МИНОБРНАУКИ РОССИИ

ФЕДЕРАЛЬНОЕ ГОСУДАРСТВЕННОЕ АВТОНОМНОЕ ОБРАЗОВАТЕЛЬНОЕ УЧРЕЖДЕНИЕ ВЫСШЕГО ОБРАЗОВАНИЯ

«САНКТ-ПЕТЕРБУРГСКИЙ ПОЛИТЕХНИЧЕСКИЙ УНИВЕРСИТЕТ ПЕТРА ВЕЛИКОГО»

Институт Компьютерных наук и технологий Высшая школа искусственного интеллекта Направление 02.03.01 Математика и Компьютерные науки

Отчёт по дисциплине «Системы искусственного интеллекта »

Лабораторная работа №1 «Наивный Байесовский классификатор»

Студент.	Федотов Станислав Юрь	евич
Преподаватель:	Уткин Лев Владимир	ювич
	20	п

Содержание

Π	Постановка задачи		
1	Реализация наивного байесовского классификатора на Python		
2	Исс	следование зависимости точности классификатора от объема обучаю-	
	щеі	і выборки	6
	2.1	Реализация на языке R	6
		2.1.1 Пример обучающего множества Tic-Tac-Toe	6
		2.1.2 Пример обучающего множества о спаме e-mail	8
	2.2	Реализация на Python	10
		2.2.1 Пример обучающего множества Tic-Tac-Toe	10
		2.2.2 Пример обучающего множества MNIST	10
3	Ген	ерация точек	12
	3.1	Реализация на R	12
	3.2	Реализация на Python	
4	Кла	ассификатор для обучающего множества «Титаник»	17
	4.1	Реализация на R	17
	4.2	Реализация на Python	18
Зғ	клю	ч ение	19
П	РИ.Л	ЮЖЕНИЕ 1 (Кол класса NaiveBavesClassifier)	20

Постановка задачи

- 1. Исследовать, как объем обучающей выборки и количество тестовых данных влияет на точность классификации или на вероятность ошибочной классификации в примере крестики-нолики и примере о спаме e-mail сообщений.
- 2. Сгенерировать 100 точек с двумя признаками X1 и X2 в соответствии с нормальным распределением так, что первые 50 точек (class -1) имеют параметры: мат. ожидание X1 равно 10, мат. ожидание X2 равно 14, среднеквадратические отклонения для обе-их переменных равны 4. Вторые 50 точек (class +1) имеют параметры: мат. ожидание X1 равно 20, мат. ожидание X2 равно 18, среднеквадратические отклонения для обе-их переменных равны 3. Построить соответствующие диаграммы, иллюстрирующие данные. Построить байесовский классификатор и оценить качество классификации.
- 3. . Разработать байесовский классификатор для данных Титаник (Titanic dataset) https://www.kaggle.com/c/titanic

Классы:

survival Выжил (0 = No; 1 = Yes)

Признаки:

рсlass Класс каюты (1 = 1st; 2 = 2nd; 3 = 3rd)

 name
 Имя

 sex
 Пол

 age
 Возраст

sibsp Число братьев-сестер/муж-жена на борту

parch Число родителей/детей на борту

ticket Номер билета fare Стоимость билета

cabin Каюта

embarked Порт посадки (C = Cherbourg; Q = Queenstown; S = Southampton)

Специальные отметки:

Pclass: 1st Верхний; 2nd Средний; 3rd Нижний

Age – в годах; дробный, если возраст меньше одного года

1 Реализация наивного байесовского классификатора на Python

Для выполнения лабораторной работы был разработан наивный байесовский классификатор с использованием языка Python. Для реализации классификатора был создан класс NaiveBayesClassifier. Класс имеет три метода:

• __init__(target_index, alpha=1, window_size=0.5) - конструктор класса, создающий объект модели с заданными параметрами:

target index - индекс класса в векторе параметров,

alpha - параметр α , используемый в формуле для нахождения условной вероятности:

$$P(f_i \mid y = c) = \frac{M_i(c) + \alpha}{\sum_{j=1}^{m} (M_j(c) + \alpha)}$$

 $window_size$ - параметр h, используемый в формуле для нахождения оценки плотности для непрерывного случая:

$$p_h(x) = \frac{1}{2nh} \sum_{i=1}^{n} [|x - x_i| < h]$$

 train(data) - метод обучения модели. Вычисление априорных вероятностей каждого класса, вычисление условных вероятностей для каждого значения для каждого признака из обучающей выборки.

data - обучающая выборка.

