第一章 基于二次哈希开链法的图精确搜索

由于传统算法在利用哈希表存储索引中多采用简单哈希,容易产生冲突问题,导致构建索引效率较低。本章在路径索引的基础上,探究了不同哈希方法对算法速度的影响,并提出一种基于二次哈希开链法的精确搜索算法,来减少图搜索中过滤阶段的耗时,以提高搜索速度。本章将先介绍下现有的哈希算法,然后详细介绍基于二次哈希开链法的精确图搜索算法,包括作为此算法验证方法用的子图同构算法 ULLMANN[1],最后是实验结果与分析。

1.1 常用哈希方法

本节将介绍三种常用的解决哈希冲突的方法: 开放定址法, 开链法, 再哈希法。

1.1.1 开放定址法

开放定址法[2] 是一种常用的处理冲突方法,公式如(1-1)所示

$$H_i = (H(key) + d_i)MOD \ m \ i = 1, 2, ..., k(k \le m - 1)$$
 (1-1)

其中,H(key) 为哈希函数;m 为哈希表表长, d_i 为增量序列,可有以下三种取法:

- 1. $d_i = 1, 2, 3, ..., m 1$,称线性探测再散列;
- 2. $d_i = 1^2, -1^2, 2^2, -2^2, 3^2, ..., \pm k^2, (k \le m/2)$,称为二次探测再散列;
- 3. d_i = 伪随机数序列,这种方法称为伪随机探测再散列^[2]。

1.1.2 开链法

开链法又称链地址法^[2],是将所有关键字为同义词的记录存储在同一线性链表中。

1.1.3 再哈希法

$$H_i = RH_i(key) \ i = 1, 2, ..., k$$
 (1-2)

再哈希法^[2] 如公式(1-2)所示, RH_i 均是不同的哈希函数,即在同义词产生地址冲突时计算另一个哈希函数地址,直到冲突不再发生。

1.2 基于二次哈希开链法的搜索算法

本方法同 *GraphGrep* 算法^[3], 都是基于路径的精确子图搜索算法。算法基本流程如下: (1) 遍历图数据库中图的路径, (2) 利用双哈希构建索引, (3) 遍历查询图路径, (4) 利用基本索引特征先验剪枝, (5) 路径合成进一步筛选候选集, (6) 子图同构确定最终结果。下面我们将分小节详细说明这些步骤。

1.2.1 数据库路径遍历

首先,对于每个数据库我们设定一个路径长度的上限 l_p , l_p 越大意味着可记录的路径越长,索引集合也会相应增加。随后对于数据库中的每幅图,我们用深度优先搜索遍历每个节点,遍历最大深度为 l_p ,并记录遍历过程中经过的每一条路径,存成一个列表,用于下一步构建索引。

1.2.2 二次哈希开链法索引构建

双哈希是再哈希的一种,其利用两个哈希函数来构造哈希探测序列,大大降低了地址冲突概率。但是传统上,双哈希方法实质上也是开放定址法的一种,也就是如果所需节点数目大于 Mod 时,将完全无法表示,这完全不符合图数据库实际情况。因为作为一个通用算法,我们无法预先确定数据库中最大图的节点数。因此,本文将双哈希和开链法相结合提出了一个变形的双哈希算法,即二次哈希开链法来进行哈希定址。

二次哈希开链法就是只进行一次双哈希,然后再有冲突就利用开链法解决。 双哈希函数公式如(1-3)。

$$h(key) = (h_1(key) + h_2(key))\% Mod$$
 (1-3)

其中 h_1, h_2 为两个不同的哈希函数,Mod 为哈希函数取模值,一般为一个小于但最接近存储空间大小的素数。当 $h_1(key)$ 发生冲突时,再用 $h_2(key)$ 的值作为偏移量来进行探测。如果再有冲突则进行开链法,存成链表。

根据二次哈希开链法的特点,本文设计了一种将路径字符串映射到哈希表的算法,如算法1.1所示。而访问时函数则不需重新设计,直接用开链法原有函数即可。

算法 1.1 二次哈希编码

输入:路径字符串 path_string

输出: 哈希编码 *code*

- 1: **function** HASH(path_string)
- 2: $code \leftarrow h_1(key)\%Mod$
- 3: if code 有冲突 then
- 4: $code \leftarrow (code + h_2(key))\% Mod$
- 5: end if
- 6: **return** code
- 7: end function

