

Proyecto # 3: Kevin el encargado



Laura Victoria Riera Pérez
Marié del Valle Reyes

Cuarto año. Ciencias de la Computación.
Facultad de Matemática y Computación, Universidad de La Habana, Cuba

16 de junio de 2023

I. REPOSITORIO DEL PROYECTO

<https://github.com/computer-science-crows/algorithms-design-and-analysis>

II. DEFINICIÓN INICIAL DEL PROBLEMA

Kevin ha sido puesto al frente de la comisión de la facultad que elegirá las fechas de las pruebas de los k cursos que se dan en la facultad.

Cada curso tiene una cantidad de pruebas determinadas que quiere poner, y propone para esto, por ejemplo, los días $\{ 17, 34, 65 \text{ y } 87 \}$ del curso escolar, si vemos a este como una sucesión de días en los que se imparten clases. Para mostrarse flexibles, los cursos a veces elaboran más de una propuesta incluso.

Por un problema de desorganización las propuestas se regaron y ahora no se sabe que curso propuso que propuesta, pero ya Kevin esta cansado de tanta gestión. Kevin quiere elegir k propuestas que ninguna quiera poner pruebas el mismo día que las otras, así supone que todo el mundo estará contento, ayude a Kevin.

III. DEFINICIÓN EN TÉRMINOS MATEMÁTICO - COMPUTACIONALES

La entrada de nuestro problema es el número k de cursos impartidos en el semestre y una lista p que contiene al menos k propuestas. Una propuesta es una lista con días del curso escolar en donde podrían efectuarse las pruebas de un curso. El objetivo es encontrar una cantidad k de propuestas sin días en común para formar el calendario de exámenes. La salida del problema es una lista con una combinación posible de propuestas en caso de existir, de lo contrario, se ofrecen disculpas a Kevin y se retorna una lista vacía.

I. Teoría de grafos

Este problema también puede ser resuelto utilizando el enfoque de la teoría de grafos, modelándolo como un grafo donde cada nodo representa una propuesta, y una arista entre dos nodos indica que las propuestas correspondientes tienen algún día en común.

Definición 1. Sea $G = (V, E)$ un grafo. $A \subseteq V$ es un conjunto independiente de G si el subgrafo inducido por A no tiene aristas.

Un conjunto independiente en este caso, constituiría un conjunto de propuestas que no tienen días en común. El problema estaría en buscar un conjunto independiente de tamaño k .

IV. PROBLEMA NP: MÁXIMO CONJUNTO INDEPENDIENTE

El problema de hallar el máximo conjunto independiente (MIS por sus siglas en inglés) pertenece a la clase de problemas NP-Completo. Para demostrar que el problema del MIS es NP-completo, debemos demostrar que es tanto NP como NP-difícil.

Para mostrar que el problema es **NP**, necesitamos demostrar que dada una solución al problema, podemos verificar su correctitud en tiempo polinomial. En el caso del problema del MIS, la solución es un conjunto de vértices que no son adyacentes entre sí. Podemos comprobar que la solución es correcta verificando que cada par de vértices en el conjunto no sean adyacentes, lo que se puede hacer en tiempo $O(V + E)$ usando un algoritmo simple que verifica la ausencia de aristas entre todos los pares de vértices en el conjunto.

Para mostrar que el problema del conjunto independiente es **NP-difícil**, necesitamos realizar una reducción de un problema NP-difícil conocido al problema del MIS. Podemos realizar una reducción del problema del Clique Máximo, que se sabe que es NP-difícil. Dada una instancia del problema Clique que consiste en un grafo G y un entero k , podemos construir un grafo complementario G' tomando el mismo conjunto de vértices que G e incluyendo una arista entre dos vértices en G' si y solo si son no adyacentes en G . Entonces podemos mostrar que hay clique de tamaño k en G si y sólo si hay un conjunto independiente de tamaño k en G' . Por lo tanto, el problema del MIS también es NP-difícil.

Combinando estos dos resultados, podemos concluir que el problema de Conjuntos Independientes es **NP-Completo**.

V. SOLUCIONES IMPLEMENTADAS

I. Backtrack

Como primera solución al problema fue implementado un *backtrack*. Esta es una solución correcta, ya que genera todas las combinaciones posibles de k propuestas y verifica si cumplen

con la restricción de que no haya dos cursos con exámenes el mismo día. La complejidad temporal de este algoritmo es $O(n^k)$, donde n es el número de propuestas. En una computadora de 32GB de RAM, intel core i7-11na generación, se puede resolver para una cantidad máxima de 6 cursos con 20 propuestas de 5 evaluaciones cada una. Dicha solución puede ser encontrada en `src/solutions/backtrack_solution.py`.

