

# pET-28a(+) Seamless Cloning Kit



产品组成	CL131-01
pET-28a(+)线性化载体(50 ng/μl)	20 μl
2×Seamless Cloning Mix	100 μ1

保存条件: -20℃保存一年

## 产品介绍:

pET-28a(+)载体为高水平的原核表达载体,在 N 端含有 His-Tag, Thrombin(凝血酶) 酶切位点,T7-Tag,在 C 端具有 His-Tag。本产品提供 pET-28a(+)经 EcoRI酶切后的线 性化载体,可用无缝克降技术将单个或多个 DNA 片段组装到载体上。

无缝克隆技术可在重组酶的作用下,只需一步反应,便可将片段克隆到任何载体中的任意位置,得到重组质粒。无缝克隆技术作为一种非常强大的克隆技术,具有快速、简便、高效、多片段组装和定向克隆等特点,用于单个 DNA 片段的克隆,多个 DNA 片段组装克隆以及多位点突变构建等实验目的。

### 产品特点:

- 1. pET-28a 载体为原核表达载体, 具有 N-His, N-Thrombin, N-T7 和 C-His。
- 2. pET-28a 经 EcoRI酶切后的线性化载体,省时省力。
- 3. 无缝克隆技术只需要简单的 PCR 扩增就可以制备片段 DNA。
- 4. 可以克隆长片段和多片段 DNA。
- 5. 简单、快速、精确、定向克隆。

## 操作步骤:

- 1. pET-28a(+)线性化载体使用方法:
- (1) pET-28a(+)线性化载体当做克隆载体使用,可以在扩增 PCR 产物的 上游引物 5'端添加序列: GCCTGGTGCCGCGCGCGCATATG (需要 5'端 HIS 标 答时)

或者 AACTTTAAGAAGGAGATATACCATG (不需要 5'端 HIS 标签时) 下游引物 5'端添加序列: CTCAGTGGTGGTGGTGGTGGTGCTCGAG (需要 3'端 HIS 标签时)



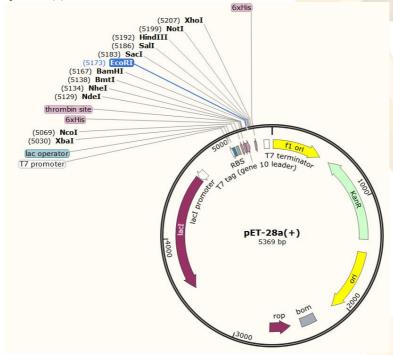
或者 CTCAGTGGTGGTGGTGGTGCTCGAG<mark>TCA(不需要 3'端 HIS 标签时)</mark>通过无缝克隆连接到 pET-28a(+)中。

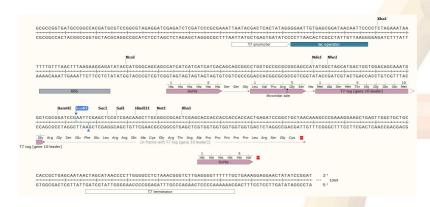
(2) 测序引物

T7: 5'-TAATACGACTCACTATAGGG-3'

T7t: 5'-GCTAGTTATTGCTCAGCGG-3'

(3) pET-28a(+)线性化载体为 EcoRI酶切后的线性化载体, 图谱及多克隆位点见下图。







#### 2. 载体片段的重组连接

(1) 在一个 0.2ml PCR 管中依次加入

组分	体积
PCR 产物 (50-100ng/µl)	1 μl
pET-28a(+)线性化载体 (50ng/μl)	1 μl
2×Seamless Cloning Mix	5 μl
补水至总体积	10 μl

(2)操作:轻轻混合,离心数秒。在 PCR 仪上 50℃保温 15 分钟。反应结束后,将离心管置于冰上,等待细菌转化。如暂时不转化细菌,可冻存于-20℃。

#### 注意:

- (1) 载体用量一般在 50-100ng 较好。载体和片段的摩尔比为 1:1 至 1:3。片段小于 200bp时,片段用量可增加到载体的 5 倍量。如果片段较多,可适当增大体系,如 20μl。
  - (2) 多片段连接,50℃反应时间不要超过60分钟。
- 3.转化: 具体操作以感受态细胞操作说明书为准
- 4.阳性克隆鉴定: (1) 菌落 PCR 方法; (2) 限制性酶切分析方法; (3) DNA 测序分析方法。

# pET-28a(+)载体序列:

>pET-28a(+)