• predicate(raw) - метод классификации входного объекта. На основе априорных и условных вероятностей вычисляется вероятность принадлежности объекта к каждому классу. Метод возвращает класс, имеющий наибольшую вероятность.

raw - вектор признаков входящего объекта.

Meтод predicate выполняется двумя способами:

1. С помощью перемножения всех условных вероятностей - predicate mult:

$$c_{\text{opt}} = \arg \max_{c \in C} \left(P(y = c) \prod_{i=1}^{m} P(f_i \mid y = c) \right)$$

2. С помощью суммирования логарифмов условных вероятностей - predicate log:

$$c_{\text{opt}} = \arg \max_{c \in C} \left(\log P(y = c) + \sum_{i=1}^{m} \log P(f_i \mid y = c) \right)$$

Для всех последующих примеров точность модели будет определяться с использование метода Shuffle-Split Cross-Validation: поступающая на вход выборка случайным образом перемешивается и разделяется на обучающую и тестовую наборы в соответствии с заданным параметром разбиения. Этот процесс повторяется K раз, и в конце вычисляется среднее значение метрик производительности модели, в контексте выполнения первой лабораторной работы - точность классификации.

Код Shuffle-Split Cross-Validation на Python

```
def cross_validation_accuracy(model, data, split_ratio=0.8, k=10):
    accuracy = 0
   for i in range(k):
        # Случаное перемешивание данных в датасете
        random.shuffle(data)
        # Разделение датасета на обучающую и тестирующую выборку
        split_index = int(len(data) * split_ratio)
        train_data = data[:split_index]
        test_data = data[split_index:]
        # Тренировка модели
        model.train(train_data)
        # Тестирование модели
        count = 0
        for test in test_data:
            if model.predicate_log(test[:model.target_index] +
            test[model.target_index + 1:]) == test[model.target_index]:
                count += 1
        accuracy += count / len(test_data)
    return accuracy / k
```

2 Исследование зависимости точности классификатора от объема обучающей выборки

2.1 Реализация на языке R

2.1.1 Пример обучающего множества Тіс-Тас-Тое

```
library(e1071)
# Импортир данных в R.
A_raw <- read.table("R_files\\lab1\\Tic_tac_toe.txt", sep = ",",</pre>
stringsAsFactors = TRUE)
# Число строк в датасете n = 958.
n \leftarrow dim(A_raw)[1]
# Создание обучающей и тестирующей выборки.
# Для примера используем 80% для обучения и оставшиеся - для тестирования.
# Установка базы генерации случайных чисел и рандомизация выборки.
set.seed(12345)
A_rand <- A_raw[ order(runif(n)), ]
# Разделение данных на обучающие и тестирующие.
nt <- as.integer(n*0.8)</pre>
A_train <- A_rand[1:nt, ]
A_test <- A_rand[(nt+1):n, ]
# Можно убедиться, какой имеется процент каждого
# класса V2 в обучающей и тестирующей выборке
prop.table(table(A_train$V10))
negative positive
0.3524804 0.6475196
prop.table(table(A_test$V10))
negative positive
0.3229167 0.6770833
# Использование Наивного Байесовского классификатора из пакета е1071
A_classifier <- naiveBayes(A_train[,-10], A_train$V10)
# Оценка полученной модели:
A_predicted <- predict(A_classifier, A_test)</pre>
# Используем table для сравнения прогнозируемых значений с тем, что есть
table(A_predicted, A_test$V10)
A_predicted negative positive
                            20
   negative
                  22
   positive
                  40
                           110
#Вычислим точность
> result <- table(A_predicted, A_test$V10)</pre>
> accuracy <- sum(diag(result)) / sum(result)</pre>
```

> accuracy [1] 0.6875

На диаграмме, представленной на рис. 1, отображается зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки. Из анализа графика можно выделить следующие наблюдения: наихудшие результаты точности классификации достигаются при доле обучающей выборки менее 0.3 и в интервале [0.8, 0.85]. В промежутке [0.3, 0.8] точность классификации находится на среднем уровне. Лучшие результаты точности достигаются при доле обучающей выборки в пределах [0.85, 0.9]. Среднее значения точности классификатора - 0.693. Максимальное значение - 0.739 достигается при доле обучающей выборки равной 0.19.

Зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки

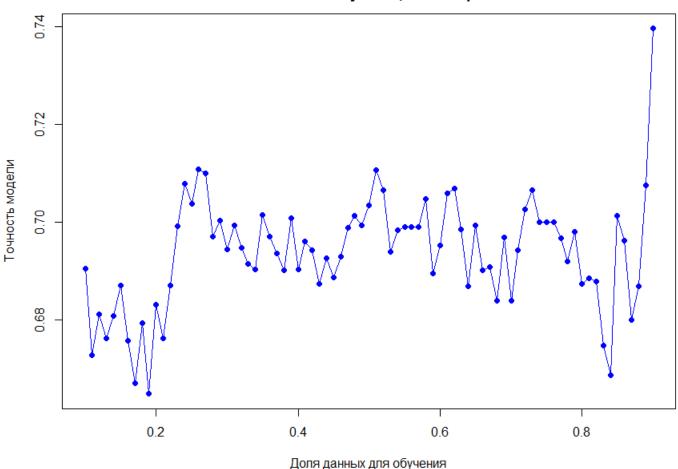


Рис. 1 – Зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки

2.1.2 Пример обучающего множества о спаме e-mail

```
library(e1071)
library(kernlab)
library(e1071)
data(spam)
#Общее количество сообщений n=4601
n<-dim(spam)[1]
#Количество обучающих данных
x < -c(x, 0.9)
nt <- as.integer(n*(0.9))
#Случайным образом выбираем сообщения для тестирования
idx <- sample(1:dim(spam)[1], n-nt)</pre>
spamtrain <- spam[-idx, ]</pre>
spamtest <- spam[idx, ]</pre>
# Построение классификатора
model <- naiveBayes(type ~ ., data = spamtrain)</pre>
result <- table(predict(model, spamtest), spamtest$type)</pre>
# Точность модели
accuracy <- sum(diag(result)) / sum(result)</pre>
accuracy
[1] 0.7245119
```

На диаграмме, представленной на рис. 2, отображается зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки. Из анализа графика можно выделить, что для данной модели объем обучающей выборки на промежутке [0.1, 0.9] не коррелирует с точностью классификации. Среднее значение точности классификации - 0.707, минимальное значение - 0.665 достигается при доле обучающей выборки 0.11, максимальное значение - 0.748 достигается при доле обучающей выборке 0.58.

Зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки

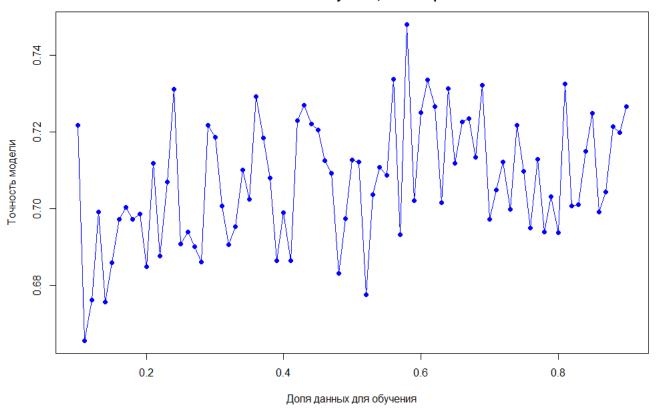


Рис. 2 – Зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки

2.2 Реализация на Python

2.2.1 Пример обучающего множества Тіс-Тас-Тое

На диаграмме, представленной на рис. 3, отображается зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки. Из анализа графика сложно выделить зависимости точности от объема обучающей выборки. Среднее значение точности - 0.654732, минимальное значение - 0.641973 достигается при доле обучающей выборки 0.86, максимальное значение - 0.661783. достигается при доле обучающей выборке 0.92.

