1 0.9 -0.37-0.38	-0.7 -0.62	-0.73-0.72	-0.48 0.0	4 -0.81	-0.23	-0.03	-0.29	-0.4	0.28	0.37	-0.44	0.64	-0.23	-0.65	- Salinity
0.9 1 -0.41-0.41	-0.61-0.48	-0.63-0.61	-0.32-0.1	<mark>2</mark> -0.75	-0.35	-0.23	-0.35	-0.52	0.29	0.52	-0.29	0.78	-0.19	-0.61	- SO4
-0.37-0.41 1 0.58	0.55 0.52	0.52 0.58	<mark>0.12</mark> -0.0	2 0.29	0.64	0.02	-0.27	0.06	-0.2	0.01	0.31	-0.44	0.23	0.26	- CH4_ug_m2_h
-0.38-0.41 0.58 1	0.4 0.32	0.39 0.37	0.27 -0.0	2 0.46	0.15	-0.06	0.06	0.15	-0.2	0.11	0.18	-0.39	0.52	0.26	- CO2_mg_m2_h
-0.7 -0.61 0.55 0.4	1 0.77	0.91 0.83	0.51 -0.0	4 0.74	0.44	-0.07	-0.02	0.2	-0.26	-0.05	0.66	-0.55	0.39	0.6	- CH4_mix
-0.62-0.48 0.52 0.32	0.77 1	0.77 0.72	0.47 -0.2	3 0.53	0.37	-0.21	-0.12	0.08	-0.08	0.01	0.69	-0.31	0.39	0.57	- CH4_me
-0.73-0.63 0.52 0.39	0.91 0.77	1 0.89	0.5 -0.1	4 0.72	0.47	-0.09	0.02	0.18	-0.23	-0.07	0.68	-0.53	0.39	0.61	- CH4_H2
-0.72-0.61 0.58 0.37	0.83 0.72	0.89 1	0.4 -0.1	3 0.59	0.55	-0.1	-0.09	0.1	-0.25	-0.09	0.63	-0.51	0.27	0.49	- CH4_ac
-0.48-0.32 0.12 0.27	0.51 0.47	0.5 0.4	1 -0.4	7 0.61	-0.13	-0.25	0.24	0.22	0.17	0.03	0.62	-0.14	0.36	0.7	- MOB_I
0.04 -0.12-0.02-0.02	-0.04-0.23	-0.14-0.13	-0.47 1	0.08	0.2	0.62	0.19	0.41	-0.26	-0.38	-0.45	-0.3	-0.1	-0.21-	- MOB_II
-0.81-0.75 <mark>0.29</mark> 0.46	0.74 0.53	0.72 0.59	0.61 0.0	8 1	0.11	0.06	0.36	0.48	-0.2	-0.27	0.46	-0.57	0.37	0.68	- MOB_IIa
-0.23-0.35 0.64 0.15	0.44 0.37	0.47 0.55	-0.13 <mark>0.2</mark>	0.11	1	0.33	-0.23	0.16	-0.25	-0.18	0.2	-0.48	0.04	0.17	- ANME
-0.03-0.23 0.02 -0.06	-0.07-0.21	-0.09 -0.1	-0.25 0.6	2 0.06	0.33	1	0.41	0.76	-0.04	-0.58	-0.35	-0.47	-0.1	0.17	- AOA
-0.29-0.35-0.27 0.06	-0.02-0.12	0.02 -0.09	0.24 0.1	9 0.36	-0.23	0.41	1	0.67	0.16	-0.49	-0.08	-0.31	0.02	0.4	- AOB
-0.4 -0.52 0.06 0.15	0.2 0.08	0.18 0.1	0.22 0.4	1 0.48	0.16	0.76	0.67	1	-0.01	-0.62	-0.13	-0.56	0.16	0.54	- NOB
0.28 0.29 -0.2 -0.2	-0.26-0.08	-0.23-0.25	0.17 -0.2	6 -0.2	-0.25	-0.04	0.16	-0.01	1	-0.06	0.19	0.36	-0.22	0.02	- Anamx
0.37 0.52 0.01 0.11	-0.05 0.01	-0.07-0.09	0.03 -0.3	8-0.27	-0.18	-0.58	-0.49	-0.62	-0.06	1	0.09	0.54	0.31	-0.34-	- SOxB
-0.44-0.29 <mark>0.31</mark> 0.18	0.66 0.69	0.68 0.63	0.62 -0.4	<b>5</b> 0.46	0.2	-0.35	-0.08	-0.13	0.19	0.09	1	-0.08	0.17	0.48	- SRB_syn
0.64 0.78 -0.44 -0.39	-0.55 <mark>-0.31</mark>	-0.53-0.51	-0.14 -0.3	3 -0.57	-0.48	-0.47	-0.31	-0.56	0.36	0.54	-0.08	1	-0.16	-0.52	- SRB
-0.23-0.19 0.23 0.52	0.39 0.39	0.39 0.27	0.36 -0.	1 0.37	0.04	-0.1	0.02	0.16	-0.22	0.31	0.17	-0.16	1	0.34	- FeOB
-0.65-0.61 0.26 0.26	0.6 0.57	0.61 0.49	0.7 -0.2	1 0.68	0.17	0.17	0.4	0.54	0.02	-0.34	0.48	-0.52	0.34	1	- FeRB
Salinity - SO4 - CH4_ug_m2_h - CO2_mg_m2_h -	CH4_mix - CH4_me -	CH4_H2 -	MOB_I -	MOB_IIa -	- ANME	AOA -	AOB -	NOB -	- Anamx	SOxB -	SRB_syn -	SRB -	FeOB -	FeRB -	