

Informe Árboles de Clasificación Investigación de Operaciones 2019-1

Integrantes:

Nombre	Rol USM	Email
Cristian Navarrete	201573549-2	cristian.navarreteg@sansano.usm.cl

1. Describir el conjunto de datos: Cantidad de datos, Atributo Predictor/Clasificador, Tipo de Dato por atributo, Valores posibles.

```
datos = read.csv("DatosInforme19.csv", header=TRUE, sep=";")
summary(datos)
nrow(datos)
ncol(datos)
```

Sexo	Horas.Estudio.Semanal	VTR	Tiempo.Libre	Carrete
F:501	<2 hr :266	Min. :0.0000	Demasiado: 89	Demasiado:137
M:369	>10 hr : 59	1st Qu.:0.0000	Mucho :237	Mucho :188
	2-5 hr :409	Median :0.0000	Nada : 61	Nada : 62
	5-10 hr:136	Mean :0.2057	Normal :330	Normal :272
		3rd Qu.:0.0000	Poco :153	Poco :211
		Max. :2.0000		

```
Salud
                Inasistencias Nota.Final
Buena
         :148
                Min. : 0.000
                                <55 :325
Muy Buena :306
                1st Qu.: 2.000
                                >=55:545
Muy Mala :121
                Median : 3.000
Normal
         :190
                Mean : 3.863
Suficiente:105
                3rd Qu.: 6.000
                Max. :10.000
```

870

8

1.1. Cantidad de datos

870

1.2. Atributos / Clasificación / Tipo de Dato /

Nombre	Clasificación	Tipo de dato
Sexo	Predictor	Discreto
Horas. Estudio. Semanal	Predictor	Discreto
VTR	Predictor	Discreto
Tiempo.Libre	Predictor	Discreto
Carrete	Predictor	Discreto
Salud	Predictor	Discreto
Inasistencias	Predictor	Discreto
Nota.Final	Clasificador	Discreto

1.3. Valores posibles para datos

1.3.1. Sexo

F/M

1.3.2. Horas.Estudio.Semanal

```
< 2 horas, [2 - 5] horas, [5 - 10] horas,> 10 horas
```

1.3.3. VTR

0, 1 o 2.

1.3.4. Tiempo.Libre

Nada, Poco, Normal, Mucho o Demasiado

1.3.5. Carrete

Nada, Poco, Normal, Mucho o Demasiado

1.3.6. Salud

Muy Mala, Suficiente, Normal, Buena, Muy Buena

1.3.7. Inasistencias

[0, 10]

1.3.8. Nota.Final

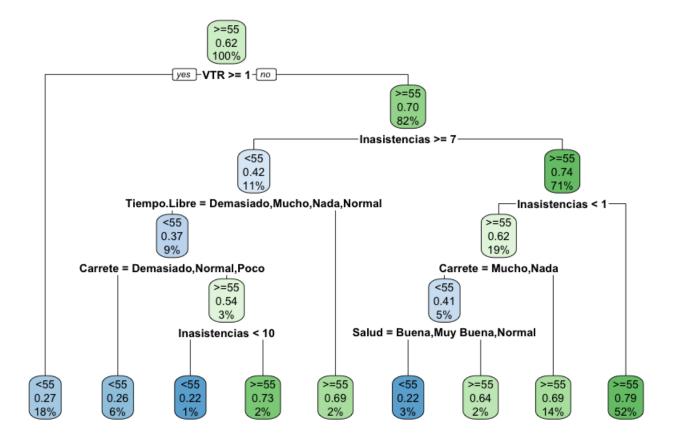
<55 o>=55

2. Construir e incluir un árbol de clasificación con los datos. Evalúe el árbol, interprete los resultados. Entregue el error de clasificación n

```
library(tidyverse)
library(rpart)
library(rpart.plot)
library(caret)

entrenamiento = sample_frac(datos, .8)
prueba = setdiff(datos, entrenamiento)

arbol_1 = rpart(formula = Nota.Final ~ ., data = entrenamiento)
rpart.plot(arbol_1)
```



Del árbol es posible ver que el VTR es uno de los factores más decisivos a la hora de saber si un alumno reprobara, seguido de las inasistencias, luego de esto multiples parametros empiezan a ser tomados en cuenta.