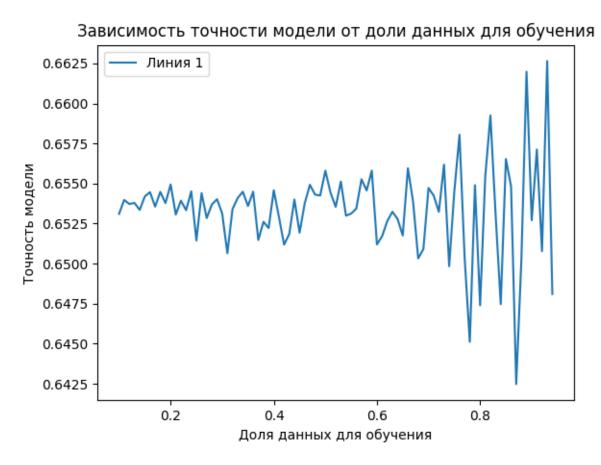


Рис. 3 – Зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки

2.2.2 Пример обучающего множества MNIST

Так как предыдующие примеры не смогли отразить зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки, было принято решение исследовать более сложную выборку с большим количеством обучающих данных - 60000. MNIST (Modified National Institute of Standards and Technology database) - это набор данных, который состоит из изображений, представляющих цифры от 0 до 9, написанных от руки.

На диаграмме, представленной на рис. 4, отображается зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки. Из анализа графика можно выделить линейную зависимость точности классификации выборки от объема обучающей выборки. Максимальное значение точности классификации - 0.6805 достигается при доле данных для обучения - 0.95.

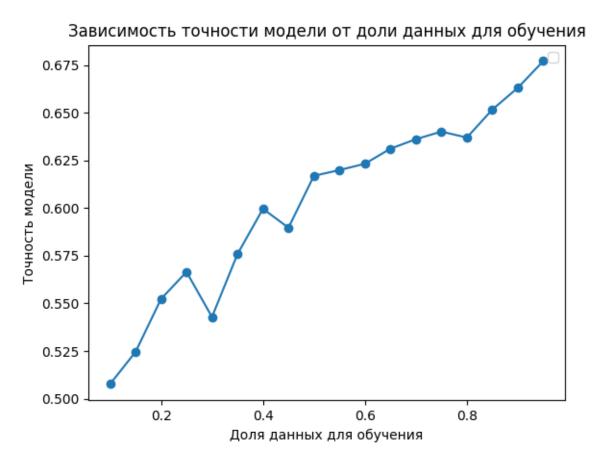


Рис. 4 – Зависимость точности классификатора от объема обучающей выборки

3 Генерация точек

3.1 Реализация на R

```
#Генерация точек для класса 1
random_X1 \leftarrow rnorm(50, mean = 10, sd = 4)
random_X2 \leftarrow rnorm(50, mean = 14, sd = 4)
data_class1 <- cbind(random_X1, random_X2)</pre>
data_class1 <- cbind(data_class1, -1)</pre>
#Генерация точек для класса 2
random_X1 \leftarrow rnorm(50, mean = 20, sd = 3)
random_X2 \leftarrow rnorm(50, mean = 18, sd = 3)
data_class2 <- cbind(random_X1, random_X2)</pre>
data_class2 <- cbind(data_class2, 1)</pre>
#Формирование обучающей выборки
train_data <- rbind(data_class1, data_class2)</pre>
train_data <- train_data[sample.int(nrow(train_data)), ]</pre>
library(e1071)
#Обучение модели
model <- naiveBayes(train_data[,-3], train_data[,3])</pre>
#Формирование тестирующей выборки
random_X1 \leftarrow rnorm(50, mean = 10, sd = 4)
random_X2 \leftarrow rnorm(50, mean = 14, sd = 4)
data_class1 <- cbind(random_X1, random_X2)</pre>
data_class1 <- cbind(data_class1, -1)</pre>
random_X1 \leftarrow rnorm(50, mean = 20, sd = 3)
random_X2 \leftarrow rnorm(50, mean = 18, sd = 3)
data_class2 <- cbind(random_X1, random_X2)</pre>
data_class2 <- cbind(data_class2, 1)</pre>
test_data <- rbind(data_class1, data_class2)</pre>
test_data <- test_data[sample.int(nrow(test_data)), ]</pre>
# Классификация
```

```
predicted <- predict(model, test_data[,-3])
result <- table(predicted, test_data[,3])
# Точность модели
accuracy <- sum(diag(result)) / sum(result)
accuracy
[1] 0.92</pre>
```

После нескольких запусков алгоритма была вычислена средняя точность классификатора - 0.94.

На рис. 5 отображен пример распределения сгенерированных точек для обучающей выборки.

