

pUC57-simpleEVL Seamless cloning kit



产品信息:

组分	CL120-01 (20 次)	CL120-02 (20 次×3)
pUC57-simpleEVL (50ng/μl)	20μ1	20μl×3
2×Seamless Cloning Mix	100μ1	100μl×3

保存条件: -20℃保存一年

产品介绍:

区别于拓扑克隆、TA 载体克隆和酶切克隆等常规克隆方法,无缝克隆技术可在重组酶的作用下,只需一步反应,便可将片段克隆到任何载体中的任意位置,得到重组质粒。无缝克隆技术作为一种非常强大的克隆技术,具有快速、简便、高效、多片段组装和定向克隆等特点,用于单个 DNA 片段的克隆,多个 DNA 片段组装克降以及多位点突变构建等实验目的。

产品特点:

- 1.简单、快速、精确、定向克隆,连接过程只需要 15 分钟。
- 2.只需要简单的 PCR 扩增就可以制备片段和载体 DNA,不需要内切酶、连接酶和磷酸化酶。
- 3.可以克隆长片段 DNA。
- **4.**pUC57-simpleEVL 线性化载体,经特殊处理,零背景。

操作步骤:

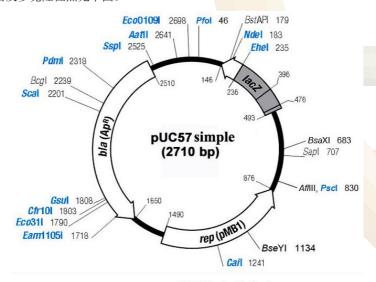
1.pUC57-simpleEVL 使用方法:

- (1) pUC5-simpleEVL当做克隆载体使用,只需要在扩增PCR产物的上游引物5°端添加序列CTTCGCGAATGCGTCGAGAT,在下游引物5°端添加序列CGTCGGTCCCGGCATCCGAT,就可以通过无缝连接到pUC57-simpleEVL中。
- (2) 测序引物

M13F(-47): CGCCAGGGTTTTCCCAGTCACGAC M13R(-48): GAGCGGATAACAATTTCACACAGG



(3)pUC57-simpleEVL 载体为 EcoRV 酶切后的线性化载体 pUC57-simpleEVL, 图谱及多克隆位点见下图。



M13F(-47) primer binding site

AAAGGGGGATGTGCTAGCAGGCGATTAAGTTGGGTAACGCCAGGGTTTTCCCAGTCACGACGTTGTAAAACGACGGCCAGT $\underbrace{EcoR}\mathbf{V}$

GGCGTAATCATGGTCATAGCTGTTTCCTGTGTGAAATTGTTATCCGCTCACAATTCCACACAACATACGAGCCGGAAGCAT

2.载体片段的重组连接

按下表,在一个 0.2ml PCR 管中依次加入

组分	体积
PCR产物 (50-100ng/µl)	1-4µl
pUC57-simpleEVL	1µl
2×Seamless Cloning Mix	5µl
补水至总体积	10µl

操作:轻轻混合,离心数秒。在PCR仪上50℃保温15分钟。反应结束后,将离心管置于冰上,等待细菌转化。 如暂时不转化细菌,可冻存于-20℃。

注意:

1.载体用量一般在50-100ng较好。载体和片段的摩尔比为1:1至1:3。片段小于



200bp时,片段用量可增加到载体的5倍量。

2.50℃反应时间不要超过60分钟。

3.转化

- (1) 取2-4µl连接产物加到刚刚化冻的感受态细<mark>胞中,轻轻混</mark>匀,冰水浴20-30分钟。
- (2) 42℃水浴热击90秒钟,切勿晃动水面。热击结<mark>束后立即置于冰水浴中保持</mark>2分钟。
- (3) 往管中加500μl的SOC或LB培养基,放入37℃摇床中200rpm左右培养60分钟。
- (4) 4000rpm离心1分钟,弃掉部分上清,保留100-200μl,用吸头轻轻吹打菌 块重悬细菌,取一半菌液涂布于含抗生素的LB固体培养平板上,待液体吸干后, 倒置平板,37℃培养过夜。

4.阳性克隆鉴定:

- (1) 菌落PCR方法:
- (2) 限制性酶切分析方法;
- (3) DNA测序分析方法。

5.pUC57-simple 载体序列:

TCGCGCGTTTCGGTGATGACGGTGAAAACCTCTGACACATGCAGCTCCCG GAGACGGTCACAGCTTGTCTGTAAGCGGATGCCGGGAGCAGACAAGCCC GCGCCATCAGAGCAGATTGTACTGAGAGTGCACCAGATGCGGTGTGAAAT ACCGCACAGATGCGTAAGGAGAAAATACCGCATCAGGCGCCATTCGCCAT TCAGGCTGCGCAACTGTTGGGAAGGGCGATCGGTGCGGGCCTCTTCGCTA TTACGCCAGCTGGCGAAAGGGGGATGTGCTGCAAGGCGATTAAGTTGGGT AACGCCAGGGTTTTCCCAGTCACGACGTTGTAAAACGACGCCAGTGAA TTGGAGATCGGTACTTCGCGAATGCGTCGAGATATCGGATGCCGGGACCG ACGAGTGCAGAGGCGTGCAAGCGAGCTTGGCGTAATCATGGTCATAGCT GTTTCCTGTGTGAAATTGTTATCCGCTCACAATTCCACACAACATACGAGC CATTAATTGCGTTGCGCTCACTGCCCGCTTTCCAGTCGGGAAACCTGTCGT GCCAGCTGCATTAATGAATCGGCCAACGCG<mark>CGGGGA</mark>GAGGCGGTTTGCGT ATTGGGCGCTCTTCCGCTTCGCTCACTGACTCGCTGCGCTCGGTCGTT CGGCTGCGGCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAGGCGGTAATACGGTTATC CACAGAATCAGGGGATAACGCAGGAAAG<mark>AACA</mark>TGTGAGCAAAAGGCCA GCAAAAGGCCAGGAACCGTAAAAAGGCC<mark>GCGTTGCT</mark>GGCGTTTTTCCAT



AGGCTCCGCCCCTGACGAGCATCACAAAAATCGACGCTCAAGTCAGA GGTGGCGAAACCCGACAGGACTATAAAG<mark>ATACCAGG</mark>CGTTTCCCCCTGGA AGCTCCCTCGTGCGCTCTCCTGTTCCGACCCTGCCGCTTACCGGATACCTG TCCGCCTTTCTCCCTTCGGGAAGCGTGGCGCTTTCTCATAGCTCACGCTGT AGGTATCTCAGTTCGGTGTAGGTCGTTCGCTCCAAGCTGGGCTGTGTGCA CGAACCCCCGTTCAGCCCGACCGCTGCGCCTTATCCGGTAACTATCGTCT TGAGTCCAACCGGTAAGACACGACTTATCGCCACTGGCAGCAGCCACTG GTAACAGGATTAGCAGAGCGAGGTATGTAGGCGGTGCTACAGAGTTCTTG AAGTGGTGGCCTAACTACGGCTACACTAGAAGA<mark>CAGTATTTG</mark>GTATCTG CGCTCTGCTGAAGCCAGTTACCTTCGGAAAAAGA<mark>GTTGGTAGCT</mark>CTTGAT CAGATTACGCGCAGAAAAAAGGATCTCAAGAAGATCCTTTGATCTTTTC TACGGGGTCTGACGCTCAGTGGAACGAAAACTCACGTTAAGGGATTTTGG TCATGAGATTATCAAAAAGGATCTTCACCTAGATCCTTTTAA<mark>ATTAAAAAT</mark> GAAGTTTTAAATCAATCTAAAGTATATATGAGTAAACTTGGTCTGACAGTT ACCAATGCTTAATCAGTGAGGCACCTATCTCAGCGATCTGTCTATTTCGTT CATCCATAGTTGCCTGACTCCCCGTCGTGTAGATAACTACGATACGGGAGG GCTTACCATCTGGCCCCAGTGCTGCAATGATACCGCGAGACCCACGCTCA CCGGCTCCAGATTTATCAGCAATAAACCAGCCAGCCGGAAGGGCCGAGC GCAGAAGTGGTCCTGCAACTTTATCCGCCTCCATCCAGTCTATTAATTGTT GCCGGGAAGCTAGAGTAGTTCGCCAGTTAATAGTTTGCGCAACGTT GTTGCCATTGCTACAGGCATCGTGGTGTCACGCTCGTCGTTTGGTATGGCT TCATTCAGCTCCGGTTCCCAACGATCAAGGCGAGTTACATGATCCCCCATG TTGTGCAAAAAAGCGGTTAGCTCCTTCGGTCCTCCGATCGTTGTCAGAAG TAAGTTGGCCGCAGTGTTATCACTCATGGTTATGGCAGCACTGCATAATTC TCTTACTGTCATGCCATCCGTAAGATGCTTTTCTGTGACTGGTGAGTACTC AACCAAGTCATTCTGAGAATAGTGTATGCGGCGACCGAGTTGCTCTTGCC CGGCGTCAATACGGGATAATACCGCGCCACATAGCAGAACTTTAAAAGTG CTCATCATTGGAAAACGTTCTTCGGGGCGAAAACTCTCAAGGATCTTACC GCTGTTGAGATCCAGTTCGATGTAACCCACTCGTGCACCCAACTGATCTTC AGCATCTTTACTTTCACCAGCGTTTCTGGGTGAGCAAAAACAGGAAGGC AAAATGCCGCAAAAAAGGGAATAAGGGCGACACGGAAATGTTGAATACT CATACTCTTCCTTTTTCAATATTATTGAAGCATTTATCAGGGTTATTGTCTCA CGCGCACATTTCCCCGAAAAGTGCCACCTGACGTCTAAGAAACCATTATT ATCATGACATTAACCTATAAAAATAGGCGTATCACGAGGCCCTTTCGTC