2.0.1. Error de Clasificación

```
prediccion_1 = predict(arbol_1, newdata = prueba, type = "class")
confusionMatrix(prediccion_1, prueba[["Nota.Final"]])
```

Reference Prediction <55 >=55 <55 33 11 >=55 28 102

Accuracy: 0.7759

95% CI: (0.7066, 0.8355)

No Information Rate : 0.6494 P-Value [Acc > NIR] : 0.0002089

Kappa: 0.474

Mcnemar's Test P-Value: 0.0104056

Sensitivity: 0.5410 Specificity: 0.9027 Pos Pred Value: 0.7500 Neg Pred Value: 0.7846 Prevalence: 0.3506 Detection Rate: 0.1897

Detection Prevalence : 0.2529 Balanced Accuracy : 0.7218

'Positive' Class : <55

El error de clasificación es de 1-0.7759 = 0.2241 o 22%

2.1. Contestar las siguientes preguntas

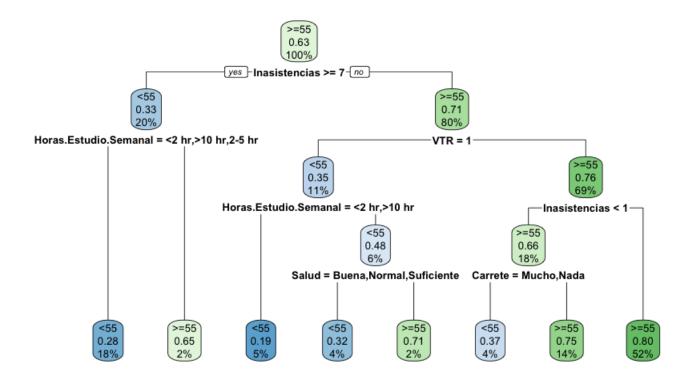
2.1.1. ¿Cuáles fueron las variables relevantes en la construcción del árbol? Explique por qué una variable es más relevante que otra.

VTR, Inasistencias, Tiempo Libre, una variable es más relevante que otra por que esa variable permite separar de mejor manera la población, de los datos podemos inferir que variables como el sexo no juegan un rol importante en predecir si un alumno reprobara.

2.1.2. ¿Qué sucede si se modifica el tipo de dato de VTR?

La librería utilizada en esta entrega no permite utilizar datos continuos, pero según lo investigado (https://discuss.analyticsvidhya.com/t/decision-tree-with-continuous-variables/201/6) no debería provocar diferencia, ya que de igual manera los algoritmos buscan discretizar los datos (ya que un árbol no se puede armar con datos continuos, para eso utilizamos regresiones). De todos modos, se incluye un árbol realizado cuando VTR pasa a tener valor binario (Tiene o no tiene VTR).

```
datos$VTR[datos$VTR>=1] <- 1
summary(datos)
entrenamiento = sample_frac(datos, .8)
prueba = setdiff(datos, entrenamiento)
arbol2 = rpart(formula = Nota.Final ~ ., data = entrenamiento)
rpart.plot(arbol2)
prediccion = predict(arbol2, newdata = prueba, type = "class")
confusionMatrix(prediccion, prueba[["Nota.Final"]])</pre>
```



Reference Prediction <55 >=55 <55 40 8 >=55 41 84

Accuracy: 0.7168

95% CI: (0.6434, 0.7825)

No Information Rate : 0.5318 P-Value [Acc > NIR] : 4.984e-07

Kappa: 0.417

Mcnemar's Test P-Value: 4.844e-06

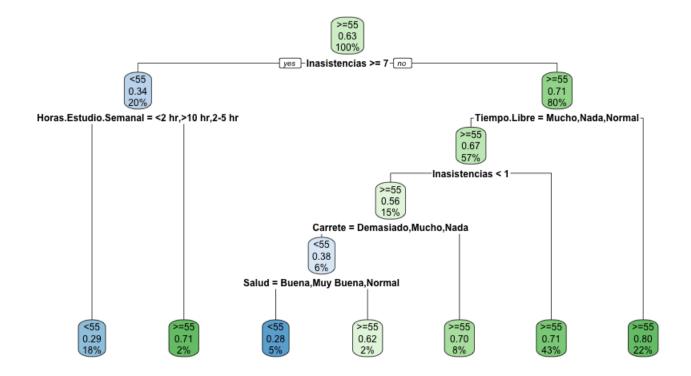
Sensitivity: 0.4938
Specificity: 0.9130
Pos Pred Value: 0.8333
Neg Pred Value: 0.6720
Prevalence: 0.4682
Detection Rate: 0.2312
Detection Prevalence: 0.2775
Balanced Accuracy: 0.7034

'Positive' Class : <55

Es posible observar que la inasistencia pasa a tomar un rol más importante que el VTR, también vemos que el error aumenta.

