# Soluzioni Esercitazione II ASD 2023-24

Lorenzo Cazzaro Riccardo Maso Alessandra Raffaetà

Esercizio 1. Sia t un BST di dimensione n e sia k una chiave di t tale che  $t \rightarrow root \rightarrow key < k$ . Si vuole costruire un nuovo BST t' contenente tutte e sole le chiavi di t appartenenti all'intervallo  $[t \rightarrow root \rightarrow key, k]$ .

- 1. Si scriva una funzione **EFFICENTE** per risolvere il problema.
- 2. Valutare e giustificare la complessità della funzione.

Il prototipo della funzione è:

```
PTree creaBSTInterval(PTree t, int k)
```

Il tipo PTree è così definito:

```
struct Node {
    int key;
    Node* p;
    Node* left;
    Node* right;
};

typedef Node* PNode;

struct Tree {
    PNode root;
};

typedef Tree* PTree;
```

Analizzare e motivare in modo chiaro, preciso ed approfondito la complessità della funzione.

```
/*Funzione ausiliaria per creare un BST contenente le chiavi con valori
    compresi nell'intervallo*/
PNode copyInRange(PNode u, int min, int max, PNode padre) {
    if (!u)
        return nullptr;
    if (u->key > max)
        return copyInRange(u->left, min, max, padre);
```

La complessità temporale asintotica di creaBSTInterval dipende da quella di copyInRange. La relazione di ricorrenza di copyInRange è nel caso peggiore:

$$T(n) = \left\{ \begin{array}{ll} c & n=0 \\ T(k) + T(n-k-1) + d & n>0 \end{array} \right.$$

dove n è il numero dei nodi dell'albero e k è il numero dei nodi del sottoalbero sinistro della radice.

Come abbiamo dimostrato a lezione utilizzando il metodo di sostituzione

$$T(n) = (c+d)n + c$$

La complessità di questa funzione è quindi  $\mathcal{O}(n)$ , dato che non vengono necessariamente visitati tutti i nodi di t.

Questa soluzione può restituire un BST sbilanciato. Per ottenere un BST bilanciato, facendo uso di un vettore di appoggio, si può procedere come segue.

```
/*Funzione ausiliaria per creare un vettore contenente le chiavi dei nodi
    ordinate e con valori compresi nell'intervallo*/
void creaIntervallo(PNode u, int min, int max, vector<int>& ris){
    if (u){
        if (u->key < min)</pre>
            creaIntervallo(u->right, min, max, ris);
            if (u->key > max)
                creaIntervallo(u->left, min, max, ris);
            else {
                creaIntervallo(u->left, min, max, ris);
                ris.push_back(u->key);
                creaIntervallo(u->right, min, max, ris);
            }
    }
}
PNode creaBST(vector<int> arr, int p, int r, PNode padre){
    if (p > r)
        return nullptr;
    PNode root;
   int med;
```

```
med = (p+r)/2;
  root = new Node{arr[med], padre, nullptr, nullptr};
  root->left = creaBST(arr, p, med - 1, root);
  root->right = creaBST(arr, med+1, r, root);
  return root;
}

PTree creaBSTInterval(PTree t, int k){
  vector<int> ris;
  PTree tris;

  creaIntervallo(t->root, t->root-> key, k, ris);

  tris = new Tree();
  tris-> root = creaBST(ris, 0, ris.size()-1, nullptr);
  return tris;
}
```

La complessità temporale asintotica di creaBSTInterval dipende da quella di creaIntervallo e creaBST. La relazione di ricorrenza di creaIntervallo è nel caso peggiore:

$$T(n) = \begin{cases} c & n = 0 \\ T(k) + T(n - k - 1) + d & n > 0 \end{cases}$$

dove n è il numero dei nodi dell'albero e k è il numero dei nodi del sottoalbero sinistro della radice.

Come abbiamo dimostrato a lezione utilizzando il metodo di sostituzione

$$T(n) = (c+d)n + c$$

La complessità di questa funzione è quindi  $\mathcal{O}(n)$ , dato che non vengono necessariamente visitati tutti i nodi di t.

La relazione di ricorrenza di creaBST è:

$$T(m) = \begin{cases} c & m = 0\\ 2T(m/2) + d & m > 0 \end{cases}$$

dove m è il numero di chiavi contenute nel vettore arr.