在二次哈希开链法中哈希函数可以自选,不过我们推荐选取算法1.2中的两个函数作为 h_1, h_2 ,经过实验这两个函数对于字符串哈希这两个效果最好。

BKDRHash 运算简单,速度快,所以作为第一次哈希函数。APHash 不易冲突,所以作为第二次。不过需要注意的一点是,在某些平台上,位运算不一定比直接乘法快,甚至会慢很多倍。因为哈希运行次数很多,所以实际使用中需要注意这一点。

通过哈希存储,我们可以很便捷得获得各图包含的路径关系表,我们将其存 到文件中作为索引,分离查询与建库,进行离线查询加速查询速度。

1.2.3 查询图路径遍历

我们对查询图也像数据库中的图一样进行拆分,以 l_p 为路径最大长度遍历出所有路径。然后同样存成一个哈希表,记录着每一条路径出现了几次。为进一步搜索做准备。不过和数据库路径遍历有所不同的是,查询图的遍历过程中需要记录不同路径中相同的节点,这个可以通过在路径中添加特定标签实现。

```
算法 1.2 哈希函数
输入: 字符串 String
输出:哈希编码 code
 1: function h_1(String)
                                                                                    ▷ BKDRHash
         char \leftarrow (string.first)
         code \leftarrow 0
 3:
         while char \neq 0 do
 4:
             code \leftarrow code << 6 + char
 5:
             char \leftarrow (char.next)
 6:
         end while
 7:
         return (code \& 0 \times 7FFFFFFF)\% Mod
  8:
 9: end function
 10: function h_2(String)
                                                                                        ▷ APHash
        char \leftarrow (string.first)
 11:
        code \leftarrow 0
 12:
        i \leftarrow 0
 13:
        while char \neq 0 do
 14:
             if i 为偶数 then
 15:
                 code \leftarrow (code \oplus ((code << 7) \oplus char \oplus (code >> 3))
 16:
             else
 17:
                 code \leftarrow (code \oplus (\sim ((code << 11) \oplus char \oplus (code >> 5)))
 18:
             end if
 19:
             char \leftarrow (char.next)
20:
         end while
 21:
```

return $(code\&0 \times 7FFFFFFF)\%Mod$

22:

23: end function

1.2.4 先验剪枝

在介绍本算法的先验剪枝步骤之前,我们先介绍一下包含逻辑规则 (inclusion logic)。

定义 1.1 (包含逻辑). ^[4] 对于给定的标号图 G_1, G_2 ,和 G_1 的一个子图 G',若 G_1 是 G_2 的子图,则 G' 必定是 G_2 的子图 ($G_1 \subseteq G_2$) \Rightarrow ($G' \subseteq G_2$),反之,若 G' 不是 G_2 的子图,则 G_1 也不可能是 G_2 的子图 ($G' \not\subset G_2$) \Rightarrow ($G_1 \not\subset G_2$)

从包含逻辑规则中,我们可以得知如果查询图 G_1 中的子图 G' 不是数据图 G_2 的子图,那么 G_2 就不可能是 G_1 的超图,因此可以放心得把 G_2 从候选集中删去。这就大大加速了"过滤-验证"框架中过滤阶段的过滤速度。

在本算法中,我们从三个方面进行了先验剪枝来缩小索引集个数。三个方面分别是(i)节点,(ii)边,(iii)路径。如果查询图中的某个节点个数大于数据图中的,那么数据图自然不会包含查询图。如果查询图中有数据图中没有的边,那么自然这幅数据图也不合要求。如果查询图中某条路径的个数大于数据图,那么因为包含逻辑规则,这幅数据图也当从候选集中删去。

经过这三步筛选过程,候选集将会大大减少,降低了后文所述路径合成和子 图同构所需时间。

1.2.5 路径合成

当完成先验剪枝后,候选集已经相对较小,但是并没有达到最好的情况。我们可以通过路径合成确定其中很多的合理性。路径合成的复杂度远远小于子图同构,因此最后对候选集做一次路径合成可以大大降低最终复杂度。路径合成,顾名思义就是将多条路径进行合成,具体而言就是将多个有着公共节点的路径合成到一起,通过判定其是不是相同节点来筛选候选集。我们采用的是遍历的方法,只进行两两合成,然后逐一比对。如例1.1所示。

例 1.1. 假设有路径 $\bar{A}B\bar{C}\bar{A}$ 和 $\bar{C}B$,其中有相同标记的节点均为同一节点,即在本例中两个 A 是同一节点和两个 C 也是同一节点。

