



## Description du contenu de l'export

---

Votre recherche.....	2
Description du fichier "Stations" .....	3
Description du fichier "Operations" .....	5
Description du fichier "RésultatsBiologiques" .....	7
Description du fichier "ListesFauneFlore" .....	8
Description du fichier "ConditionsEnvironnementales" .....	9
Annexes .....	10

## Votre recherche

**Thématique :** HYDROBIOLOGIE

**Format d'export :** CSV

**Date de réalisation du fichier :** 31/08/2018

**Requête :** Export des données France Entière sur le compartiment hydrobiologique

**URL :** <http://naiades.eaufrance.fr/france-entiere>

## Description du fichier "Stations"

Libellé de la colonne	Type	Description
<b>CdStationMesureEauxSurface</b>	Code Sandre	Code de la station de mesure: Identifiant de la station de mesure dans le référentiel national Sandre  Champ permettant d'effectuer une jointure avec les autres fichiers
<b>LbStationMesureEauxSurface</b>	Texte	<a href="#">Libellé national de la station de mesure</a>
<b>DurStationMesureEauxSurface</b>	Numérique	<a href="#">Dureté moyenne de l'eau</a>
<b>CoordXStationMesureEauxSurface</b>	Numérique	<a href="#">Coordonnée X du point caractéristique de la station de mesure</a>
<b>CoordYStationMesureEauxSurface</b>	Numérique	<a href="#">Coordonnée Y du point caractéristique de la station de mesure</a>
<b>CdProjStationMesureEauxSurface</b>	Texte	Code du <a href="#">type de projection des coordonnées de la station de mesure</a>
<b>LibelleProjection</b>	Texte	Libellé du <a href="#">type projection des coordonnées de la station de mesure</a>
<b>CodeCommune</b>	Code INSEE	<a href="#">Code INSEE de la commune</a>
<b>LbCommune</b>	Texte	<a href="#">Nom de la commune d'implantation</a>
<b>CodeDepartement</b>	Code INSEE	<a href="#">Code INSEE du département</a>
<b>LbDepartement</b>	Texte	<a href="#">Nom du département</a>
<b>CodeRegion</b>	Code INSEE	<a href="#">Code INSEE de la région</a>
<b>LbRegion</b>	Texte	<a href="#">Nom INSEE de la région</a>
<b>CdMasseDEau</b>	Code Sandre	<a href="#">Code national de la masse d'eau de la station de mesure</a>
<b>CdEuMasseDEau</b>	Code	<a href="#">Code européen de la masse d'eau</a>
<b>NomMasseDEau</b>	Texte	<a href="#">Nom de la masse d'eau</a>
<b>CdEuSsBassinDCEAdmin</b>	Code Européen	<a href="#">Code européen</a> du <a href="#">sous-bassin DCE administratif</a>
<b>NomSsBassinDCEAdmin</b>	Texte	<a href="#">Nom du sous bassin DCE administratif</a>
<b>CdBassinDCE</b>	Code National	<a href="#">Code national</a> du <a href="#">bassin DCE</a>
<b>CdEuBassinDCE</b>	Code Européen	<a href="#">Code européen</a> du <a href="#">bassin DCE</a>
<b>NomEuBassinDCE</b>	Texte	<a href="#">Nom du bassin DCE</a>
<b>CdTronconHydrographique</b>	Texte	<a href="#">Code</a> du <a href="#">tronçon hydrographique</a> associé à la station
<b>CdCoursdEau</b>	Texte	<a href="#">Code</a> de <a href="#">l'entité hydrographique</a> identifié comme <a href="#">cours d'eau</a> du tronçon hydrographique de la station

