pBM26 Toposmart 克隆试剂盒

(pBM26 Toposmart Cloning Kit)



产品信息:

	CL109-01	CL109-02
	(20次)	(20次×3)
pBM26 Vector (20ng/μ l)	20μ1	20μl×3
10×Toposmart	20μ1	20μl×3
Control Insert EGFP	5µl	5μ1
M13F(-21) Primer(使用前加60μl ddH2O)	0.1OD	0.1OD×3
M13R Primer(使用前加60µl ddH2O)	0.1OD	0.1OD×3

保存条件: -20℃ 保存一年。

产品介绍:

利用痘苗病毒的拓扑异构酶I(Topoisomerase I)的切割再连接的特点将PCR产物定向克隆到线性化的pBM26载体中。适用于克隆由Pfu、sPfu、KOD、Xerox、Phusion和Q5等高保真DNA聚合酶扩增的平末端PCR产物。pBM26载体类似于invitrogen公司的pENTR/D-TOPO入门载体,具有attL1和attL2,为gateway系统中的入门载体。引物M13F(-21)r和M13R可用于菌落PCR和测序鉴定。

产品特点:

- (1) 连接反应仅需 5 分钟。
- (2) 只适合平末端 PCR 产物的快速、高效、定向克隆。
- (3) 载体采用了新的制备工艺,零背景,无需蓝白斑筛选
- (4) 可在基因的 C 端中融合 Flag 标签序列。
- (5) 载体为卡那霉素抗性。

注意事项:

- (1) 引物要求: PCR 引物 5'端不能进行磷酸化修饰,普通商业化引物即可。上游引物的 5'端添加 CACC 四个碱基(CACC 为真核表达所必需的 Kozak 序列)。如果目的蛋白需要在 C 端带 FLAG 标签,下游引物则需要去掉基因本身的终止密码子(3 个碱基),目的蛋白的翻译终止由 FLAG 标签的终止密码子 TAA(位于 Xho I 酶切位点前)来实现。
- (2) DNA 聚合酶: 选用 Pfu、sPfu、Phusion、Q5、KOD 和 Xerox 等高保真 DNA 聚合酶用于 PCR 扩增。



- (3)连接时间: 5-15 分钟, 一般为 15 分钟。
- (4)连接温度: 室温 (22 $^{\circ}$ -30 $^{\circ}$),可使用PCR仪控温。最佳反应温度为25 $^{\circ}$ 。若片段有高GC等复杂结构,可在37 $^{\circ}$ C反应。
- (5)产物要求:为保证PCR产物完整,建议72℃后延伸5-10分钟。连接前使用琼脂糖凝胶电泳检测PCR产物的质量和纯度,如PCR产物为非单一性条带,目的片段一定要切胶回收。如PCR产物为单一条带,无引物二聚体,可以取1-3μl的PCR产物直接连接。但若扩增模板为质粒DNA,应注意质粒的抗性。由于pBM26载体为卡那抗性,以氨苄抗性的模板质粒扩增的PCR产物直接连接后的产物可涂布在卡那抗性的LB平板上。以卡那抗性的模板质粒扩增的PCR产物应切胶回收后再连接。
- (6)片段用量: 胶回收的DNA片段一般使用量为50-100ng。对照片<mark>段为5'端带CACC</mark>四个碱基的全长EGFP基因的平末端产物。
- (7)在M13F(-21)和M13R引物干粉管中加120ul灭菌水即为5uM浓度的引物。

操作步骤:

1.连接反应

按下表,在一个 0.2ml PCR 管中依次加入

成分	体积
DNA片段	0.5-8µl
pBM26 Vector	1μl
10×Toposmart	1μl
补水至总体积	10μl

加完试剂后,轻轻混匀低速离心,使溶液集中在管底。PCR 仪控温 25℃反应 15 分钟,反应结束后,将离心管置于冰上,等待细菌转化。如暂时不转化,可冻存于-20℃。

2. 转化

- (1)取 5µl 连接产物到 100µl 刚刚融化的感受态细胞中,轻轻混匀,冰浴 20-30 分钟。
- (2)42℃水浴中热击 30 秒钟。
- (3)立刻置于冰水浴中2分钟。
- (4)加入 900μl 无菌的不含抗生素的 SOC 或 LB, 37℃, 200rpm 振荡培养 60 分钟。
- (5)4000rpm 离心 1 分钟,去掉部分上清,保留 100μl 用移液器轻吹菌体,充分悬浮菌液,取全部菌液涂布,然后 37℃培养过夜(12-16 小时)。

3. 阳性克隆鉴定:

- (1) 菌落PCR方法鉴定阳性克隆
 - A.用10μl吸头挑选克隆至预先加有10μl无菌水或LB培养基的PCR管中,吹打混合
 - B.在25μl PCR反应体系中加入2μl细菌悬液为模板、加入5μM浓度的M13F(-21)和 M13R各1μl,进行PCR扩增。
- C.PCR扩增条件: 94℃预变性5分钟(裂解细胞,失活<mark>核酸酶),94℃变性10秒钟,55℃退火10秒钟</mark>(注:使用基因特异性引物做PCR鉴定时,退火温度则需按其最

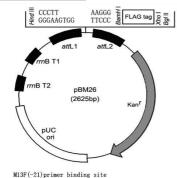


适温度进行调整),72℃延伸(根据片段的大小决定延伸时间,通常每1-2分/1kb), 30-35个循环,72℃后延伸5分钟。1%琼脂糖凝胶电泳分析扩增结果,有强烈的明 显条带的克隆为重组体,与插入片段大小相近(由于扩增引物在克隆位置的两侧, 所以PCR扩增出的DNA的长度比插入片段大325bp)可视为阳性克隆。菌落PCR方 法鉴定重组体时一定要设立一个不加菌液的阴性对照。

(2) 限制性酶切分析阳性克隆 挑取单菌落接种于3-5mL含卡那的LB培养液中,过夜培养,小量制备质粒, 参考pBM26图谱,选择合适的限制性内切酶(Hind I, BamH I, XhoI, BgIII), 酶切后电泳鉴定重组质粒。

(3) 测序: 用M13F(-21)和M13R对质粒进行测序分析。

pBM26 载体图谱



pBM26 sequence landmarks:

rrnB T2 transcription termination sequence: 268-295 rrnB T1 transcription termination sequence: 427-470 M13 Forward (-21) primer binding site: 536-553 attL1: 569-668(C) Cloning site:691 attl 2: 750-849 T7 primer binding site: 866-885(C) M13 reverse primer binding site: 890-906 Kanamycin resistance ORF: 1019-1826 pUC origin: 1949-2622

CGACGTTGTAAAACGACGGCCAGTCTTAAGCTCGGGCCCCAAATAATGATTTTATTTTGACTGATGTGACCTGTTCGTTGCAACAAATTGATGAGCAATGCTTTTT cloning site BamHI FLAG coding sequence TATANTGCCAACTTTGTACAAAAAAAGCAGGCTCCAAGCTTGTGTCGCCCCTTCACC\$\$\$\$AAGGGCGACCCGGATCCGACTACAAGGATGACGATGACAAGTAACTCGAG $ATATTACGGTTGAAACATGTTTTTTCGTCCGAGGTTCGAACACAGC \\ \underline{GGGAAGTGG}\$\$\$TTCCCGCTGGGCCTAGGCTGATGTTCCTACTGCTACTGTTCATTGAGCTCGAAGCTGGAACATGTTCATTGAGCTCGAAGCTGAAGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGCTGAAGC$

TCATCCAGCTGATATCCCCTATAGTGAGTCGTATTACATGGTCATAGCTGTTTCCTGGCAGCTCTGGCCCGTGTCTCA

T7 primer binding site M13R primer binding site

常见问题分析

重组子克降菌少,或阳性率低:

- (1)感受态效率低,使用转化效率>5×107cfu/μg 的感受态细胞。
- (2)连接反应不需在低温下(如放碎冰上)操作,应该在室温下操作。
- (3)PCR 片段加入量太多或太少, 按照推荐量加入。
- (4)PCR 回收产物纯度低,重新扩增或重新纯化 PCR 产物。
- (5)PCR 回收产物质量低,切胶时在紫外下照射时间长,需重新制备。
- (6)PCR 扩增结束后,应该再延伸 5-10 分钟,确保片段延伸完全。
- (7)转化后没有复苏培养,可以加入 SOC 或 LB,培养 60 分钟。



(8)克隆基因可能对宿主菌有毒性,比如某些编码膜蛋白和 DNA 结合蛋白的基因,某些启动子和调节序列基因,或含有倒置或串联重复序列的基因,选室温过夜培养平板。

载体序列

>pBM26 (2625bp)

