

Clément Rezvoy

PhD in Computer Science
Senior Software Developer
Junior Team Manager
Rookie Product Owner

06 75 63 35 63
clement.rezvoy@gmail.com
linkedin.com/in/crezvoy
github.com/crezvoy

Expérience Professionnelle

Cosmo Tech, Lyon — Développeur, *Team Lead*, et *Product Owner*
Cosmo Tech est un éditeur de logiciels fournissant des solutions de jumeaux numériques pour l'industrie afin de simuler et optimiser l'efficacité opérationnelle

Mai 2014 – Fev. 2017

- Débuts chez Cosmo Tech (alors The CoSMo Company) comme Développeur, travaillant sur le langage de modélisation de systèmes complexes et l'environnement d'exécution des simulations, tous deux écrits principalement en **C++** avec des surcouches en **Java** et **python** ;
- Introduction de la notion de concurrence dans le *scheduler* de la simulation, permettant la parallélisation de certaines étapes de la simulation ;
- Création d'un système de build et de gestion des artefacts basé sur **CMake** pour la gestion de nos dépendances *open source* ;
- Formalisation la notion de projet et de dépendances pour permettre de mieux gérer le cycle de vie des projets et permettre les liens de composition entre projets.

Fev. 2017 – Avr. 2019

- *Team Lead* pour mon équipe (5 Ingénieurs). Ce poste regroupe les responsabilités de *scrum master* et de *manager* ;
- Organisation de la vie de l'équipe au jour le jour, *standups* et rétrospectives. Je m'assurais que le travail était correctement distribué au sein de l'équipe et que l'équipe tenait ses engagements de fin de *sprint* ;
- Organisation et facilitation des *feature reviews* et des *backlog grooming* en coordination avec le *product owner* ;
- Responsabilités de *management*, réunions individuelles de suivi, revues des objectifs semestrielles, recrutement et synchronisation avec les autres équipes.

Avr. 2019 – Présent

- J'occupe actuellement le poste de *Product Owner* de la plateforme de Cosmo Tech ; la plate-forme regroupe le langage de modélisation, l'environnement de simulation et les outils de déploiement ;
- En charge de la *backlog* du produit, Je travaille avec le CTO l'architecte et les autres *product owners* à la définition des évolutions de la plate-forme ;
- présentations régulières des développements en cours et à venir pour les dirigeants et cadres de la société, les utilisateurs et prospects ; *grooming* avec les équipes de développement pour affiner et estimer les nouvelles fonctionnalités ;
- Validation fonctionnelles des fonctionnalités, supervision des campagnes de test et de documentation avant la mise à disposition des nouvelles versions.

Qosmos, Paris — Développeur

Enea Qosmos est le leader du marché pour la classification de trafic IP embarqué et l'intelligence réseau utilisé dans les réseaux physique SDN et NFV.

Oct. 2011 – Avr. 2014

- Développement de code haute performance en **C** pour l'optimization réseau et la sécurité ;
- Retro-engineering de protocoles réseaux et développement de routines de classification pour la classification de trafic ;
- Création et présentation d'un programme de formation pour des partenaires souhaitant s'intégrer avec les produits Qosmos.

Compétences

Développement logiciel J'ai plus de 10 ans d'expérience dans la conception et la création de logiciels. Je suis indépendant et je peux participer ou gérer toutes les phases du développement logiciel, de la demande initiale à la livraison. J'ai plus l'habitude des langages systèmes (**C**, **C++**) mais J'ai également réalisé des projets dans des langages de plus haut niveau (**python**, **R**, **Bash**). J'ai travaillé dans des environnement très différents : Systèmes distribués, quasi temps-réel, webapps ; Je sais m'adapter rapidement à un nouvel environnement technique.

Gestion d'équipe Je sais gérer une équipe dans un contexte **agile**. Je fait en sorte que les développeurs aient conscience de la vision d'ensemble et pas seulement de leur ticket en cours.

Gestion de produit Je sais aller d'une demande client ou d'une idée à une **fonctionnalité livrée**. Je suis la demande initiale à travers toutes les étapes du processus de la conception à la réalisation et la livraison. Je m'assure de l'alignement entre le management, les développeurs et les utilisateurs n'ai jamais rompu en communiquant régulièrement.