Questa equazione di ricorrenza può essere risolta con il Master Theorem. Sia a=2, b=2, f(m)=d. Vogliamo dimostrare che ricadiamo nel primo caso del teorema, cioè esiste una costante  $\epsilon>0$  tale che  $f(m)=\mathcal{O}(m^{(\log_b a-\epsilon)})=\mathcal{O}(m^{1-\epsilon})$ . Poniamo  $\epsilon=1$ . Dunque si ottiene che la complessità della funzione è  $\Theta(m)$ .

La complessità di creaBSTInterval è la somma delle complessità di creaIntervallo e creaBST, quindi la complessità di creaBSTInterval è  $\mathcal{O}(n) + \mathcal{O}(n) = \mathcal{O}(n)$  perché la dimensione di ris è m < n.

Esercizio 2. Sia dato un albero binario di ricerca t con n nodi e chiavi naturali. Si scriva una funzione EFFICENTE che modifichi t in modo che contenga tutte e sole le chiavi pari di t. La soluzione deve essere in loco.

Il prototipo della funzione è:

## void BSTpari(PTree t)

Dove il tipo PTree è definito nel seguente modo:

```
struct Node {
    int key;
    Node* p;
    Node* left;
    Node* right;
};

typedef Node* PNode;

struct Tree {
    PNode root;
};
```

Analizzare e motivare in modo chiaro, preciso ed approfondito la complessità della funzione.

```
/*Funzione ausiliaria che restitusce l'albero radicato in u contenente solo i
    nodi pari*/
PNode BSTpariaux(PNode u, PNode& min, PNode& max){
 PNode minsx, maxsx, mindx, maxdx;
  if (u == nullptr){
   min = nullptr;
   max = nullptr;
   return nullptr;
  /*Filtra prima i sottoalberi sinistro e destro di u e salva tramite reference
     i nodi contenenti la chiave minima e massima.*/
 u->left = BSTpariaux(u->left, minsx, maxsx);
 u->right = BSTpariaux(u->right, mindx, maxdx);
 /*La radice u dell'albero contiene una chiave pari: aggiorna solo i puntatori
     ai nodi contenenti la chiave minima e massima dei sottoalberi*/
 if (u->key % 2 == 0){
   if (minsx != nullptr)
     min = minsx;
    else
     min = u;
    if (maxdx != nullptr)
     max = maxdx;
    else
     max = u;
```

```
return u;
 /*Se u contiene una chiave dispari, bisogna rimuovere u*/
 /*Se il massimo del sottoalbero sinistro esiste, rimpiazza u con il massimo
   del sottoalbero sinistro*/
 if (maxsx!= nullptr){
   if (maxsx->p != u){
     maxsx->p->right = maxsx->left;
     if (maxsx->left != nullptr)
         maxsx->left->p = maxsx->p;
     maxsx->left = u->left;
     u->left->p = maxsx;
   }
   maxsx->p = u->p;
   maxsx->right = u->right;
   if (u->right != nullptr)
     u->right->p = maxsx;
   min = minsx;
   if (maxdx != nullptr)
     max = maxdx;
    else
     max = maxsx;
    delete u;
   return maxsx;
 /*Se il minimo del sottoalbero destro esiste, rimpiazza u con il minimo del
    sottoalbero destro*/
  if (mindx!= nullptr){
   if (mindx->p != u){
     mindx->p->left = mindx->right;
     if (mindx->right != nullptr)
         mindx->right->p = mindx->p;
     mindx->right = u->right;
     u->right->p = mindx;
   mindx->p = u->p;
   mindx->left = u->left;
   max = maxdx;
   min = mindx;
   delete u;
   return mindx;
 min = nullptr;
 max = nullptr;
 delete u;
 return nullptr;
void BSTpari(PTree t){
 PNode min, max;
 t -> root = BSTpariaux(t->root, min, max);
```

La funzione ausiliaria BSTpariaux restituisce non solo la radice dell'albero t' ma anche i nodi minimo e massimo dell'albero t'. Supponiamo che l'albero t abbia una radice u contenente una chiave dispari. Tale nodo deve essere rimosso. Al suo posto metteremo il massimo del sottoalbero di sinistra, maxsx, che è calcolato dalla chiamata ricorsiva BSTpariaux(u->left, minsx, maxsx), se esiste, altrimenti il minimo del sottoalbero di destra, mindx, che è calcolato dalla chiamata ricorsiva BSTpariaux(u->right, mindx, maxdx). Infatti sia maxsx che mindx, possono rimpiazzare u perché soddisfano la proprietà degli alberi di ricerca.

