

Références croisées sur un ensemble de fichier C++

1 Spécifications

Le but du programme est de permettre de retrouver les emplacements d'identificateurs dans une collection de fichiers. L'emplacement de chaque occurrence sera désigné par le nom du fichier ainsi que le numero de ligne où elle a été rencontrée. On ne considèrera pas la position sur la ligne.

Dans le cas où un identificateur apparaîtrait plusieurs fois sur une même ligne, nous avons pris la décision d'afficher la ligne concernée une fois par occurrence. Etant donné qu'un même identificateur ne devrait pas être présent de trop nombreuses fois sur une même ligne, nous avons jugé que cette présentation ne nuirait pas à la lisibilité de notre programme.

1.1 Définition du vocabulaire

- **ligne** : On considèrera une ligne comme une suite de caractères terminée par un retour chariot
- **Identificateur** : C'est un mot sensible à la casse composé uniquement de caractères alphanumériques et du caractère '.'. Les identificateurs présents dans des commentaires ou des chaînes littérales ne seront pas pris en compte.
- **Déliminateur** : C'est un unique caractère qui représente une séparation entre deux mots
- **Référence croisée** : Une référence croisée est une occurrence d'un identificateur

1.2 Spécifications des options

tp_stl [-e] [-k *fichier_mot_clef*] [*nom_fichier*]+

-e : Permet d'inverser le comportement par défaut du programme. Elle exclut de la référence croisée tous les mots clefs

-k *fichier_mot_clef* : Permet de spécifier au programme une liste de mot clef à rechercher pour la référence croisée

nom_fichier : Chemin d'un fichier où chercher les références des identificateurs

1.3 Identification des classes

1.3.1 Structure pour stocker les mots clefs

Besoins utilisateurs : Les mots clefs sont stockés dans un fichier. Pour en faciliter l'accès dans le programme nous souhaitons les charger en mémoire. Ce

pose alors la question du choix de la structure de donnée pour les contenir ?

Nous avons besoins d'une structure permettant de nous dire facilement si un mot clef est présent ou non dans la structure de données. Un mot clef ne peut être présent qu'une seule fois dans la structure, car les doublons n'ont pas de sens dans ce problème. De plus l'ordre n'a que peu d'importance.

Nous avons donc besoin uniquement de connaître rapidement la présence ou non d'un mot clef.

Analyse d'une liste : Comme nous l'avons vu dans nos besoins, seul l'accès en lecture nous intéresse. Une liste est une structure plate, c'est à dire qu'il n'y a qu'une direction possible. Dans le pire des cas il nous faut donc parcourir tous les éléments de la liste pour savoir si le mot clef est présent. La complexité d'une telle structure pour la recherche est donc linéaire ($O(n)$).

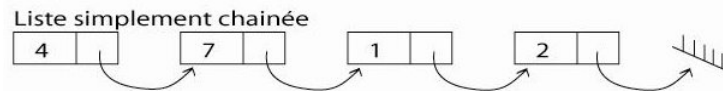


FIGURE 1 – Liste chaînée

Analyse d'un arbre : Un arbre est une structure possédant plusieurs directions. De plus si l'on utilise un arbre binaire le choix de la direction est déterminé par le noeud courant et la valeur que l'on cherche.

Dans le pire des cas, si l'arbre n'est pas isométrique il faut parcourir tous les noeuds pour savoir si la clef est présente ou non. Par contre dans les cas moyen avec un arbre équilibré la recherche se fait en $\log(n)$.

Choix de la structure : Une structure en arbre nous semble plus adapté car nous souhaitons favoriser la recherche. Dans les cas moyens la liste reste en complexité linéaire tandis qu'un arbre est de complexité logarithmique.

Nous avons donc décidé de stocker la liste des mots clefs dans une structure sous forme d'arbre.

1.4 Structure pour stocker les identifiants

Besoins : Chaque identificateur présents dans la collection de fichier(s) doit être stocké en mémoire avec la liste de ses occurrences. Un identificateur a donc une clef (lui même) et une valeur (sa liste d'occurrence). Nous souhaitons optimiser l'insertion et la lecture des valeurs des identificateurs. On se pose alors la question du choix de la structure de donnée à adopter.

Choix d'un arbre rouge et noir :

choix d'une table de hash :

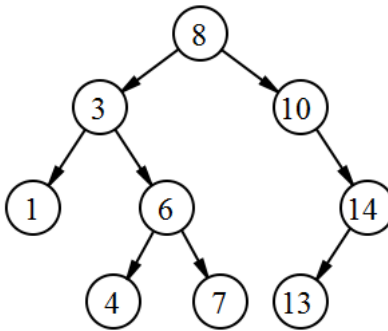


FIGURE 2 – Arbre binaire

1.5 Plan des tests fonctionnels