Communication Mon expérience d'enseignement m'a appris à **adapter le discours au public** pour être sûr d'être compris. Durant mon doctorat, j'étais le lien en le département d'informatique et de biologie, Je connais l'importance d'**arriver à une compréhension commune** du problème pour pouvoir en discuter efficacement. Aujourd'hui, en tant que *product owner*, Une grande partie de mon rôle est de m'assurer que l'information circule correctement et sans perte des utilisateurs aux développeurs, et inversement.

Formation & Recherche

École Normale Supérieure, Lyon — Doctorat Informatique

Thèse : *Large Scale Parallel Inference of Protein and Protein Domain families*

Sept. 2007 – Sept. 2011

J'ai Utiliser de **C++** et **MPI** pour développer un programme permettant de répartir efficacement la charge d'une analyse de séquences biologiques à grande échelle sur un grand nombre de processeurs, tout en préservant les hypothèses biologiques d'un problème qui n'était pas trivialement parallèle. On m'a aloué 400000 heures de calcul sur le supercalculateur du **CINES** et j'ai également passé de nombreux week-ends et soirées à utiliser **grid'5000**, une infrastructure de calcul distribué. pour mener à bien ce projet.

Sept 2007 – Sept. 2010

Pendant mon doctorat, j'ai également travaillé comme moniteur de en informatique. J'ai dirigé des scéance de TD et TP en introduction à la programmation, Système et réseaux et algorithmique.

Université de Lyon, Lyon — Master Bioinformatique

Master recherche en modélisation statistique et mathématiques des systèmes biologiques.

Sept 2005 – Jun. 2007

J'ai obtenu un Master *Approches Mathématiques et Informatique du Vivant*, spécialisé en ananalyse de séquence. Pendant ma première année de master, J'ai écrit la première version de MareyMap, un outils d'estimation du taux de recombinaison meiotique écrit en **R**. J'ai publié [un article](#) à ce propos et j'ai également eu l'occasion de présenter mon travail dans plusieurs conférences. Les sources de cet outils on depuis été déposées [sur github](#).

Teesside University, Middlesbrough UK — BSc Computer Studies

Diplôme généraliste en informatique, niveau License, avec un large éventail de sujets abordés

Sept. 2003 – Juin 2005

Les modules suivis incluait : programmation objet (**Java**), base de données (**SQL**), réseaux & communications, UI (**HTML**, **Javascript**), Systèmes d'exploitation (**C**), Systèmes temps réel, Langages, Systèmes experts, IA (**lisp**), Système de haute intégrité (**Ada**) et méthodes formelles (**B method**). J'ai validé ce diplôme avec la mention *First Class with Honours*.

Université de Lyon, Lyon — DUT Informatique

Dut Informatique, option Génie Informatique

Sept. 2001 – Juin 2003

Les modules suivis incluait : Mathématiques (algèbre, algèbre linéaire, Probabilités et statistique), algorithmique, UML, programmation (**C**), Programmation orientée objet (**C++**, **Java**), architecture des ordinateurs, Systèmes d'exploitation, réseaux, bases de données (**SQL**), développement web (**PHP**, **Javascript**). J'ai validé mon diplôme avec un stage de trois mois à l'université de Staffordshire à Stoke-on-Trent (UK).

Présentations

JOBIM 2007 Poster
MareyMap : a R-based tool with graphical interface for estimating recombination rates.

JOBIM 2010 Présentation
Scalability of large-scale protein domain inference.

ECCB 2010 Conférence européenne sur la biologie computationnelle. Présentation
Scalability of large-scale protein domain family inference.

Soutenance de doctorat September 2011.

2013, Qosmos training Programme de formation approfondie de 3 jour

Cosmo Tech Product Roadmap Présentation semestrielle de l'actualité du produit et de ses évolutions à venir.

Articles

Daniel Kahn, Clément Rezvoy, and Frédéric Vivien. Parallel large scale inference of protein domain families. In *ICPADS'2008, the 14th IEEE International Conference on Parallel and Distributed Systems*, pages 72–79, 2008. http://ieeexplore.ieee.org/xpls/abs_all.jsp?arnumber=4724305.

Clément Rezvoy. *Large Scale Parallel Inference of Protein and Protein Domain families*. PhD thesis, Ecole normale supérieure de lyon-ENS LYON, 2011. <http://hal.archives-ouvertes.fr/tel-00682495/>.

Clément Rezvoy, Delphine Charif, Laurent Guéguen, and Gabriel A.B. Marais. MareyMap : an R-based tool with graphical interface for estimating recombination rates. *Bioinformatics*, 23(16) :2188–2189, 2007. <http://bioinformatics.oxfordjournals.org/content/23/16/2188.short>.