	-0.53	-0.72	0.18	1	0.72	0.48	0.62	0.06 -	SOxB
-0.37	0.1	0.27	0.38	0.81	0.88	0.91	0.77	0.56	-0.64	0.33	-0.09	-0.68	-0.52	-0.72	0.11	0.72	1	0.32	0.6	0.21 -	SRB_syn
-0.3	0.25	-0.15	-0.04	0.11	0.19	0.23	0.2	0.33	-0.26	0.29	-0.27	-0.36	-0.16	-0.28	0.1	0.48	0.32	1	0.42	-0.03	SRB
-0.07	0.12	0.16	0.36	0.45	0.47	0.5	0.27	0.64	-0.6	0.3	-0.2	-0.57	-0.29	-0.49	0.08	0.62	0.6	0.42	1	0.46	FeOB
0.08	0.23	-0.28	-0.03	0.14	0.07	0.12	-0.15	0.6	-0.32	0.33	-0.4	-0.18	0.15	0	-0	0.06	0.21	-0.03	0.46	1 -	FeRB
Salinity -	SO4 -	CH4_ug_m2_h -	CO2_mg_m2_h -	CH4_mix -	CH4_me -	CH4_H2 -	CH4_ac -	MOB_I -	MOB_II -	MOB_IIa -	ANME -	AOA -	AOB -	NOB -	Anamx -	SOxB -	SRB_syn -	SRB -	FeOB -	FeRB -	
		U	Ö																		

0.5 0.26 -0.24-0.12-0.17-0.23-0.26-0.46 0.34 -0.67 0.65 0.63 -0.16 0.36 -0.17-0.21-0.37 -0.3 -0.07 0.08 - Salinity