Libellé de la colonne	Type	Description
NomCoursdEau	Texte	<a href="#">Nom principal</a> de <a href="#">l'entité hydrographique</a> identifié comme <a href="#">cours d'eau</a> du tronçon hydrographique de la station
CodeTypEthStationMesureEauxSurface	Texte	<a href="#">Type d'entité hydrographique</a> de la station de mesure
LibelleTypEthStationMesureEauxSurface	Texte	<a href="#">Type d'entité hydrographique</a> de la station de mesure
ComStationMesureEauxSurface	Texte	<a href="#">Commentaire sur la station de mesure</a>
DateCreationStationMesureEauxSurface	Date	<a href="#">Date de création de la station de mesure</a>
DateArretActiviteStationMesureEauxSurface	Date	<a href="#">Date d'arrêt d'activité de la station de mesure</a>
DateMAJInfosStationMesureEauxSurface	Date	<a href="#">Date de mise à jour des informations sur la station de mesure</a>
FinaliteStationMesureEauxSurface	Texte	<a href="#">Finalité de la station</a>
LocPreciseStationMesureEauxSurface	Texte	<a href="#">Localisation précise de la station de mesure</a>
CodeNatureStationMesureEauxSurface	Code Sandre	<a href="#">Code de la nature de la station de mesure</a>
LibelleNatureStationMesureEauxSurface	Texte	<a href="#">Nature de la station de mesure</a>
LibelleNatureStationMesureEauxSurface	Texte	<a href="#">Nature de la station de mesure</a>
AltitudePointCaracteristique	Numérique	<a href="#">Altitude du point caractéristique de la station de mesure</a>
PkPointTronconEntiteHydroPrincipale	Numérique	<a href="#">Pk du point caractéristique sur le tronçon de l'entité hydrographique principale</a>
PremierMoisAnneeEtiage	Numérique	<a href="#">Premier mois de l'année d'étiage de la station</a>
SuperficieBassinVersantReel	Numérique	<a href="#">Superficie du bassin versant réel</a>
SuperficieBassinVersantTopo	Numérique	<a href="#">Superficie du bassin versant topographique</a>

## Description du fichier "Operations"

Libellé de la colonne	Type	Description
<b>CdStationMesureEauxSurface</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de la <a href="#">station de mesure</a> : Identifiant de la station de mesure dans le référentiel national Sandre  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les autres fichiers</b>
<b>LbStationMesureEauxSurface</b>	Texte	<a href="#">Libellé national de la station de mesure</a>
<b>CdPointEauxSurf</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> du <a href="#">point de prélèvement</a> de l'opération de prélèvement hydrobiologique
<b>CdSupport</b>	Code Sandre	<a href="#">Code Sandre du support</a> de l'opération de prélèvement biologique <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers ResultatsBiologiques, ListesFauneFlore et ConditionsEnvironnementales</b>
<b>LbSupport</b>	Texte	<a href="#">Nom du support</a>
<b>CdMethode</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de la <a href="#">méthode de l'opération de prélèvement</a>
<b>NomLongMethodePrel</b>	Texte	<a href="#">Nom de la méthode de prélèvement</a>
<b>DateDebutOperationPrelBio</b>	Date	<a href="#">Date du début de l'opération de prélèvement biologique</a> . <b>Champ permettant une jointure avec les fichiers ResultatsBiologiques, ListesFauneFlore et ConditionsEnvironnementales</b>
<b>HeureDebutOperationPrelBio</b>	Heure	<a href="#">Heure du début de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>DateFinOperationPrelbio</b>	Date	<a href="#">Date de la fin de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>HeureFinOperationPrelBio</b>	Heure	<a href="#">Heure de la fin de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>CdProducteur</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de l' <a href="#">intervenant</a> producteur du prélèvement  Note : précision sur la notion de producteur à venir dans le Sandre. Le producteur représente le maître d'ouvrage, ou le commanditaire de la donnée et prend la responsabilité d'accepter la donnée
<b>NomProducteur</b>	Texte	<a href="#">Nom de l'intervenant</a> producteur de l'opération de prélèvement biologique  Note : précision sur la notion de producteur à venir dans le Sandre. Le producteur représente le maître d'ouvrage, ou le commanditaire de la donnée et prend la responsabilité d'accepter la donnée
<b>CdPreleveur</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de l' <a href="#">intervenant</a> ayant effectué l'opération de prélèvement biologique