Сгенерированные точки

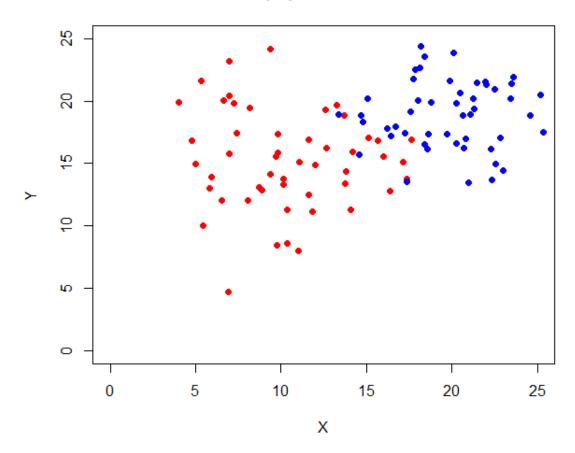


Рис. 5 – Распределение сгенерированных точек для обучающей выборки

На рис. 6 отображен пример распределения сгенерированных точек для тестовой выборки.

Сгенерированные точки

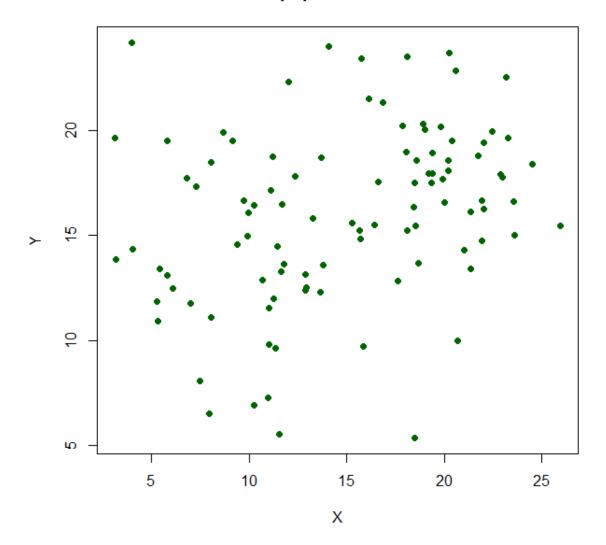


Рис. 6 – Распределение сгенерированных точек для тестовой выборки

3.2 Реализация на Python

```
points_train = []

# Γεμεραμια πονεκ δια κιασσα 1

X1 = norm(loc=10, scale=4)

X2 = norm(loc=14, scale=4)

for i in range(100):
    point = [X1.rvs(), X2.rvs(), -1]
    points_train.append(point)

X1 = norm(loc=20, scale=3)

X2 = norm(loc=18, scale=3)

# Γεμεραμια πονεκ δια κιασσα 2
```

```
for i in range(100):
    point = [X1.rvs(), X2.rvs(), 1]
    points_train.append(point)

# Определние модели модели
model = NaiveBayesClassifier(2, window_size=3)

# Алгоримм кросс-валидации
acc = cross_validation_accuracy(model, points_train, split_ratio=0.5, k=100)

print(acc) # 0.937
```

После нескольких запусков алгоритма была вычислена средняя точность классификатора - 0.92. Снижение точности, по сравнению с реализацией классификатора на языке R, можно объяснить использованием алгоритма кросс-валидации для оценки точности классификации модели.

На рис. 7 отображен пример распределения сгенерированных точек для обучающей выборки.

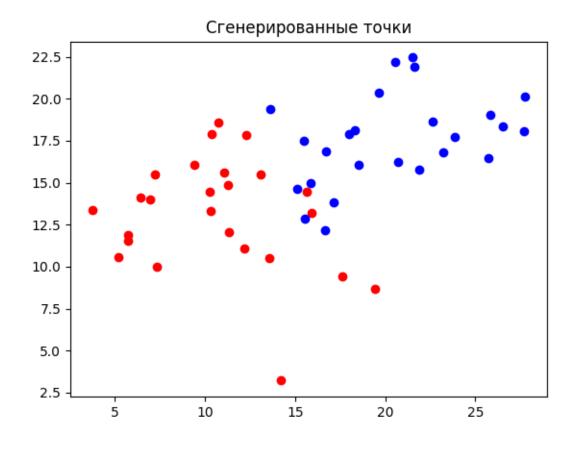


Рис. 7 – Распределение сгенерированных точек для обучающей выборки

На рис. 8 отображен пример распределения сгенерированных точек для тестовой выборки.

