1	0.51	0.21	-0.26	-0.26	0.11	-0.45	-0.56	-0.21	-0.18	0.61	-0.14	0.4	-0.3	-0.2	- Salinity
0.51	1	0.09	-0.24	0.16	0.09	0.06	-0.01	-0.11	-0.13	0.06	-0.02	-0.12	-0.13	0.15	- SO4
0.21	0.09	1	0.62	0.56	0.73	-0.2	-0.44	0.13	-0.34	0	-0.53	-0.29	0.03	0.59	- CH4_ug_m2_h
-0.26	-0.24	0.62	1	0.47	0.44	0.23	-0.07	0.23	-0.11	-0.36	-0.27	-0.42	0.29	0.5	- CO2_mg_m2_h
-0.26	0.16	0.56	0.47	1	0.71	0.37	0.18	0.15	-0.33	-0.62	-0.47	-0.78	0.39	0.94	- mcr.H2
0.11	0.09	0.73	0.44	0.71	1	-0.07	-0.19	0.02	-0.41	-0.21	-0.58	-0.48	0.26	0.74	- mcr.Ac
-0.45	0.06	-0.2	0.23	0.37	-0.07	1	0.69	0.13	0.01	-0.69	0.11	-0.49	0.43	0.41	- MOB.I
-0.56	-0.01	-0.44	-0.07	0.18	-0.19	0.69	1	0.16	0.19	-0.57	0.22	-0.29	0.39	0.16	- MOB.IIa
-0.21	-0.11	0.13	0.23	0.15	0.02	0.13	0.16	1	0.2	-0.28	0.11	-0.15	0.07	0.13	- MOB.IIb
-0.18	-0.13	-0.34	-0.11	-0.33	-0.41	0.01	0.19	0.2	1	0.05	0.47	0.29	-0	-0.34	- MOB.III
0.61	0.06	0	-0.36	-0.62	-0.21	-0.69	-0.57	-0.28	0.05	1	0.14	8.0	-0.34	-0.59	- amoA.AOA
-0.14	-0.02	-0.53	-0.27	-0.47	-0.58	0.11	0.22	0.11	0.47	0.14	1	0.37	-0.18	-0.49	- amoA.AOB
0.4	-0.12	-0.29	-0.42	-0.78	-0.48	-0.49	-0.29	-0.15	0.29	0.8	0.37	1	-0.27	-0.74	- NOB.nxr
-0.3	-0.13	0.03	0.29	0.39	0.26	0.43	0.39	0.07	-0	-0.34	-0.18	-0.27	1	0.54	- DsrAB.red
-0.2	0.15	0.59	0.5	0.94	0.74	0.41	0.16	0.13	-0.34	-0.59	-0.49	-0.74	0.54	1	- HydA
Salinity -	SO4 -	CH4_ug_m2_h -	CO2_mg_m2_h -	mcr.H2 -	mcr.Ac -	MOB.I -	MOB.IIa -	MOB.IIb -	MOB.III -	amoA.AOA -	amoA.AOB -	NOB.nxr -	DsrAB.red -	HydA -	