ACCCCTATTTGTTTATTTTCTAAATACATTCAAATATGTATCCGCTCATGAATTAAT TCTTAGAAAACTCATCGAGCATCAAATGAAACTGCAATTTATTCATATCAGGATT ATCAATACCATATTTTTGAAAAAGCCGTTTCTGTAATGAAGGAGAAAACTCACCG AGGCAGTTCCATAGGATGGCAAGATCCTGGTATCGG<mark>TCTGCGAT</mark>TCCGACTCGTC CAACATCAATACAACCTATTAATTTCCCCTCGTCAAAA<mark>ATAAGGTT</mark>ATCAAGTGAG AAATCACCATGAGTGACGACTGAATCCGGTGAGAATGGCAAAAGTTTATGCATTT CTTTCCAGACTTGTTCAACAGGCCAGCCATTACGCTCGTCATCAAAATCACTCGCA TCAACCAAACCGTTATTCATTCGTGATTGCGCCTGAGCGAGACGAAATACGCGAT CGCTGTTAAAAGGACAATTACAAACAGGAATCGAATGCAAC<mark>CGGCGCA</mark>GGAACA CTGCCAGCGCATCAACAATATTTTCACCTGAATCAGGATATTCTTCTAATACCTGG AATGCTGTTTTCCCGGGGATCGCAGTGGTGAGTAACCATGCATCATCAGGAGTAC GGATAAAATGCTTGATGGTCGGAAGAGGCATAAATTCCGTCAGCC<mark>AGTTTAGTCT</mark> GACCATCTCATCTGTAACATCATTGGCAACGCTACCTTTGCCATGTTTCAGAAACA ACTCTGGCGCATCGGGCTTCCCATACAATCGATAGATTGTCGCACCTGATTGCCCG ACATTATCGCGAGCCCATTTATACCCATATAAATCAGCATCCATGTTGGAATTTAAT CGCGGCCTAGAGCAAGACGTTTCCCGTTGAATATGGCTCATAACACCCCTTGTATT ACTGTTTATGTAAGCAGACAGTTTTATTGTTCATGACCAAAATCCCTTAACGTGAG TTTTCGTTCCACTGAGCGTCAGACCCCGTAGAAAAGATCAAAGGATCTTCTTGAG ATCCTTTTTTCTGCGCGTAATCTGCTGCTTGCAAACAAAAAAACCACCGCTACC AGCGGTGGTTTGTTTGCCGGATCAAGAGCTACCAACTCTTTTTCCGAAGGTAACT GGCTTCAGCAGAGCGCAGATACCAAATACTGTCCTTCTAGTGTAGCCGTAGTTAG GCCACCACTTCAAGAACTCTGTAGCACCGCCTACATACCTCGCTCTGCTAATCCTG TTACCAGTGGCTGCCAGTGGCGATAAGTCGTGTCTTACCGGGTTGGACTCAA GACGATAGTTACCGGATAAGGCGCAGCGGTCGGGCTGAACGGGGGGTTCGTGCA CACAGCCCAGCTTGGAGCGAACGACCTACACCGAACTGAGATACCTACAGCGTG AGCTATGAGAAAGCGCCACGCTTCCCGAAGGGAGAAAGGCG<mark>GACAGGTAT</mark>CCGG TAAGCGGCAGGGTCGGAACAGGAGAGCGCACGAGGGAGCTTCCAGGGGGAAAAC GCCTGGTATCTTTATAGTCCTGTCGGGTTTCGCCACCTCTGACTTGAGCGTCGATT TTTGTGATGCTCGTCAGGGGGGGGGGGGGCCTATGGAAAAACGCCAGCAACGCGGC CTTTTTACGGTTCCTGGCCTTTTGCTGGCCTTTTGCTCACATGTTCTTTCCTGCGTT GCCGCAGCCGAACGACCGAGCGAGCGAGTCAGTGAGCGAGGAAGCGGAAGAG CGCCTGATGCGGTATTTTCTCCTTACGCATCTGTGCGGTATTTCACACCGCATATAT