2.1.3. Si la variable VTR no es incluída en la construcción del árbol, ¿Qué sucede con el árbol? Evalué los cambios

datos\$VTR <- NULL
summary(datos)
entrenamiento = sample_frac(datos, .8)
prueba = setdiff(datos, entrenamiento)
arbol2 = rpart(formula = Nota.Final ~ ., data = entrenamiento)
rpart.plot(arbol2)
prediccion = predict(arbol2, newdata = prueba, type = "class")
confusionMatrix(prediccion, prueba[["Nota.Final"]])</pre>



Reference Prediction <55 >=55 <55 18 6 >=55 48 95

Accuracy: 0.6766

95% CI: (0.6, 0.7469)

No Information Rate : 0.6048 P-Value [Acc > NIR] : 0.0332

Kappa: 0.2398

Mcnemar's Test P-Value : 2.414e-08

Sensitivity: 0.2727 Specificity: 0.9406 Pos Pred Value: 0.7500 Neg Pred Value: 0.6643 Prevalence: 0.3952 Detection Rate: 0.1078

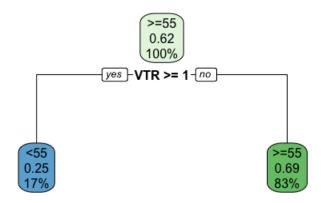
Detection Prevalence : 0.1437 Balanced Accuracy : 0.6067

'Positive' Class : <55

Vemos que Tiempo libre toma mucha más importancia, así mismo, el árbol crece bastante y utiliza múltiples atributos para decidir en que categoría clasificar al sujeto, ademas el error del arbol aumenta casi hasta niveles de ser aleatorio.

2.1.4. Si la variable Inasistencias no es incluida en la construcción del árbol, ¿Qué sucede con el árbol? Evalué los cambios

```
# Previa carga de datos nueva, manteniendo todos los atributos originales
datos$Inasistencias <- NULL
summary(datos)
entrenamiento = sample_frac(datos, .8)
prueba = setdiff(datos, entrenamiento)
arbol2 = rpart(formula = Nota.Final ~ ., data = entrenamiento)
rpart.plot(arbol2)
prediccion = predict(arbol2, newdata = prueba, type = "class")
confusionMatrix(prediccion, prueba[["Nota.Final"]])</pre>
```



Reference Prediction <55 >=55 <55 15 7 >=55 18 24

Accuracy: 0.6094

95% CI: (0.4793, 0.729)

No Information Rate : 0.5156 P-Value [Acc > NIR] : 0.08403

Kappa: 0.2263

Mcnemar's Test P-Value : 0.04550

Sensitivity: 0.4545 Specificity: 0.7742 Pos Pred Value: 0.6818 Neg Pred Value: 0.5714 Prevalence: 0.5156 Detection Rate: 0.2344 tion Prevalence: 0.3438

Detection Prevalence : 0.3438 Balanced Accuracy : 0.6144

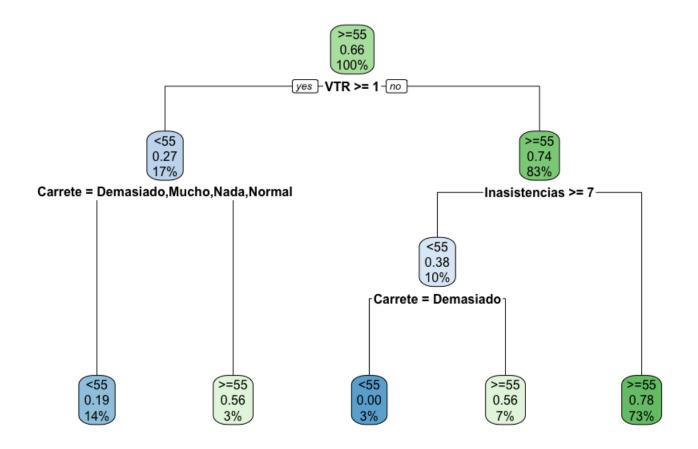
'Positive' Class : <55

Vemos que el árbol de decisión pasa a ser binario, decidiendo solo en base al VTR, el error aumenta a un 40% también.

2.1.5. ¿Qué sucede si utiliza un 30, 50 y 70% de los datos entregados como Training? Evaluar e imprimir los árboles obtenidos. Explique.

 $30\,\%$

```
entrenamiento = sample_frac(datos, .3)
prueba = setdiff(datos, entrenamiento)
arbol2 = rpart(formula = Nota.Final ~ ., data = entrenamiento)
rpart.plot(arbol2)
prediccion = predict(arbol2, newdata = prueba, type = "class")
confusionMatrix(prediccion, prueba[["Nota.Final"]])
```



Reference Prediction <55 >=55 <55 69 25 >=55 166 349

Accuracy: 0.6864

95% CI: (0.6479, 0.723)

