0.89	1	-0.34	-0.35	-0.43	-0.49	-0.35	-0.44	-0.17	-0.28	-0.27	0.02	-0.44	0.57	0.06	- SO4
-0.32	-0.34	1	0.57	0.58	0.61	0.13	0.03	0.17	-0.13	0.05	-0.35	-0.01	-0.25	0.46	- CH4_ug_m2_h
-0.33	-0.35	0.57	1	0.4	0.3	0.26	0.3	0.25	-0.04	-0.01	-0.17	0.06	-0.15	0.27	- CO2_mg_m2_h
-0.59	-0.43	0.58	0.4	1	0.81	0.43	0.36	0.19	-0.09	-0.26	-0.44	-0.27	-0.16	0.66	- mcr.H2
-0.5	-0.49	0.61	0.3	0.81	1	0.17	0.17	0.11	-0.11	-0.01	-0.48	-0.15	-0.25	0.45	- mcr.Ac
-0.54	-0.35	0.13	0.26	0.43	0.17	1	0.65	0.13	0.07	-0.26	0.12	-0.02	-0.04	0.39	- MOB.I
-0.61	-0.44	0.03	0.3	0.36	0.17	0.65	1	0.2	0.19	-0.11	0.14	0.13	-0.21	0.14	- MOB.IIa
-0.21	-0.17	0.17	0.25	0.19	0.11	0.13	0.2	1	0.18	-0.13	0.04	-0.05	-0.09	0.07	- MOB.IIb
-0.28	-0.28	-0.13	-0.04	-0.09	-0.11	0.07	0.19	0.18	1	0.18	0.31	0.3	-0.23	-0.3	- MOB.III
-0.03	-0.27	0.05	-0.01	-0.26	-0.01	-0.26	-0.11	-0.13	0.18	1	0.26	0.72	-0.41	-0.53	- amoA.AOA
-0	0.02	-0.35	-0.17	-0.44	-0.48	0.12	0.14	0.04	0.31	0.26	1	0.33	-0.1	-0.32	- amoA.AOB
-0.26	-0.44	-0.01	0.06	-0.27	-0.15	-0.02	0.13	-0.05	0.3	0.72	0.33	1	-0.5	-0.54	- NOB.nxr
0.52	0.57	-0.25	-0.15	-0.16	-0.25	-0.04	-0.21	-0.09	-0.23	-0.41	-0.1	-0.5	1	0.41	- DsrAB.red
-0.11	0.06	0.46	0.27	0.66	0.45	0.39	0.14	0.07	-0.3	-0.53	-0.32	-0.54	0.41	1	- HydA
Salinity -	S04 -	_ug_m2_h -	mg_m2_h -	mcr.H2 -	mcr.Ac -	MOB.I -	MOB.IIa -	MOB.IIb -	MOB.III -	moA.AOA -	moA.AOB -	NOB.nxr -	OsrAB.red -	HydA -	

CH4_ug_m2_h -

CO2_mg_m2_h -

amoA.AOB -

amoA.AOA -

DsrAB.red -

0.89 -0.32 -0.33 -0.59 -0.5 -0.54 -0.61 -0.21 -0.28 -0.03 -0 -0.26 <mark>0.52 -</mark>0.11 - Salinity