



## RÉSUMÉ

**Ingénieur en R&D** avec un doctorat en informatique. J'ai une expérience en tant qu'ingénieur logiciel chez Inria, suivi de rôles en tant qu'ingénieur en R&D et doctorant dans des projets collaboratifs impliquant Inria, les Hôpitaux de Grenoble et Anatoscope. Mon expertise se situe dans le domaine de l'apprentissage automatique, de la vision par ordinateur et de l'infographie, avec un accent sur leurs applications dans l'imagerie biomédicale.

## CONTACT

@ nicolas.comte1@gmail.com

+33 6 75 83 50 60

cometicon.github.io

## INFORMATIONS PERSONNELLES

**Nationalité** Français

**Famille** Marié, 1 enfant

**Langues** Français, anglais

## COMPÉTENCES

**Sci. informatiques** Deep learning, Computer Vision, Computer graphics, Bioinformatique

**Lang. informatiques** C++, Python, Git

**Calcul Sci.** Pytorch, Scikit-learn, R, Matlab, Sofa

**Communication**  $\text{\LaTeX}$ , HTML, Gimp, Krita, Inkscape

## EXPERIENCES

**INGÉNIEUR R&D/DOCTORANT** à Inria, Anatoscope (France). **2019–pres.**

◇ Projets industriels et de recherche en imagerie médicale et en simulation anatomique.

◇ Computer graphics, computer vision, deep-learning, simulation anatomique.

**INGÉNIEUR INFORMATIQUE** à Inria (France).

**2016–2018**

◇ Développement de logiciels pour la phylogénie moléculaire. Voir [Treerecs](#) et [Seaview 5](#).

◇ Développement Python/C++, conception, phylogénie moléculaire.

+ **ENSEIGNEMENT** à INSA de Lyon en Développement C++.

**STAGE DE FIN D'ÉTUDES D'INGÉNIEUR INFORMATIQUE** à Inria (France). **2016**

◇ Création de modèles de vie artificielle pour l'étude de l'évolution. Voir [Aevol](#).

◇ Modélisation mathématique, biostatistiques, biologie moléculaire, vie artificielle.

**STAGE EN STATISTIQUES** à Soladis (France).

**2015**

◇ Analyses statistiques, développement de package R, écriture d'un manuel de 180 pages sur la programmation statistique avec R.

◇ Programmation R, statistiques, enseignement.

**BIOINFORMATICIEN, IGEM (compétition),** à INSA de Lyon (France). **2014**

◇ Création de bactéries génétiquement modifiées pour le traitement des eaux usées. Projet étudiant pour la compétition internationale de Biologie IGEM (Boston, USA). [Curly'On](#)

◇ statistiques, modélisation, biologie moléculaire, simulation.

## ÉDUCATION

**DOCTORAT** en Informatique. Université Grenoble-Alpes. **2020–2023**

◇ Titre de la thèse : *Learning scoliosis patterns using anatomical models and motion capture*.

◇ Computer vision and graphics, deep-learning, biomécanique, simulation anatomique, motion capture, imagerie médicale.

**INGÉNIEUR** Bioinformatique et modélisation. INSA de Lyon. **2013–2016**

◇ modélisation mathématique, informatique, statistiques, biologie.

**LICENCE** en Bioinformatique. Université de Lyon.

**2010–2013**

◇ Modélisation mathématique, informatique, statistiques, biologie, génomique.

## PRIX

**BEST POSTER EN INTELLIGENCE ARTIFICIELLE APPLIQUÉE À L'IMAGERIE BIOMÉDICALE.** IABM 2023, Colloque National en Intelligence Artificielle Appliquée à l'Imagerie Biomédicale.

**MÉDAILLE D'OR et BEST COMPOSITE PART.** IGEM 2014, International Genetically Engineered Machine competition.

## PUBLICATIONS ET COMMUNICATIONS

Voir ma page [Google scholar](#) ou mon profil [HAL](#).

## CENTRES D'INTÉRÊTS

**GRAPHISME** : infographie, illustration, dessin et peinture numérique.

**MÉDIATION SCIENTIFIQUE** : membre de *Démesures* 2017-2019 (France), animateur, présentateur à *Geek Touch* 2018, *Fête de la Science* 2017, 2018, ...

**PHOTOGRAPHIE** : macro-, proxi-photographie nature et animalière.