GGTGCACTCTCAGTACAATCTGCTCTGATGCCGCATAGTTAAGCCAGTATACACTC CGCTATCGCTACGTGACTGGGTCATGGCTGCGCCC<mark>CGACACCC</mark>GCCAACACCCGC TGACGCGCCTGACGGCTTGTCTGCTCCCGGCATCCGCTTACAGACAAGCTGTG ACCGTCTCCGGGAGCTGCATGTGTCAGAGGTTTTCACCGTCATCACCGAAACGCG CGAGGCAGCTGCGGTAAAGCTCATCAGCGTGGTCGTGAAGCGATTCACAGATGT CTGCCTGTTCATCCGCGTCCAGCTCGTTGAGTTTCTCCAGAAGCGTTAATGTCTGG CTTCTGATAAAGCGGGCCATGTTAAGGGCGGTTTTTTCCTGTTTGGTCACTGATGC CTCCGTGTAAGGGGGATTTCTGTTCATGGGGGGTAATGATACCGATGAAACGAGAG AGGATGCTCACGATACGGGTTACTGATGATGAACATGCCCG<mark>GTTACTGGA</mark>ACGTT GTGAGGGTAAACAACTGGCGGTATGGATGCGGCGGGACCAG<mark>AGAAAAATC</mark>ACTC AGGGTCAATGCCAGCGCTTCGTTAATACAGATGTAGGTGTTCCACAGGGTAGCCA GCAGCATCCTGCGATGCAGATCCGGAACATAATGGTGCAGGGCGCTGACTTCCGC GTTTCCAGACTTTACGAAACACGGAAACCGAAGACCATTCATGTTGTTGCTCAGG ATTCTGCTAACCAGTAAGGCAACCCCGCCAGCCTAGCCGGGTCCTCAACGACAG GAGCACGATCATGCGCACCCGTGGGGCCGCCATGCCGGCGATAATGGCCTGCTTC TCGCCGAAACGTTTGGTGGCGGGACCAGTGACGAAGGCTTGAGCGAGGGCGTG  ${\sf CAAGATTCCGAATACCGCAAGCGACAGGCCGATCATCGTCGCGCTCCAGCGAAA}$ GCGGTCCTCGCCGAAAATGACCCAGAGCGCTGCCGGCACCTGTCCTACGAGTTG CATGATAAAGAAGACAGTCATAAGTGCGGCGACGATAGTCATGCCCCGCGCCCAC CGGAAGGAGCTGACTGGGTTGAAGGCTCTCAAGGGCATCGGTCGAGATCCCGGT GCCTAATGAGTGAGCTAACTTACATTAATTGCGTTGCGCTCACTGCCCGCTTTCCA GTCGGGAAACCTGTCGTGCCAGCTGCATTAATGAATCGGCCAACGCGCGGGGAG AGGCGGTTTGCGTATTGGGCGCCAGGGTGGTTTTTCTTTTCACCAGTGAGACGGG CAACAGCTGATTGCCCTTCACCGCCTGGCCCTGAGAGAGTTGCAGCAAGCGGTC CACGCTGGTTTGCCCCAGCAGGCGAAAATCCTGTTTGATGGTGGTTAACGGCGGG ATATAACATGAGCTGTCTTCGGTATCGTCGTATCCCACTACCGAGATATCCGCACCA ACGCGCAGCCCGGACTCGGTAATGGCGCGCATTGCGCCCAGCGCCATCTGATCGT TGGCAACCAGCATCGCAGTGGGAACGATGCCCTCATTCAGCATTTGCATGGTTTG TTGAAAACCGGACATGGCACTCCAGTCGCCTTCCCGTTCCGCTATCGGCTGAATT TGATTGCGAGTGAGATATTTATGCCAGCCAGCCAGACGCAGACGCGCGAGACA GAACTTAATGGGCCCGCTAACAGCGCGATTTGCTGGTGACCCAATGCGACCAGAT GCTCCACGCCCAGTCGCGTACCGTCTTCATGGGAGAAATAATACTGTTGATGGG



TGTCTGGTCAGAGACATCAAGAAATAACGCCGGA<mark>ACATTAGTGCAGGCAGCTTCC</mark> ACAGCAATGGCATCCTGGTCATCCAGCGGATAGTT<mark>AATGATCA</mark>GCCCACTGACGC GTTGCGCGAGAAGATTGTGCACCGCCGCTTTACAGGCTTCGACGCCGCTTCGTTC TACCATCGACACCACGCTGGCACCCAGTTGATCGGCGCGAGATTTAATCGCC GCGACAATTTGCGACGCGCGTGCAGGGCCAGACTGGAGGTGGCAACGCCAATC AGCAACGACTGTTTGCCCGCCAGTTGTTGTGCCACGCGGTTGGGAATGTAATTCA CTGGTTCACCACGCGGAAACGGTCTGATAAGAGACACC<mark>GGCATACTC</mark>TGCGAC ATCGTATAACGTTACTGGTTTCACATTCACCACCCTGAATTG<mark>ACTCTCTTCC</mark>GGGC GCTATCATGCCATACCGCGAAAGGTTTTGCGCCATTCGATGGT<mark>GTCCGGGAT</mark>CTCG ACGCTCTCCCTTATGCGACTCCTGCATTAGGAAGCAGCCCAGTAGTAGGTTGAGG CCGTTGAGCACCGCCGCAAGGAATGGTGCATGCAAGGAGATGGCCCCAAC AGTCCCCGGCCACGGGGCCTGCCACCATACCCACGCCGAAACAAGCGCTCATG AGCCCGAAGTGGCGAGCCCGATCTTCCCCATCGGTGATGTCGGCGATATAGGCGC CAGCAACCGCACCTGTGGCGCCGGTGATGCCGCCACGATGCGTCCGGCGTAGA GGATCGAGATCTCGATCCCGCGAAATTAATACGACTCACTATAGGGGAATTGTG<mark>AG</mark> CGGATAACAATTCCCCTCTAGAAATAATTTTGTTTAACTTTAAGAAGGAGATATAC AGCCATATGGCTAGCATGACTGGTGGACAGCAAATGGGTCGCGGATCC<mark>GAATTC</mark>G AGCTCCGTCGACAAGCTTGCGGCCGCACTCGAGCACCACCACCACCACCACTGA GATCCGCTGCTAACAAGCCCGAAAGGAAGCTGAGTTGGCTGCTGCCACCGCT GAGCAATAACTAGCATAACCCCTTGGGGCCTCTAAACGGGTCTTGAGGGGTTTTT TGCTGAAAGGAGGAACTATATCCGGAT

BM210513