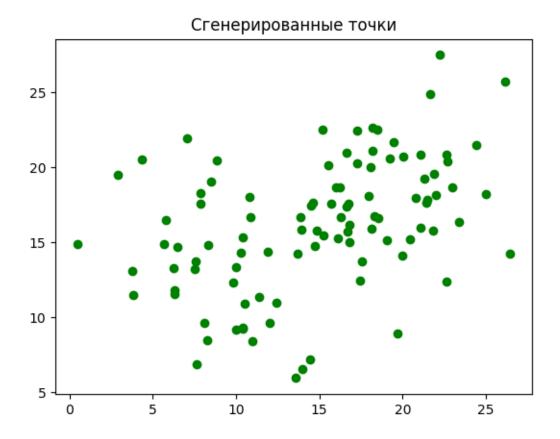


Рис. 8 – Распределение сгенерированных точек для тестовой выборки

4 Классификатор для обучающего множества «Титаник»

4.1 Реализация на R

```
# Импорт обучающей выборки
train <- read.csv("R_files\\lab1\\Titanic_train.csv", header = TRUE)</pre>
# Объединяем имя и фамилию в один столбец
train <- data.frame(do.call(rbind, strsplit(as.character(train$PassengerId), ",")))</pre>
train$Name <- paste(train$X4, train$X5, sep = " ")</pre>
# Удаляем столбцы Х4 и Х5
train <- train[, !(names(train) %in% c("X4", "X5"))]</pre>
colnames(train) <- c("PassengerId", "Survived", "Pclass", "Sex", "Age",</pre>
"SibSp", "Parch", "Ticket", "Fare", "Cabin", "Embarked", "Name")
# Импорт тестирующей выборки
test <- read.csv("R_files\\lab1\\Titanic_test.csv", header = TRUE)</pre>
test <- data.frame(do.call(rbind, strsplit(as.character(test$PassengerId),</pre>
",")))
test$Name <- paste(test$X4, test$X5, sep = " ")</pre>
test <- test[, !(names(test) %in% c("X4", "X5"))]
colnames(test) <- c("PassengerId", "Pclass", "Sex", "Age", "SibSp", "Parch",</pre>
"Ticket", "Fare", "Cabin", "Embarked", "Name")
library(e1071)
# Построение модели
model <- naiveBayes(train, train$Survived)</pre>
# Классификация
result <- predict(model, test)</pre>
data <- data.frame(PassengerId = 892:1309, Survived = result)</pre>
# Вывод данных в файл
write.csv(data, "R_files\\Titanic_result.csv", row.names = FALSE)
```

Полученные результаты были загружены на сайт https://www.kaggle.com/c/titanic, точность классификатора была оценена на 69.61%.

4.2 Реализация на Python

```
train_file_path = 'Titanic_train.csv'
test_file_path = 'Titanic_test.csv'
result_file_path = 'Titanic_result.csv'
# Импорт обучающей выборки с типизацией
titanic_train = CSVReader.read_csv(train_file_path, [int, int, str, str,
float, int, int, str, float, str, str], head=False)
# Определение модели
model = NaiveBayesClassifier(1)
# Обучение модели
model.train(titanic_train)
# Импорт тестирующей выборки выборки с типизацией
titanic_test = CSVReader.read_csv(test_file_path,
                                   [int, int, int, str, str, float, int, int,
                                   str, float, str, str], head=False)
# Формирование результата
results = [["PassengerId", "Survived"]]
for test in titanic_test:
    id = test[0]
    result = model.predicate_mult(test)
    results.append([id, result])
# Запись результата в файл
with open(result_file_path, 'w', newline='') as csvfile:
    csv_writer = csv.writer(csvfile)
    for row in results:
        csv_writer.writerow(row)
```

Полученные результаты были загружены на сайт https://www.kaggle.com/c/titanic, точность классификатора была оценена на 71.052%

Заключение

В данной лабораторной работе был реализован наивный байевоский классификатор на языке Python, также был реализован алгоритм Shuffle-Split Cross-Validation для измерения точности классификации модели.