La funzione BSTpari invoca la funzione BSTpariaux, dunque per calcolare la complessità della prima funzione si dovrà trovare la complessità della funzione ausiliaria. La relazione di ricorrenza di BSTpariaux è:

$$T(n) = \begin{cases} c & n = 0 \\ T(k) + T(n-k-1) + d & n > 0 \end{cases}$$

dove n è il numero dei nodi dell'albero e k è il numero dei nodi del sottoalbero sinistro della radice.

Come abbiamo dimostrato a lezione utilizzando il metodo di sostituzione

$$T(n) = (c+d)n + c$$

La complessità di questa funzione è quindi  $\Theta(n)$ .

**Esercizio 3**. Dato un **vettore v di n numeri naturali**, scrivere una procedura **EFFICENTE** che **ordini v** in modo tale che nel vettore risultante, dati **i** e **j** con  $0 \le i \le j \le n-1$ , vale  $mod(v[i],3) \le mod(v[j],3)$ , dove  $mod(\mathbf{x},3)$  è il **resto** della divisione di **x** per **3**. Dire se la soluzione proposta è in loco e se è stabile. Valutare e giustificare la complessità della procedura proposta. Il prototipo della funzione è:

```
void ordinaMod3(vector<int>& v)
```

Analizzare e motivare in modo chiaro, preciso ed approfondito la complessità della funzione.

```
void ordinaMod3(vector<int>& v){
    /* L'algoritmo va ad ordinare gli elementi dell'array tenendo conto del
    loro valore modulo 3.*/
    size_t eq0, eq1, eq2;
    eq2 = v.size();
    eq0 = 0;
    eq1 = 0;
    while (eq1 < eq2){
        if (v[eq1]%3 == 0){
            swap(v[eq0], v[eq1]);
            eq0++;
            eq1++;
        }
}</pre>
```

```
else
    if (v[eq1]% 3 == 1)
        eq1++;
    else {
        eq2--;
        swap(v[eq1], v[eq2]);
    }
}
```

L'idea è di tenere tre indici per memorizzare dove iniziano gli elementi con resto 0, resto 1 e resto 2. Per il calcolo della complessità temporale asintotica, andremo a considerare la complessità dell'unico ciclo while presente. Tale ciclo ha complessità  $\Theta(n)$  in quanto ogni elemento dell'array verrà controllato una ed una sola volta. Da ciò possiamo dire che la complessità di ordinaMod3 è  $\Theta(n)$ 

L'algoritmo è in loco in quanto lo spazio utilizzato è costante quindi  $\mathcal{O}(1)$ . L'algoritmo non è stabile in quanto non mantiene l'ordinamento iniziale degli elementi il cui resto è uguale, ciò avviene per esempio con gli elementi con resto 2, in quanto il primo elemento il cui resto è 2 sarà l'ultimo elemento dell'array ordinato, mentre il secondo elemento con resto 2, sarà il penultimo elemento dell'array e così via.

Esercizio 4. Sia H1 un vettore di lunghezza 2n contenente un max-heap di interi, di dimensione n. Sia H2 un vettore di lunghezza n contenente un max-heap di interi di lunghezza n. Si consideri il problema di trasformare il vettore H1 in un vettore ordinato contenente tutti gli elementi degli heap H1 ed H2, senza allocare altri vettori ausiliari.

