|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Standard Deviation Allowed** | **Number of Genes Identified** | **Genes Identified by Random Forest (% of seeds gene appeared)** |
| 1 | 9 | ARHGAP4 ( 30 %), COL5A3 ( 50 %), EZH1 ( 10 %), FLYWCH1 ( 30 %), GIGYF1 ( 100 %), MAPK8IP3 ( 20 %), MEGF6 ( 20 %), PTOV1 ( 90 %), RHOT2 ( 10 %) |
| 1.25 | 7 | ARHGAP4 ( 50 %), COL5A3 ( 60 %), FLYWCH1 ( 70 %), GIGYF1 ( 90 %), MAPK8IP3 ( 10 %), MEGF6 ( 10 %), PTOV1 ( 100 %) |
| 1.5 | 2 | GIGYF1 ( 100 %), PTOV1 ( 100 %) |
| 1.75 | 5 | COL5A3 ( 10 %), FLYWCH1 ( 30 %), GIGYF1 ( 100 %), PTOV1 ( 80 %), SLC4A10 ( 10 %) |
| 2 | 3 | FLYWCH1 ( 20 %), GIGYF1 ( 90 %), PTOV1 ( 90 %) |