Libellé de la colonne	Type	Description
NomPreleveur	Texte	<a href="#">Nom de l'intervenant</a> ayant effectué l'opération de prélèvement biologique
CdDetermineur	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de <a href="#">l'intervenant</a> ayant réalisé la détermination taxonomique de l'opération de prélèvement biologique
NomDetermineur	Texte	<a href="#">Nom de l'intervenant</a> ayant réalisé la détermination taxonomique de l'opération de prélèvement biologique
CodeSandreRdd	Code Sandre	<a href="#">Code</a> du/des <a href="#">réseau de mesure</a> de rattachement de l'opération de prélèvement  Dans le cas de plusieurs réseaux de mesure les codes sont séparés par de « / »
NomRdd	Texte	<a href="#">Nom</a> du/des <a href="#">réseau de mesure</a> de rattachement de l'opération de prélèvement  Dans le cas de plusieurs réseaux de mesure les codes sont séparés par de « / »
CdStatutResBioOperationPrelBio	Code Sandre	<a href="#">Code Sandre du statut des résultats de l'opération de prélèvement biologique</a>
MnemoStatutResBioOperationPrelBio	Texte	<a href="#">Mnémonique du statut des résultats de l'opération de prélèvement biologique</a>
CdQualResBioOperationPrelBio	Code Sandre	<a href="#">Code sandre de la qualification des résultats de l'opération de prélèvement biologique</a>
LbQualResBioOperationPrelBio	Texte	<a href="#">Libellé de la qualification des résultats de l'opération de prélèvement biologique</a>
RefOperationPrelBio	Texte	<a href="#">Référence de l'opération de prélèvement</a> dans la banque de référence
ObjOperationPrelBio	Texte	<a href="#">Objectif de l'opération de prélèvement biologique</a>
LongProspecOperationPrelBio	Numérique	<a href="#">Longueur prospectée de l'opération de prélèvement biologique en mètres</a>
LargeurMoyLameEauOperationPrelBio	Numérique	<a href="#">Largeur moyenne en mètres de la lame d'eau de l'opération de prélèvement biologique</a>
HMoyLamOperationPrelBio	Numérique	<a href="#">Hauteur Moyenne de la lame d'eau de l'opération de prélèvement biologique</a>
SurfTotProspecteeOperationPrelBio	Numérique	<a href="#">Surface totale prospectée de l'opération de prélèvement biologique</a>

## Description du fichier "ResultatsBiologiques"

Libellé de la colonne	Type	Définition
CdStationMesureEauxSurface	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de la <a href="#">station de mesure</a> : Identifiant de la station de mesure dans le référentiel national Sandre  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les autres fichiers</b>
LbStationMesureEauxSurface	Texte	<a href="#">Libellé national de la station de mesure</a>
CdPointEauxSurf	Code Sandre	<a href="#">Code</a> du <a href="#">point de prélèvement</a> de l'opération de prélèvement hydrobiologique
DateDebutOperationPrelBio	Date	<a href="#">Date du début de l'opération de prélèvement biologique</a>  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.</b>
CdSupport	Code Sandre	<a href="#">Code Sandre du support</a> de l'opération de prélèvement biologique  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.</b>
LbSupport	Texte	<a href="#">Nom du support</a>
DtProdResultatBiologique	Date	<a href="#">Date de production du résultat biologique</a>
HeureResultat	Heure	<a href="#">Heure de production du résultat biologique</a>
CdParametreResultatBiologique	CodeSandre	<a href="#">Code Sandre</a> du <a href="#">paramètre</a> du résultat (ou indice) calculé
LbLongParametre	Texte	<a href="#">Libellé long du paramètre du résultat ou indice calculé</a>
ResIndiceResultatBiologique	Numérique	<a href="#">Résultat biologique</a>
CdUniteMesure	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de l' <a href="#">unité de mesure du résultat biologique</a>
SymUniteMesure	Texte	<a href="#">Symbole de l'unité de mesure</a>
CdRqIndiceResultatBiologique	Code Sandre	<a href="#">Code remarque du résultat biologique</a>
MnemoRqAna	Texte	<a href="#">Mnémonique du code remarque du résultat biologique</a>
CdMethEval	Texte	Code de la méthode d'évaluation du résultat biologique  En l'absence d'identifiant national diffusé par le Sandre, le code de la méthode d'évaluation correspond à la classe d'indicateur SEEE (IBD, IBGN, IOBS, IBMR...) suivi des 2 caractères « _v » et de la version de la méthode d'évaluation SEEE - exemple : IBML_v1.0.0 ou I2M2_v1.1.1".  Voir : <a href="http://seee.eaufrance.fr">seee.eaufrance.fr</a>