GCCGCAGCCGAACGACCGAGCGCAGCGAGTCAGTGAGCGAGGAAGCGCGAAGAGCGCCCAATAC GCAAACCGCCTCTCCCCGCGCGTTGGCCGATTCATTAATGCAGCTGGCACGACAGGTTTCCCGACT GGAAAGCGGCAGTGAGCGCAACGCAATTAATACGCGTACCGCTAGCCAGGAAGAGTTTGTAGAA ACGCAAAAAGGCCATCCGTCAGGATGGCCTTCTGCTTAGTTTGATGCCTGGCAGTTTATGGCGGGC GTCCTGCCGCCACCCTCCGGGCCGTTGCTTCACAACGTTCAAATCCGCTCCCGGCGGATTTGTCC TACTCAGGAGAGCGTTCACCGACAAACAACAGATAAAACGAAAGGCC<mark>CAGTCTTCCGA</mark>CTGAGC TCACGACGTTGTAAAACGACGGCCAGTCTTAAGCTCGGGCCCCAAATAATGATTTTATTTTGACTGA TAGTGACCTGTTCGTTGCAACAAATTGATGAGCAATGCTTTTTTATAATGCCAACTTTGTACAAAAA AGCAGGCTCCAAGCTTGTGTCGCCCTTCACC\$\$\$<mark>AAGGG</mark>CGACACCGGATCCG<mark>ACTACAAGGATGA</mark> CGATGACAAGTAACTCGAGAGATCTGACCCAGCTTTCTTGTACAAAGTTGGCAT<mark>TATAAGAAAGCA</mark> TTGCTTATCAATTTGTTGCAACGAACAGGTCACTATCAGTCAAAATAAAATCATTATTTGCCATCCA GCTGATATCCCCTATAGTGAGTCGTATTACATGGTCATAGCTGTTTCCTGGCAGCTCTGGCCCGTGTC TCAAAATCTCTGATGTTACATTGCACAAGATAAAAATATATCATCATGAACAATAAAACTGTCTGCTT ACATAAACAGTAATACAAGGGGTGTTATGAGCCATATTCAACGGGAAACGTCGAGGCCGC<mark>GATTAA</mark> ATTCCAACATGGATGCTGATTTATATGGGTATAAATGGGCTCGCGATAATGTCGGGCAATCAGG<mark>TGC</mark> GACAATCTATCGCTTGTATGGGAAGCCCGATGCGCCAGAGTTGTTTCTGAAACATGGCAAAGGTAG CGTTGCCAATGATGTTACAGATGAGATGGTCAGACTAAACTGGCTGACGGAATTTATGCCTCTTCCG ACCATCAAGCATTTTATCCGTACTCCTGATGATGCATGGTTACTCACCACTGCGATCCCCGGAAAAA ${\tt CAGCATTCCAGGTATTAGAAGAATATCCTGATTCAGGTGAAAATATTGTTGATGCGCTGGCAGTGTT}$ CCTGCGCCGGTTGCATTCGATTCCTGTTTGTAATTGTCCTTTTAACAGCGATCGCGTATTTCGTCTCG CTCAGGCGCAATCACGAATGAATAACGGTTTGGTTGATGCGAGTGATTTTGATGACGAGCGTA<mark>ATG</mark> GCTGGCCTGTTGAACAAGTCTGGAAAGAAATGCATAAACTTTTGCCATTCTCACCGGATTCAGTCG TCACTCATGGTGATTTCTCACTTGATAACCTTATTTTTGACGAGGGGAAATTAATAGGTTGTATTGAT GTTGGACGAGTCGGAATCGCAGACCGATACCAGGATCTTGCCATCCTATGGAACTGCCTCGGTGAG TTTTCTCCTTCATTACAGAAACGGCTTTTTCAAAAATATGGTATTGATAATCCTGATATGAATAAATT GCAGTTTCATTTGATGCTCGATGAGTTTTTCTAATCAGAATTGGTTAATTGGTTGTAACACTGGCAG AGCATTACGCTGACTTGACGGGACGGCGCAAGCTCATGACCAAAATCCCTTAA<mark>CGTGAGTTACGC</mark> GTCGTTCCACTGAGCGTCAGACCCCGTAGAAAAGATCAAAGGATCTTCTTGAGATCCTTTTTTTCT AAGAGCTACCAACTCTTTTTCCGAAGGTAACTGGCTTCAGCAGAGCGCAGATACCAAATACTGTCC TTCTAGTGTAGCCGTAGTTAGGCCACCACTTCAAGAACTCTGTAGCACCGCCTACATACCTCGCTCT GCTAATCCTGTTACCAGTGGCTGCCAGTGGCGATAAGTCGTGTCTTACCGGGTTTGGACTCAAG ACGATAGTTACCGGATAAGGCGCAGCGGTCGGGCTGAACGGGGGGTTCGTGCACACAGCCCAGCT TGGAGCGAACGACCTACACCGAACTGAGATACCTACAGCGTGAGCATTGAGAAAGCGCCACGCTT CCCGAAGGGAGAAAGGCGGACAGGTATCCGGTAAGCGGCAGGGTCGGAACAGGAGAGCGCACG AGGGAGCTTCCAGGGGAAACGCCTGGTATCTTTATAGTCCTGTCGGGTTTCGCCACCTCTGACTT CTTTTTACGGTTCCTGGCCTTTTGCTGGCCTTTTGCTCACATGTT

BM190328