

pBM18A Toposmart 克隆试剂盒

(pBM18A Toposmart Cloning Kit)



产品信息:

	CL073-01	CL073-02
	(20次)	(20次x3)
pBM18A Vector (20ng/μl)	20μ1	20μl×3
10×Toposmart	20μ1	20μl×3
Control Insert LacZα	5μl	5μl
M13F(-47)Primer (使用前加45µl ddH2O)	0.1OD	0.10D×3
M13R(-48)Primer (使用前加45µl ddH2O)	0.1OD	0.1OD×3

保存条件: -20℃保存,有效期一年。

产品介绍:

pBM18ATopotsmart克隆试剂盒利用痘苗病毒的拓扑异构酶I(Topoisomerase I)的切割再连接的特点将片段克隆到载体中,不仅适用于克隆由Pfu、sPfu KOD、Xerox、Phusion和Q5等高保真DNA聚合酶扩增的平末端PCR产物,也可克隆由Taq、Taq plus、Tth和klenTaq等DNA聚合酶扩增的带A尾的PCR产物。阳性克隆可用M13F(-47)和M13R(-48)引物进行菌落PCR鉴定。载体不含LacZ基因,不能进行蓝白斑筛洗。

产品特点:

- (1) 连接反应仅需 5 分钟。
- (2) 适用于平末端 PCR 产物和带 A 尾的 PCR 产物。
- (3) 载体采用了新的制备工艺,零背景,无需蓝白斑筛选。
- (4) 克隆位点两旁都有 SmaI 和 EcoRV 酶切位点,适合单酶切鉴定。
- (5) 载体的多克隆位点两侧具有 SP6 和 T7 RNA 聚合酶启动子序列,可用于 体外 RNA 转录。
- (6) 载体具有氨苄青霉素抗性。

操作步骤

1.连接反应 按下表,在一个 0.2ml PCR 管中依次加入

成分	体积
DNA 片段	0.5-8µl
pBM18A Vector	1µl
10×Toposmart	1µl
补水至总体积	10µl

加完试剂后,轻轻<mark>混匀低速离心,使溶液</mark> 集中在管底。

注意: 此步骤不需要在低温条件下(冰水 浴)上操作。



2.反应温度及片段要求

室温下(20-30℃)放置 5-15 分钟,(推荐使用 PCR 仪控制温度。可以设置 25℃反应 5-15 分钟。如果 PCR 产物电泳检测仅有很锐利明亮的条带,无引物二聚体和非特异性条带存在,可直接取 1-3μl 的 PCR 产物原液进行克隆。)然后将离心管放置在冰上。如当天不进行转化实验。请将连接产物置于-20℃保存。

注意: DNA 片段的用量见下表

片段大小 (bp)	最佳用量(ng)
100-1000	20-50
1000-2000	50-100
2000-5000	100-200

3.阳性对照反应

取1 μ l试剂盒提供的1kb长度的对照Control Insert LacZ α 片段进行克隆,转化具有 α 互补功能的大肠杆菌感受态细胞(如DH5 α 、TOP10、Mach1-T1等)。菌液涂布在含有IPTG和X-gal的LB 氨苄平板上,次日蓝色菌落为阳性克隆,说明有片段插入,白色菌落为空载体。

4.转化

- (1)取 5µl 连接产物到 100µl 刚刚融化的感受态细胞中,轻轻混匀,冰浴 20-30分钟。
- (2) 42℃水浴中热击 30 秒。
- (3) 立刻置于冰水浴中 2 分钟。
- (4) 加入 900μl 无菌的不含抗生素的 SOC 或 LB, 37℃, 200rpm 振荡培养 60分钟。

注: 小于 2kb 片段可以不复苏,直接涂平板。

(5) 4000rpm 离心 1 分钟,去掉部分上清,保留 100μl 用移液器轻吹菌体,充分悬浮菌液,取全部菌液涂布,然后 37℃培养过夜(12-16 小时)。

5.阳性重组子的鉴定

菌落 PCR

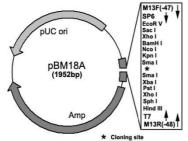
- (1) 菌落PCR方法鉴定阳性克隆
 - A.用10μl吸头挑选克隆至预先加有10μl无菌水或LB培养基的PCR管中,吹打混合。
 - B.25μl PCR反应体系: 取2μl细菌悬液为模板、加入5μM 浓度的M13F(-47)、