Libellé de la colonne	Type	Définition
RefOperationPrelBio	Texte	<p><a href="#">Référence de l'opération de prélèvement</a> dans la banque de référence</p> <p><b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.</b></p>
CdProducteur	Code Sandre	<p><a href="#">Code</a> de l'<a href="#">intervenant</a> producteur du prélèvement</p> <p>Note : précision sur la notion de producteur à venir dans le Sandre. Le producteur représente le maître d'ouvrage, ou le commanditaire de la donnée et prend la responsabilité d'accepter la donnée</p>
NomProducteur	Texte	<p><a href="#">Nom de l'intervenant</a> producteur de l'opération de prélèvement biologique</p> <p>Note : précision sur la notion de producteur à venir dans le Sandre. Le producteur représente le maître d'ouvrage, ou le commanditaire de la donnée et prend la responsabilité d'accepter la donnée</p>
CdAccredRsIndiceResultatBiologique	Code Sandre	Code Sandre de l' <a href="#">accréditation du résultat biologique</a>
MnAccredRsIndiceResultatBiologique	Texte	Mnemonique de l' <a href="#">accréditation du résultat biologique</a>



## Description du fichier "ListesFauneFlore"

Libellé de la colonne	Type	Définition
<b>CdStationMesureEauxSurface</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de la <a href="#">station de mesure</a> : Identifiant de la station de mesure dans le référentiel national Sandre  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les autres fichiers</b>
<b>LbStationMesureEauxSurface</b>	Texte	<a href="#">Libellé national de la station de mesure</a>
<b>CdPointEauxSurf</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> du <a href="#">point de prélèvement</a> de l'opération de prélèvement hydrobiologique
<b>CdSupport</b>	Code Sandre	<a href="#">Code Sandre du support</a> de l'opération de prélèvement biologique  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.</b>
<b>LbSupport</b>	Texte	<a href="#">Nom du support</a>
<b>DateDebutOperationPrelBio</b>	Date	<a href="#">Date du début de l'opération de prélèvement biologique</a>  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.</b>
<b>CdListeFauFlor</b>	Texte	<a href="#">Code de la liste faunistique ou floristique</a>
<b>LbListeFauFlor</b>	Texte	<a href="#">Libellé de la liste faunistique ou floristique</a>
<b>CdTypListeFauFlor</b>	Code Sandre	<a href="#">Code Sandre du type de la liste faunistique ou floristique</a>
<b>MnTypListeFauFlor</b>	Texte	<a href="#">Mnémonique Sandre du type de la liste faunistique ou floristique</a>
<b>CdTypTaxRep</b>	Code Sandre	<a href="#">Code du type de mesure du taxon répertorié</a>
<b>MnTypTaxRep</b>	Texte	<a href="#">Mnémonique du type de mesure du taxon répertorié</a>
<b>CdAppelTaxon</b>	Code Sandre	<a href="#">Code Sandre de l'appellation de taxon répertoriée</a>
<b>NomLatinAppelTaxon</b>	Texte	<a href="#">Nom latin de l'appellation de taxon répertoriée</a>
<b>RsTaxRep</b>	Numérique	<a href="#">Résultat</a> du <a href="#">taxon répertorié</a> dans la liste faune flore
<b>CdRqNbrTaxRep</b>	Code Sandre	<a href="#">Code remarque du résultat Taxon Répertorié</a>
<b>MnemoRqNbrTaxRep</b>	Texte	<a href="#">Mnémonique du code remarque du résultat du taxon répertorié</a>
<b>CdUniteMesure</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de l' <a href="#">unité de mesure du résultat du taxon répertorié</a>
<b>SymUniteMesure</b>	Texte	<a href="#">Symbole de l'unité de mesure</a>