II. Programación lineal

Este problema puede ser modelado también como un problema de optimización lineal. Sea x_i una variable binaria que indica que se tomó el vértice i . Se quiere maximizar la suma de $x_i \forall i \in V$. Las restricciones añadidas garantizan que ningún par de vértices elegidos sean vecinos, y por tanto la solución hallada sea un conjunto independiente.

$$\begin{cases} \text{máx} & z = \sum_{i \in V} x_i \\ \text{s.a.} & x_i + x_j \leq 1 \quad \forall (i, j) \in E \\ & x_i \in \{0, 1\} \quad \forall i \in V \end{cases} \quad (1)$$

Esta solución fue implementada utilizando la librería *PuLP* y puede ser encontrada en `src/solutions/linear_prog_solution.py`. La complejidad temporal para resolver problemas con PuLP depende del solucionador subyacente que se utilice. Por defecto, PuLP usa COIN-OR Branch and Cut Solver (CBC), el cual se basa en el método simplex y es combinado con otros algoritmos. La complejidad temporal del método simplex es en el caso peor $O(2^n)$, pero en general es bastante rápido. Sin embargo, debido a los algoritmos adicionales utilizados por CBC, la complejidad temporal real puede variar según la instancia específica del problema.

III. Metaheurística: Algoritmo genético

En la resolución del problema se utiliza el algoritmo genético como metaheurística, la cual se escogió debido a que es adecuada para problemas de optimización combinatoria, como el problema de Kevin, donde las soluciones son combinaciones de elementos discretos. Además constituye un enfoque de búsqueda y optimización que puede manejar grandes espacios de búsqueda y proporcionar soluciones de alta calidad en un tiempo razonable.

La implementación se basa en representar las soluciones como una lista binaria del mismo tamaño que la lista de propuestas de entrada. En esta representación, un valor de 1 en un índice indica que esa propuesta ha sido seleccionada, mientras que un valor de 0 indica que no ha sido seleccionada.

El objetivo del algoritmo es encontrar una lista binaria con exactamente k valores de 1, lo que representa la selección de k propuestas sin que ninguna de ellas tenga días comunes. Para ello, se generan nuevas soluciones aplicando mutación y cruzamiento, y se seleccionan las mejores soluciones para la siguiente generación, utilizando la función de evaluación como criterio de selección.

La operación de mutación consiste en intercambiar dos posiciones aleatorias en la lista binaria. El operador de cruzamiento, se aplica a dos listas binarias. Dado un índice i , se intercambian todos los elementos hasta el índice i de una lista con los elementos de la otra lista. Esto permite combinar características de ambas soluciones y explorar nuevas posibilidades. La función de evaluación se encarga de determinar la calidad de una solución. En este caso, devuelve un número positivo si la lista binaria es válida, es decir, si cumple con las restricciones de que las propuestas seleccionadas no tengan días comunes. Por el contrario, devuelve un número negativo. El algoritmo genético

continúa iterando hasta encontrar una lista binaria válida que cumpla con las restricciones o llega al número máximo de iteraciones.

iv. Aproximación

Los algoritmos de aproximación son una técnica poderosa para tratar problemas de optimización NP-hard, proporcionando garantías comprobables sobre la distancia de la solución devuelta a la óptima. Estos algoritmos son particularmente útiles cuando una solución exacta es intratable y se puede encontrar rápidamente una solución casi óptima.

En la solución siguiente se utilizó la representación del problema como utilizando teoría de grafos.

iv.1. Bellman-Ford

El algoritmo BMA (Bellman-Ford Maximum Independent Set Approximation) se utiliza para encontrar un conjunto independiente máximo en un grafo. Este enfoque redefine el problema en términos de encontrar un camino de costo mínimo en un grafo ponderado. Cada vértice tiene un costo asociado, que representa el número de vértices que se excluyen si ese vértice se incluye en la solución. El objetivo del algoritmo es minimizar el número de vértices excluidos al agregar cada vértice al camino.

Este método se ejecuta en múltiples rondas y mantiene listas para hacer un seguimiento de los caminos encontrados, las exclusiones, los costos y los vértices previos. En la ronda inicial (ronda 0), la exclusión de cada vértice u es una lista que incluye a u y a sus vecinos. El costo de u en esta ronda es simplemente la longitud de la lista de exclusión.

En las rondas siguientes, el algoritmo considera pares de vértices (u, v) como candidatos para ser agregados al camino. El vértice u se considera si su costo en la ronda actual es menor que infinito, lo cual indica que fue agregado en la ronda anterior. Si se encuentra un candidato v , el algoritmo verifica si agregarlo resultaría en un costo menor para v en la siguiente ronda. Si se cumple esta condición, se actualizan los valores de exclusión, costo y vértice previo para v .

El algoritmo continúa en cada ronda hasta que no se puedan agregar más vértices a ningún camino (conjunto independiente). En este punto, se puede rastrear cada vértice en la última ronda utilizando su vértice anterior para formar el conjunto independiente aproximado. El tamaño de este conjunto aproximado es igual a la última ronda más uno.

VI. GENERADOR DE CASOS DE PRUEBA

En *src/app/generator.py* fue implementado un generador, el cual recibe una cantidad s de muestras a producir, genera valores random con el formato de entrada de los algoritmos implementados, halla la solución óptima con *backtrack* y las guarda en *json/test_cases.json*. Se generaron 3000 casos de prueba.