M13R(-48)各1µlPCR方法鉴定阳性克隆。

- C.PCR扩增条件: 95℃预变性5分钟(裂解细胞, 失活核酸酶),94℃变性10秒钟,55℃退火10秒钟,72℃延伸(根据片段的大小决定延伸时间,通常每1min/1kb) X秒,30个循环,72℃后延伸5分钟。1%琼脂糖凝胶电泳分析扩增结果,有强烈的明显条带的克隆为重组体,与插入片段大小相近(由于M13引物在克隆位置的两侧,所以PCR扩增出的DNA的长度比插入片段大29bp)可视为阳性克隆。菌落PCR方法鉴定重组子时一定要设立一个不加菌液的阴性对照。
- (2) 测序: 用M13F(-47)、M13R(-48)通用引物对阳性质粒进行测序分析。

pBM18A载体图谱



pBM18A sequence landmarks
M13F(-47) primer binding site:39-62
SP6 RNA polymerase promoter:94-112
SP6 RNA polymerase transcription initiation site:110
T7 RNA polymerase promoter:205-224
T7 RNA polymerase transcription initiation site:208
M13R(-48) primer binding site:246-267
Amplicillin resistance ORF:416-1276
pUC ori:1333-1937

常见问题分析

重组子克隆菌少,或阳性率低:

- (1) 感受态效率低,使用转化效率>5×107cfu/μg 的感受态细胞。
- (2) 连接反应不需在低温下(如放碎冰上)操作,应该在室温下操作。
- (3) PCR 片段加入量太多或太少,按照推荐量加入。
- (4) PCR 回收产物纯度低,重新扩增或重新纯化 PCR 产物。
- (5) PCR 回收产物质量低,切胶时在紫外下照射时间长,需重新制备。
- (6) PCR 扩增结束后,应该再延伸 5-10 分钟,确保片<mark>段延伸完全。</mark>
- (7) 转化后没有复苏培养,可以加入 SOC 或 LB,培养 60 分钟。
- (8) 克隆基因可能对宿主菌有毒性,比如某些编码膜蛋白和 DNA 结合蛋白的基因,某些启动子和调节序列基因,或含有倒置或串联重复序列的基因,选用室温过夜培养平板。



载体序列

>pBM18A (1952bp)

AAAGGCCCACCCGTGAAGGTGAGCCAGTGAGTTGATTGCGCCAG<mark>GGTTTTCCCA</mark>GTCACGACGTTGTA AAACGACGCCAGCCAATTGAAGCTATTTAGGTGACACTATAGAT<mark>ATCGAGCTCG</mark>AGGATCCATGGTA CCCGGGCGTGTCG<mark>CCCTT</mark>\$\$\$<mark>AAGGG</mark>CGACACGCCCGGGTCTAGACTGCAGCTCGAGGCATGCAAGCT TTGCCCTATAGTGAGTCGTATTACAATTCCATCCATAGCTGTTTCCTGTGTGAAATTGTTATCCGCGT CCATAGCAGAAAGTCAAAAGCCTCCGACCGGAGGCTTTTGACTTGATCGGCACGTAAGAGGTTCCAAC TTTCACCATAATGAAATAAGATCACTACCGGGCGTATTTTTTGAGTTATCGAGATTTTCAGGAGCTAA GGAAGCTAAAATGAGTATTCAACATTTCCGTGTCGCCCTTATTCCCTTTTTTGCGGCATTTTTGCCTTC CTGTTTTTGCTCACCCAGAAACGCTGGTGAAAGTAAAAGATGCTGAAGATCAG<mark>TTGGGTGCACGA</mark>GTG GGTTACATCGAACTGGATCTCAACAGCGGTAAGATCCTTGAGAGTTTTCGCCCCGAAGAACGTTTTCC AATGATGAGCACTTTTAAAGTTCTGCTATGTGGCGCGGTATTATCCCGTATTGACGCC<mark>CGGCAAGAGC</mark> AACTCGGTCGCCGCATACACTATTCTCAGAATGACTTGGTTGAGTACTCACCAGTCACAGAAAAGCAT CAACTTACTTCTGACAACGATCGGAGGACCGAAGGAGCTAACCGCTTTTTTTGCACAACATGGGGG<mark>ATC</mark> ${\sf CCGGCAACAATTAATAGACTGGATGGAGGCGGATAAAGTTGCAGGACCACTTCTGCGCTCGGCCCTTC}$ TGAACGAAATAGACAGATCGCTGAGATAGGTGCCTCACTGATTAAGCATTGGTAATGAGGGCCCAAAT CCTGACGAGCATCACAAAAATCGATGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCGACAGGACTATAAAGATA CCAGGCGTTTCCCCCTGGAAGCTCCCTCGTGCGCTCTCCTGTTCCGACCCTGCCGCTTACCGGATACC TGTCCGCCTTTCTCCCTTCGGGAAGCGTGGCGCTTTCTCATAGCTCACGCTGTAGGTATCTCAGTTCG GTGTAGGTCGTTCGCTCCAAGCTGGGCTGTGCACGAACCCCCCGTTCAGCCCCGACCGCTGCGCCTT ATCCGGTAACTATCGTCTTGAGTCCAACCCGGTAAGACACGACTTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTG GTAACAGGATTAGCAGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTGAAGTGGTGGCCTAACTAC GGCTACACTAGAAGAACAGTATTTGGTATCTGCGCTCTGCAAGCCAGTTACCTCGGAAAAAGAGTT TACGCGCAGAAAAAAAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATTTTCTACCGAAG

BM190328