Реализованный на Python классификатор был исследован на 4 наборах данных: Тіс Тас Тое, MNIST, сгенерированное согласно нормальному распределению множество точек, Тіtanіс. Показатели точности классификации соответственно:

- Tic Tac Toe 66.17%
- MNIST 68.05
- Сгенерированное согласно нормальному распределению множество точек 92%
- Titanic 71.052%

Также было проведено исследование классификатора, реализованного на языке R, на 4 наборах данных: Тіс Тас Тое, spam, сгенерированное согласно нормальному распределению множество точек, Titanic. Показатели точности классификации соответственно:

- Tic Tac Toe 73.9%
- spam 74.8
- Сгенерированное согласно нормальному распределению множество точек 94%
- Titanic 69.61%

Различие в точности между двумя вариантами классификатора можно объяснить разными способами измерения точности классификации.

Было проведено исследование влияния размера обучающей выборки на точность классификации с использованием трех наборов данных: Тіс Тас Тое, spam и MNIST. Для Тіс Тас Тое и spam из-за ограниченного объема обучающих данных не удалось выявить общей тенденции в зависимости точности от размера выборки. В случае датасета MNIST была обнаружена линейная зависимость точности классификации от объема обучающей выборки.

ПРИЛОЖЕНИЕ 1 (Код класса NaiveBayesClassifier)

```
class NaiveBayesClassifier:
    def __init__(self, target_index, alpha=1, window_size=0.5):
        self.alpha = alpha
        self.window_size = window_size
        self.target_index = target_index
    def train(self, data):
        self.sample_size = len(data)
        self.feature_size = len(data[0])
        self.conditional_probabilities = [{} for _ in range(self.feature_size)]
        self.prior_probabilities = {}
        for i in range(self.feature_size):
            for j in range(self.sample_size):
                if i != self.target_index:
                    if isinstance(data[j][i], (int, float)):
                        data[j][i] =
                        self._approximate_value(self.conditional_probabilities
                        [i], data[j][i])
                    if data[j][i] not in self.conditional_probabilities[i]:
                        self.conditional_probabilities[i][data[j][i]] = {}
                    target_data = data[j][self.target_index]
                    if target_data in self.conditional_probabilities[i]
                    [data[j][i]]:
                        self.conditional_probabilities[i][data[j][i]]
                        [target_data] += 1
                    else:
                        self.conditional_probabilities[i][data[j][i]]
                        [target_data] = 1
                else:
                    target_data = data[j][self.target_index]
                    if target_data in self.prior_probabilities:
                        self.prior_probabilities[target_data] += 1
                    else:
                        self.prior_probabilities[target_data] = 1
        del self.conditional_probabilities[self.target_index]
        for feature in self.conditional_probabilities:
            for target_key in feature.keys():
                for target_value in feature[target_key].keys():
```

```
feature[target_key][target_value] = \
                    (feature[target_key][target_value] + self.alpha) /
                    (self.sample_size + self.alpha)
   self.prior_probabilities = {key: value / len(data) for key, value in
   self.prior_probabilities.items()}
def _approximate_value(self, map, value):
   close_value = [key for key in map.keys() if value - self.window_size
   <= key <= value + self.window_size]
    if close_value:
       value = close_value[0]
   return value
def predicate_mult(self, raw):
    final_probabilities = dict(self.prior_probabilities)
   for target_value in self.prior_probabilities.keys():
       p = self.prior_probabilities[target_value]
        for i in range(len(raw)):
            try:
                if isinstance(raw[i], (int, float)):
                    raw[i] =
                    self._approximate_value(self.conditional_probabilities
                    [i], raw[i])
                p *= self.conditional_probabilities[i][raw[i]][target_value]
            except KeyError:
                p *= self.alpha / (self.sample_size + self.alpha)
        final_probabilities[target_value] = p
   return max(final_probabilities, key=final_probabilities.get)
def predicate_log(self, raw):
   final_probabilities = dict(self.prior_probabilities)
   for target_value in self.prior_probabilities.keys():
       p = log(self.prior_probabilities[target_value])
        for i in range(len(raw)):
            try:
                if isinstance(raw[i], (int, float)):
                    raw[i] =
                    self._approximate_value(self.conditional_probabilities
                    [i], raw[i])
                p += log(self.conditional_probabilities[i][raw[i]][target_value])
            except KeyError:
                p += log(self.alpha / (self.sample_size + self.alpha))
```

```
final_probabilities[target_value] = p
return max(final_probabilities, key=final_probabilities.get)
```