Fornire una procedura **EFFICENTE** per risolvere il problema proposto utilizzando, tra le procedure viste a lezione, **SOLAMENTE** max-heapify. Il prototipo della funzione è:

```
void ordinaMaxHeap(PMaxHeap h1, PMaxHeap h2)
```

Dove il tipo PMaxHeap è definito nel seguente modo:

```
struct MaxHeap {
          vector<int> elements;
          int heapsize;
          int dim;
};

typedef MaxHeap *PMaxHeap;
```

Analizzare e motivare in modo chiaro, preciso ed approfondito la complessità della funzione.

```
/*struttura per definire il max-heap*/
struct MaxHeap{
 vector<int> elements;
 int heapsize;
 int dim;
};
typedef MaxHeap *PMaxHeap;
/*funzione che restituisce l'indice del padre del nodo i */
int parent(int i){
 if (i == 0)
   return -1;
 return (i-1)/2;
/*funzione che restituisce l'indice del figlio sinistro del nodo i*/
int left(int i){
 return i*2 + 1;
}
/*funzione che restituisce l'indice del figlio destro del nodo i*/
int right(int i){
 return i*2 + 2;
/*max-heapify*/
void maxHeapify(PMaxHeap h, int i){
 int massimo, r, 1;
 int temp;
 1 = left(i);
 r = right(i);
 if (1 < h->heapsize && h->elements[1] > h->elements[i])
   massimo = 1;
 else
   massimo = i;
 if (r < h->heapsize && h->elements[r] > h->elements[massimo])
   massimo = r;
 if (i != massimo){
   temp = h->elements[i];
   h->elements[i] = h->elements[massimo];
   h->elements[massimo] = temp;
    maxHeapify(h, massimo);
}
```

```
/*funzione per ordinare il vettore usando solo la max-heapify*/
void ordinaMaxHeap(PMaxHeap h1, PMaxHeap h2){
    int k = h1->dim - 1;
    while (h1->heapsize > 0 && h2->heapsize > 0){
        if (h1->elements[0] > h2->elements[0]) {
            h1->elements[k] = h1->elements[0];
            h1->elements[0] = h1->elements[h1->heapsize - 1];
            h1->heapsize -= 1;
            maxHeapify(h1, 0);
        }
        else {
            h1->elements[k] = h2->elements[0];
            h2->elements[0] = h2->elements[h2->heapsize - 1];
            h2->heapsize -= 1;
            maxHeapify(h2, 0);
        }
        k--;
    }
    while(h1->heapsize > 0) {
        int tmp = h1->elements[h1->heapsize - 1];
        h1->elements[k] = h1->elements[0];
        h1->elements[0] = tmp;
        h1->heapsize -= 1;
        maxHeapify(h1, 0);
        k--;
    }
    while(h2->heapsize > 0) {
        h1->elements[k] = h2->elements[0];
        h2->elements[0] = h2->elements[h2->heapsize - 1];
        h2->heapsize -= 1;
        maxHeapify(h2, 0);
        k--;
    }
}
```

L'idea è di utilizzare la proprietà dei max-heap per estrarre l'elemento più grande dei due max-heap e inserirlo nell'ultima cella vuota dell'heap H1. Nella prima parte della funzione finché entrambi gli heap contengono elementi viene controllato qual'è il valore più grande tra il primo elemento di H1 ed il primo di H2 e verrà inserito nell'ultima cella libera dello spazio libero di H1. Dopo ogni estrazione viene eseguita una max-heapify per garantire le proprietà degli heap. Nella seconda parte della funzione vengono estratti i restanti elementi presenti in H1 o in H2.

Per calcolare la complessità temporale asintotica della funzione abbiamo che ad ogni iterazione di uno dei tre cicli while viene estratto uno ed un solo valore da uno dei due heap, quindi in quanto gli elementi in totale sono 2n (n elementi in H1 ed n elementi in H2) avremo 2n iterazioni in totale. A ogni iterazione viene chiamata la funzione max-heapify la cui complessità è  $\mathcal{O}(\log n)$  come visto a lezione. Da ciò possiamo concludere che la complessità di ordinaMaxHeap è  $\mathcal{O}(2n\log n)$  ovvero  $\mathcal{O}(n\log n)$ .

**Esercizio 5**. Sia A[0..n-1] un array di n numeri interi distinti. Se i < j e A[i] > A[j], allora la coppia (i, j) è detta **inversione** di A.