No Information Rate : 0.6141 P-Value [Acc > NIR] : 0.0001227

Kappa : 0.2552

Mcnemar's Test P-Value : < 2.2e-16

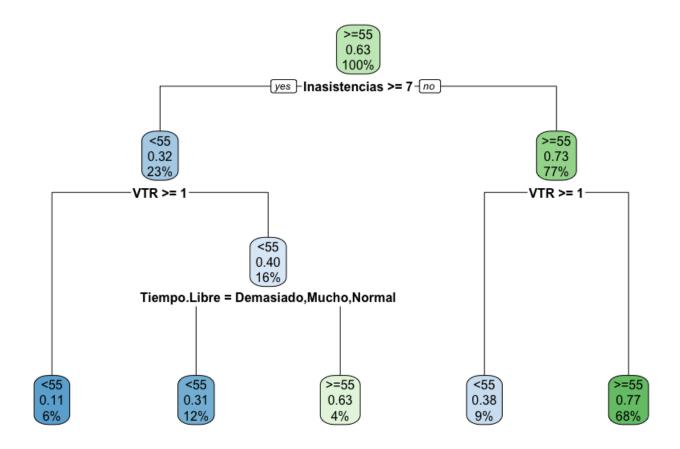
Sensitivity: 0.2936 Specificity: 0.9332 Pos Pred Value: 0.7340 Neg Pred Value: 0.6777 Prevalence: 0.3859 Detection Rate: 0.1133

Detection Prevalence : 0.1544 Balanced Accuracy : 0.6134

'Positive' Class : <55

 $50\,\%$

```
entrenamiento = sample_frac(datos, .5)
prueba = setdiff(datos, entrenamiento)
arbol2 = rpart(formula = Nota.Final ~ ., data = entrenamiento)
rpart.plot(arbol2)
prediccion = predict(arbol2, newdata = prueba, type = "class")
confusionMatrix(prediccion, prueba[["Nota.Final"]])
```



Reference Prediction <55 >=55 <55 77 30 >=55 89 239

Accuracy: 0.7264

95% CI: (0.6819, 0.7678)

No Information Rate : 0.6184 P-Value [Acc > NIR] : 1.354e-06

Kappa: 0.3781

Mcnemar's Test P-Value : 1.056e-07

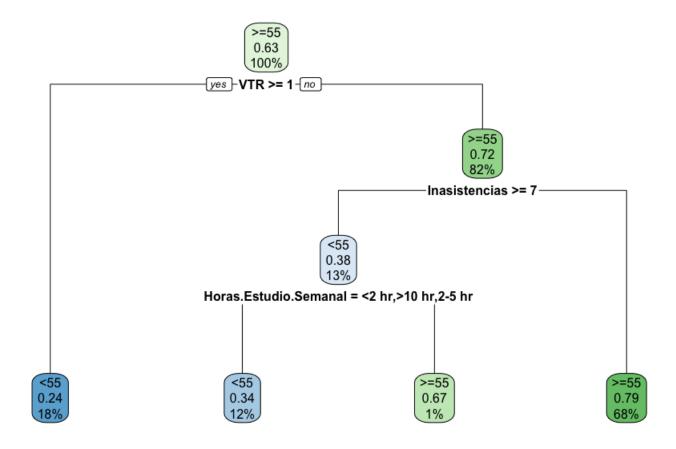
Sensitivity: 0.4639 Specificity: 0.8885 Pos Pred Value: 0.7196 Neg Pred Value: 0.7287 Prevalence: 0.3816 Detection Rate: 0.1770

Detection Prevalence : 0.2460 Balanced Accuracy : 0.6762

'Positive' Class : <55

 $70\,\%$

```
entrenamiento = sample_frac(datos, .7)
prueba = setdiff(datos, entrenamiento)
arbol2 = rpart(formula = Nota.Final ~ ., data = entrenamiento)
rpart.plot(arbol2)
prediccion = predict(arbol2, newdata = prueba, type = "class")
confusionMatrix(prediccion, prueba[["Nota.Final"]])
```



Reference Prediction <55 >=55 <55 39 20 >=55 62 140

Accuracy: 0.6858

95% CI: (0.6257, 0.7417)

No Information Rate : 0.613 P-Value [Acc > NIR] : 0.008722

Kappa: 0.2828

Mcnemar's Test P-Value : 5.963e-06

Sensitivity: 0.3861 Specificity: 0.8750 Pos Pred Value: 0.6610 Neg Pred Value: 0.6931 Prevalence: 0.3870 Detection Rate: 0.1494

Detection Prevalence : 0.2261 Balanced Accuracy : 0.6306

'Positive' Class : <55

Cuando utilizamos el $50\,\%$ de los datos para training, encontramos el menor error en el árbol de decisión, también es interesante ver que en el $50\,\%$ la asistencia es más importante que el VTR, algo que no ocurre con los otros gráficos.