	0.9	'	-0.41	-0.41	-0.01	-0.40	-0.03	-0.01	-0.32	-0.12	-0.75	-0.55	-0.23	-0.55	-0.52	0.29	0.52	-0.29	0.70	-0.19	-0.01	- 504
	-0.37	-0.41	1	0.58	0.55	0.52	0.52	0.58	0.12	-0.02	0.29	0.64	0.02	-0.27	0.06	-0.2	0.01	0.31	-0.44	0.23	0.26	- CH4_ug_m2_h
	-0.38	-0.41	0.58	1	0.4	0.32	0.39	0.37	0.27	-0.02	0.46	0.15	-0.06	0.06	0.15	-0.2	0.11	0.18	-0.39	0.52	0.26	- CO2_mg_m2_h
	-0.7	-0.61	0.55	0.4	1	0.77	0.91	0.83	0.51	-0.04	0.74	0.44	-0.07	-0.02	0.2	-0.26	-0.05	0.66	-0.55	0.39	0.6	- CH4_mix
	-0.62	-0.48	0.52	0.32	0.77	1	0.77	0.72	0.47	-0.23	0.53	0.37	-0.21	-0.12	0.08	-0.08	0.01	0.69	-0.31	0.39	0.57	- CH4_me
	-0.73	-0.63	0.52	0.39	0.91	0.77	1	0.89	0.5	-0.14	0.72	0.47	-0.09	0.02	0.18	-0.23	-0.07	0.68	-0.53	0.39	0.61	- CH4_H2
ŀ	-0.72	-0.61	0.58	0.37	0.83	0.72	0.89	1	0.4	-0.13	0.59	0.55	-0.1	-0.09	0.1	-0.25	-0.09	0.63	-0.51	0.27	0.49	- CH4_ac
	-0.48	-0.32	0.12	0.27	0.51	0.47	0.5	0.4	1	-0.47	0.61	-0.13	-0.25	0.24	0.22	0.17	0.03	0.62	-0.14	0.36	0.7	- MOB_I
	0.04	-0.12	-0.02	-0.02	-0.04	-0.23	-0.14	-0.13	-0.47	1	0.08	0.2	0.62	0.19	0.41	-0.26	-0.38	-0.45	-0.3	-0.1	-0.21	- MOB_II
	-0.81	-0.75	0.29	0.46	0.74	0.53	0.72	0.59	0.61	0.08	1	0.11	0.06	0.36	0.48	-0.2	-0.27	0.46	-0.57	0.37	0.68	- MOB_IIa
ŀ	-0.23	-0.35	0.64	0.15	0.44	0.37	0.47	0.55	-0.13	0.2	0.11	1	0.33	-0.23	0.16	-0.25	-0.18	0.2	-0.48	0.04	0.17	- ANME
ŀ	-0.03	-0.23	0.02	-0.06	-0.07	-0.21	-0.09	-0.1	-0.25	0.62	0.06	0.33	1	0.41	0.76	-0.04	-0.58	-0.35	-0.47	-0.1	0.17	- AOA
	-0.29	-0.35	-0.27	0.06	-0.02	-0.12	0.02	-0.09	0.24	0.19	0.36	-0.23	0.41	1	0.67	0.16	-0.49	-0.08	-0.31	0.02	0.4	- AOB
	-0.4	-0.52	0.06	0.15	0.2	0.08	0.18	0.1	0.22	0.41	0.48	0.16	0.76	0.67	1	-0.01	-0.62	-0.13	-0.56	0.16	0.54	- NOB
	0.28	0.29	-0.2	-0.2	-0.26	-0.08	-0.23	-0.25	0.17	-0.26	-0.2	-0.25	-0.04	0.16	-0.01	1	-0.06	0.19	0.36	-0.22	0.02	- Anamx
	0.37	0.52	0.01	0.11	-0.05	0.01	-0.07	-0.09	0.03	-0.38	-0.27	-0.18	-0.58	-0.49	-0.62	-0.06	1	0.09	0.54	0.31	-0.34-	- SOxB
	-0.44	-0.29	0.31	0.18	0.66	0.69	0.68	0.63	0.62	-0.45	0.46	0.2	-0.35	-0.08	-0.13	0.19	0.09	1	-0.08	0.17	0.48	- SRB_syn
	0.64	0.78	-0.44	-0.39	-0.55	-0.31	-0.53	-0.51	-0.14	-0.3	-0.57	-0.48	-0.47	-0.31	-0.56	0.36	0.54	-0.08	1	-0.16	-0.52	- SRB
ŀ	-0.23	-0.19	0.23	0.52	0.39	0.39	0.39	0.27	0.36	-0.1	0.37	0.04	-0.1	0.02	0.16	-0.22	0.31	0.17	-0.16	1	0.34	- FeOB
	-0.65	-0.61	0.26	0.26	0.6	0.57	0.61	0.49	0.7	-0.21	0.68	0.17	0.17	0.4	0.54	0.02	-0.34	0.48	-0.52	0.34	1	- FeRB
	ity -	S04 -	ر <u>-</u>	ر ا	- Xin	ne -	H2 -	- ac		=	<u>=</u>	√E -	AOA -	AOB -	NOB -	- XM	XB	yn -	SRB -	OB.	- 82	
	Salinity	Ö	ug_m2_h	mg_m2_h	CH4_mix	CH4_me	CH4_H2	CH4_ac	MOB_I	MOB_II	MOB_IIa	ANME	Ă	Ă	ž	Anamx	SOxB	SRB_syn	S	FeOB	FeRB	
			gu_	mg.	$\dot{\circ}$	$\overline{\circ}$	O	O		_	Σ					-		SF				

1 0.9 -0.37-0.38 -0.7 -0.62-0.73-0.72-0.48 0.04 -0.81-0.23-0.03-0.29 -0.4 0.28 0.37 -0.44 0.64 -0.23-0.65 Salinity