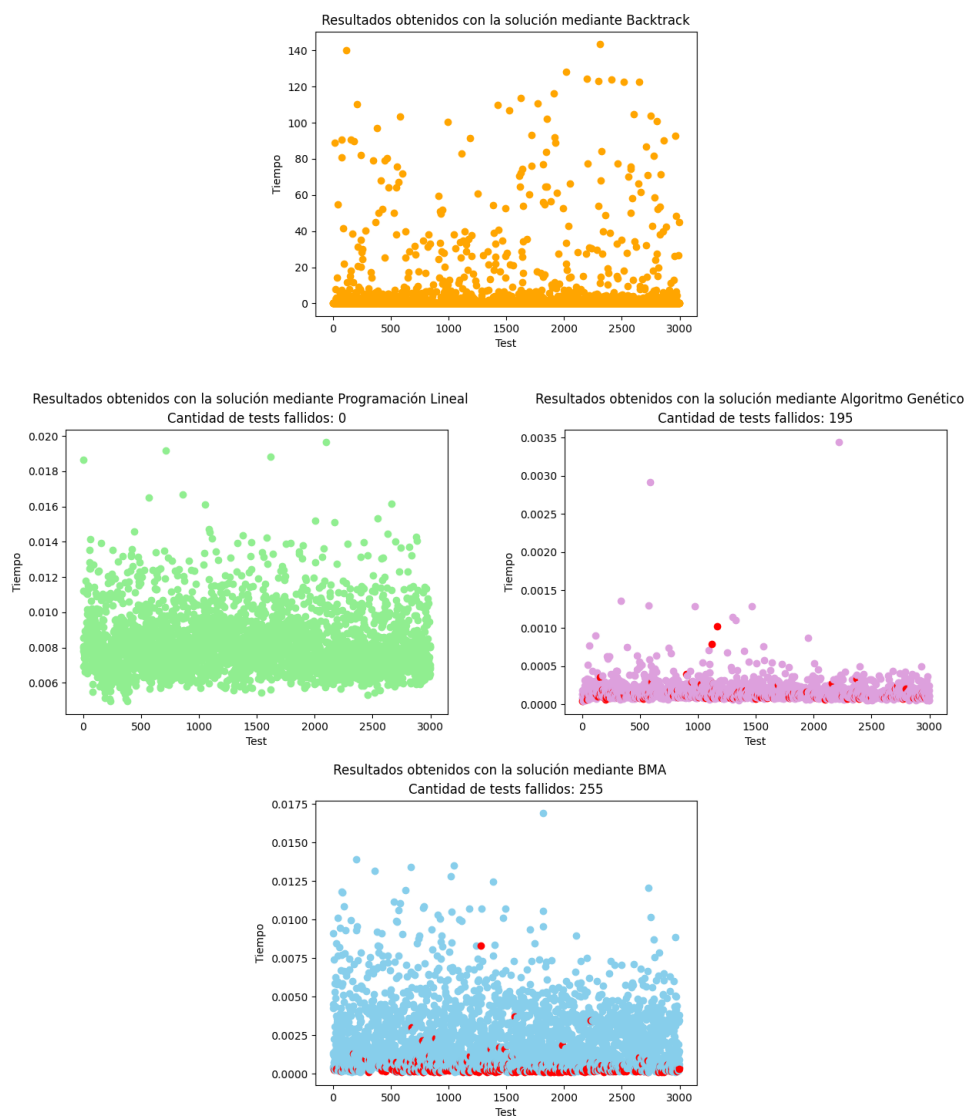
VII. TESTER

En *src/app/tester.py* fue implementado un tester, que recibe una función y prueba el desempeño de la misma en cuanto a si obtuvo la solución óptima o no, y el tiempo que demoró en hacerlo, comparando con los casos de prueba obtenidos con el generador. Además, estos resultados se guardan en un *.json* con el nombre de la función en la carpeta tests. La solución

implementada fue testada para todos los casos de prueba generados y puede encontrarse en `json/tests/corruption_strategy_solution.json`.

VIII. COMPARACIÓN DE SOLUCIONES IMPLEMENTADAS

A continuación se muestra una gráfica por cada algoritmo con el tiempo que demoró en cada uno de los 3000 tests. Como podemos observar, en los casos analizados, el *backtrack* puede demorar hasta 2 minutos y medio en ejecutarse, aunque la mayoría de los casos oscilan entre 0 y 20 segundos. La solución con programación lineal para todos los casos demora menos de 0.02 segundos. La aproximación basada en Bellman Ford probó tener un 91.5 % de efectividad con 255 casos fallidos, todos demorando menos de 0.017 segundos. Por último la solución mediante algoritmo genético para 100 generaciones tuvo un 93.5 % de efectividad con 195 casos fallidos, tomando un tiempo menor a los 0.004 segundos en la ejecución de los mismos.



Además, en la siguiente gráfica se ofrece una comparación del tiempo promedio que le toma a cada algoritmo ejecutar los casos de prueba.

REFERENCIAS

- [1] Cormen, Thomas H. y otros. *Introduction to Algorithms*. The MIT Press. 4ta Edición. Cambridge, Massachusetts. 2022.