Libellé de la colonne	Type	Définition
RefOperationPrelBio	Texte	<p><a href="#">Référence de l'opération de prélèvement</a> dans la banque de référence</p> <p><b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.</b></p>
CdProducteur	Code Sandre	<p><a href="#">Code</a> de l'<a href="#">intervenant</a> producteur du prélèvement</p> <p>Note : précision sur la notion de producteur à venir dans le Sandre. Le producteur représente le maître d'ouvrage, ou le commanditaire de la donnée et prend la responsabilité d'accepter la donnée</p>
NomProducteur	Texte	<p><a href="#">Nom de l'intervenant</a> producteur de l'opération de prélèvement biologique</p>

## Description du fichier "ConditionsEnvironnementales"

Libellé de la colonne	Type	Définition
<b>CdStationMesureEauxSurface</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de la <a href="#">station de mesure</a> : Identifiant de la station de mesure dans le référentiel national Sandre  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les autres fichiers</b>
<b>LbStationMesureEauxSurface</b>	Texte	<a href="#">Libellé national de la station de mesure</a>
<b>CdPointEauxSurf</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> du <a href="#">point de prélèvement</a> de l'opération de prélèvement hydrobiologique
<b>CdSupport</b>	Code Sandre	<a href="#">Code Sandre du support</a> de l'opération de prélèvement biologique  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.</b>
<b>LbSupport</b>	Texte	<a href="#">Nom du support</a>
<b>DateDebutOperationPrelBio</b>	Date	<a href="#">Date du début de l'opération de prélèvement biologique</a>  <b>Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.</b>
<b>CdParametreEnv</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> du <a href="#">paramètre environnemental</a>
<b>LbLongParametre</b>	Texte	<a href="#">Libellé long du paramètre environnemental</a>
<b>RsParEnvOpPrelBio</b>	Texte	<a href="#">Mesure de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>CdUniteMesure</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de l' <a href="#">unité de mesure</a>
<b>SymUniteMesure</b>	Texte	<a href="#">Symbole de l'unité de mesure</a>
<b>CdRqParEnvPrelBio</b>	Code Sandre	<a href="#">Code remarque de la mesure de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>MnemoRqParEnvPrelBio</b>	Texte	Mnémonique du <a href="#">code remarque de la mesure de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>CdMethodeParEnvPrelBio</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de la <a href="#">méthode</a> de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique
<b>NomMethodeParEnvPrelBio</b>	Texte	<a href="#">Nom de la méthode</a> de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique
<b>RefOperationPrelBio</b>	Texte	<a href="#">Référence de l'opération de prélèvement</a> dans la banque de référence

Libellé de la colonne	Type	Définition
		Champ permettant d'effectuer une jointure avec les fichiers Operations ResultatsBiologiques et ListesFauneFlore.
<b>CdStatutParEnvPrelBio</b>	Code Sandre	<a href="#">Code du statut de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>MnStatutParEnvPrelBio</b>	Texte	<a href="#">Mnémonique du statut de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>CdQualParEnvPrelBio</b>	Code sandre	<a href="#">Code de la qualification de l'acquisition de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>LbQualParEnvPrelBio</b>	Texte	<a href="#">Libellé de la qualification de l'acquisition de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>DateParEnvPrelBio</b>	Date	<a href="#">Date de la mesure de la condition environnementale de l'opération de prélèvement biologique</a>
<b>CdProducteur</b>	Code Sandre	<a href="#">Code</a> de l' <a href="#">intervenant</a> producteur du prélèvement Note : précision sur la notion de producteur à venir dans le Sandre. Le producteur représente le maître d'ouvrage, ou le commanditaire de la donnée et prend la responsabilité d'accepter la donnée
<b>NomProducteur</b>	Texte	<a href="#">Nom de l'intervenant</a> producteur de l'opération de prélèvement biologique