- a) Elencare le inversioni dell'array (5, 6, 11, 9, 3).
- b) Quale array con elementi estratti dall'insieme  $\{1, 2, ..., n\}$  ha più inversioni? Quante inversioni ha?
- c) Qual è la realazione fra il tempo di esecuzione di insertion sort e il numero di inversioni nell'array di input? Spiegare la vostra risposta.
- d) Create un algoritmo che determina il numero di inversioni in una permutazione di n elementi nel tempo  $\Theta(n \log n)$  nel caso peggiore.

Il prototipo della funzione è

int numinversioni(vector<int>& v)

#### Soluzione:

- a) Le inversioni sono (0,4), (1,4), (2,3), (2,4), (3,4).
- b) L'array con elementi appartenenti all'insieme  $\{1, 2, ..., n\}$  con più inversioni è

$$\langle n, n-1, n-2, \ldots, 1 \rangle$$
.

Per ogni  $0 \le i < j \le n-1$  c'è un'inversione (i,j). Il numero di tali inversioni è  $\binom{n}{2} = n(n-1)/2$ .

c) Ogni iterazione del ciclo interno di insertion sort (while) corrisponde all'eliminazione di una inversione.

Supponiamo che nell'input iniziale ci sia un'inversione (k,j). Allora k < j e A[k] > A[j]. Quando il ciclo esterno dell'insertion sort (for) assegna key = A[j], il valore che si trovava inizialmente in A[k] è sempre in un qualche indice a sinistra di A[j], cioè è in A[i], con  $0 \le i < j$ , e così l'inversione è diventata (i,j). Una qualche iterazione del ciclo interno (while) muove A[i] una posizione a destra. All'uscita dal ciclo interno key sarà posto a sinistra dell'elemento in A[i], eliminando così l'inversione. Poiché il ciclo interno sposta solo elementi che sono maggiori di key, sposta solo elementi che corrispondono a inversioni.

```
d) int countinv(vector<int>& v, int inf, int med, int sup){
  vector<int> aux;
  int primo = inf, secondo = med +1, count = 0;

  while (primo <= med && secondo <= sup)
    if (v[primo] > v[secondo]){
      count += med - primo + 1;
      aux.push_back(v[secondo]);
      secondo ++;
  }
  else {
```

```
aux.push_back(v[primo]);
            primo ++;
        }
    if (primo <= med) {</pre>
        for (int i = med; i >= primo; i--){
            v[sup] = v[i];
            sup --;
    }
    for (int i = 0; i < aux.size(); i++)</pre>
        v[i + inf] = aux[i];
    return count;
}
int inversioni(vector<int>& v, int inf, int sup){
    int med;
    if (inf >= sup)
        return 0;
    med = (inf + sup)/2;
    return inversioni(v, inf, med) + inversioni(v, med + 1, sup) +
    countinv(v, inf, med, sup);
}
int numinversioni(vector<int>& v){
    return inversioni(v, 0, v.size()-1);
```

La relazione di ricorrenza di inversioni è:

$$T(n) = \left\{ \begin{array}{ll} \Theta(1) & n \leq 1 \\ 2T(n/2) + \Theta(n) & n > 1 \end{array} \right.$$

Applicando il teorema master, possiamo dimostrare che questa ricorrenza ha soluzione  $T(n) = \Theta(n \log n)$ .

Esercizio 6. In un parcheggio destinato ad automobili di lusso, **ogni auto** è assicurata per un **determinato valore**. Il parcheggiatore deve **riorganizzare** le auto di modo che la **differenza** tra i valori di auto parcheggiate **consecutivamente** sia la **più piccola possibile**. Più precisamente l'obiettivo è **minimizzare la somma delle differenze** in **valore assoluto** dei valori tra auto adiacenti.

Ovviamente il parcheggiatore vuole ottenere questo risultato con il **numero minimo di scambi** di automobili. Si richiede quindi la creazione di un algoritmo **EFFICENTE** che determini il **numero minimo** di scambi necessari.

Le auto sono rappresentate da un array di numeri naturali, e l'output desiderato è un singolo numero naturale che indica il numero minimo di scambi richiesti.

Il prototipo della funzione è:

Analizzare e motivare in modo chiaro, preciso ed approfondito la complessità della funzione.

```
void mymerge(vector<pair<int, int>>& arr, int p, int med, int r){
    vector<pair<int, int>> aux;
    int i = p, j = med +1;
    while (i <= med && j <= r)</pre>
        if (arr[i] <= arr[j]){</pre>
        aux.push_back(arr[i]);
        ++i;
    }
    else {
        aux.push_back(arr[j]);
        ++j;
    }
    if (i <= med){</pre>
        for (j = med; j >= i; --j){}
            arr[r] = arr[j];
            --r;
    }
    for (i = 0; i < aux.size(); ++i)</pre>
    arr[p + i] = aux[i];
}
/*N.B.: la funzione di ordinamento doveva essere implementata*/
void mymergesort(vector<pair<int, int>>& arr, int p, int r){
    if (p < r){
        int med = (p + r)/2;
        mymergesort(arr, p, med);
        mymergesort(arr, med + 1, r);
        mymerge(arr, p, med, r);
    }
void reverse(vector<pair<int, int>>& arr) {
   int first = 0;
   int last = arr.size()-1;
    while ((first < last)) {</pre>
        pair<int, int> var_for_swap;
        var_for_swap = arr[first];
        arr[first] = arr[last];
        arr[last] = var_for_swap;
        first++;
        last--;
    }
}
```

```
int numscambi(vector<int>& v) {
   int result = -1;
   int n = v.size();
   /*crea un array di coppie dove il primo elemento della coppia e' l'elemento
    dell'array v mentre il secondo elemento della coppia e' la posizione in v
    vector<pair<int, int>> arrPos(n);
    for (int i = 0; i < n; i++) {</pre>
        arrPos[i].first = v[i];
        arrPos[i].second = i;
   }
    //itero due volte per controllare in quale verso di ordinamento il vettore
    necessita meno swap
    for (int rev = 0; rev < 2; rev++) {</pre>
        int curSwap = 0;
        //per tenere traccia degli elementi di v gia' visitati
        vector<bool> vis(n, false);
        //inverto l'array se rev = 1
        //NOTA: la funzione di ordinamento deve essere implementata a parte e
    la complessita' deve essere motivata tramite l'opportuna equazione di
    ricorrenza.
        if (rev) {
           reverse(arrPos);
        } else {
           mymergesort(arrPos, 0, arrPos.size()-1);
        //faccio gli swap necessari per trasformare arr in sorted
        for (int i = 0; i < v.size(); i++) {</pre>
           //se ho visitato l'elemento oppure la sua posizione e' gia'
    corretta, salto l'iterazione corrente
            if (!vis[i] && arrPos[i].second != i) {
                /*Trova il numero di nodi da scambiare a partire dal nodo
    corrente. I nodi da scambiare permettono di individuare un ciclo*/
                int cycle_size = 0;
                int j = i;
                while (!vis[j]) {
                    vis[j] = 1;
                    j = arrPos[j].second;
                    cycle_size++;
                /*Aggiorna il numero minimo di scambi*/
                if (cycle_size > 0) {
                    curSwap += (cycle_size - 1);
```

```
}

if (result == -1)
    result = curSwap;

else
    //tengo il valore minore
    result = min(result, curSwap);
}

return result;
}
```

La complessità temporale asintotica di numscambi dipende dalla complessità della funzione di ordinamento e dei cicli while e for utilizzati. Il ciclo while utilizzato per inizializzare arrPos presenta complessità  $\Theta(n)$ , dove n è il numero di elementi del vettore v in input. Il corpo del primo ciclo for viene eseguito 2 volte, quindi la sua complessità coincide con quella del corpo. La funzione di ordinamento presenta complessità  $\Theta(n \cdot logn)$ , se la funzione di ordinamento implementata è una di quelle viste a lezione con complessità ottima. Ad esempio, nella soluzione proposta viene implementato l'algoritmo di ordinamento Mergesort tramite la procedura mymergesort. La complessità di reverse, invece, è  $\Theta(n)$ , dunque il caso peggiore per l'if è  $\Theta(n \cdot logn)$ . La complessità del ciclo for interno è  $\Theta(n)$  poiché ciascun elemento del vettore vis viene visitato e settato a 1 una sola volta durante l'esecuzione delle n iterazioni. Quindi, la complessità di numscambi è  $\Theta(n) + \Theta(n \cdot logn) + \Theta(n) = \Theta(n \cdot logn)$ .