1. 现在假设数据库中有四幅图, 其路径信息如下所示, 数字代表节点标识:

$$g_1: ABCA = (1, 0, 3, 1) CB = (3, 2)$$

$$g_2: ABCA = (1, 2, 3, 1) CB = (3, 2)$$

$$g_3: ABCA = (1, 0, 3, 4) CB = (3, 2)$$

$$g_4: ABCA = (1, 0, 4, 1) CB = (3, 2)$$

- 2. 在路径合成前,我们就可以利用节点信息删去 g_3 ,因为 g_3 的 ABCA 中两个 A 一个是 1,一个是 4,并非同一节点。
- 3. 我们将 ABCA 和 CB 合成,我们知道其中两个 A 是统一节点,两个 C 是同一节点,而两个 B 不是。我们得到合成结果:

$$g_1: ABCACB = (1, 0, 3, 1), (3, 2)$$

$$g_2: ABCACB = (1, 2, 3, 1), (3, 2)$$

$$g_4: ABCACB = (1, 0, 4, 1), (3, 2)$$

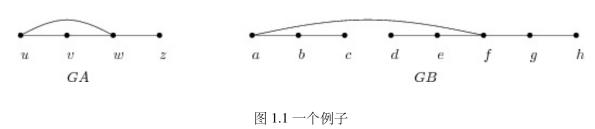
4. 显然, g_2 不满足条件,因为它的两个 B 也是一个节点, g_4 也不满足,因为其两个 C 不是同一节点。所以筛选集中只剩下 g_1 。

可见,通过路径合成,我们大大缩小了候选集,降低了下一步子图同构所需的计算量,加速了整个算法。

1.2.6 子图同构

子图同构作为算法最后的验证部分,承担着对于整个算法正确性把关的责任,也同样是个需要消耗大量运算量的部分。由于子图同构是个NP-hard问题,所以目前仍没有一种快速的解法。我们选用经典算法 ULLMANN 算法 $^{[1]}$ 来解决这个问题。下面我们将大致介绍下 ULLMANN 算法。

ULLMANN 算法是 Ullmann 教授 1976 年提出的一种经典图同构算法,其本质是基于一个深度优先搜索树。其算法流程大致如下。首先,根据查询图节点的出入度从数据图中找出候选集。随后,根据每个节点的邻接节点对候选集进行筛选。最后,通过深度优先搜索,一一遍历配对,寻找匹配点。例1.2就是一个子图同构的完整过程。



例 1.2. 我们以图1.1为例说明下 Ullmann 的判断过程。我们要判断 GA 是否与 GB 同构。

- 1. 首先根据节点出入度找出候选集。显然 degree(u) = degree(v) = 2, degree(w) = 3, degree(z) = 1, 根据匹配节点出入度一定小于适配节点这一特征,我们可以确定 $candidates(u) = candidates(v) = \{a, b, e, f, g\}$, $candidates(w) = \{f\}$, GB 的每个节点都可以作为 z 的候选。
- 然后我们根据邻接节点进行筛选,例如 h 是 z 的候选节点, z 的邻接节点是 w,但是 h 没有邻接节点在 w 的候选集中。因此,我们就可以把 h 从 z 的候选集合中删去。这样,我们得到 candidates(u) = candidates(v) = candidates(z) = {a, e, g}, candidates(w) = {f}
- 3. 最后,我们进行一一匹配过程,这步最简单,但也最耗时。举例而言在本例中就是先看u如果和a配对,那么v,z,w可以正常匹配么,他们之间的边关系还能保持么?显然,本例中不可以。因此得出结论GA与GB不同构。

1.3 实验结果与分析

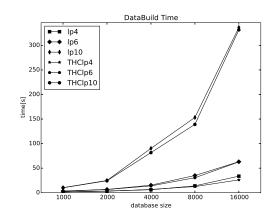
1.3.1 实验环境

本文提出算法的实验环境为 CPU Intel Core i7, 主频为 1.7 GHz, 内存为 8 GB 1600 MHz DDR3, 硬盘为 128GB SSD, 操作系统为 Mac OS X Yosemite 10.10.3; 所有算法均用 C 语言在 clang 600.0.56 环境编译完成。

1.3.2 实验数据分析

实验数据全采用真实数据,为 DTP 提供的 AIDS 数据集。可从以下网址得到:https://wiki.nci.nih.gov/display/NCIDTPdata/AIDS+Antiviral+Screen+Data。我们从其数据库中随机抽取了 1000,2000,4000,8000,16000 个图作

为我们的查询集合。数据集平均每幅图有 41 条节点,48 条边。所有实验运行 10 次取平均值。



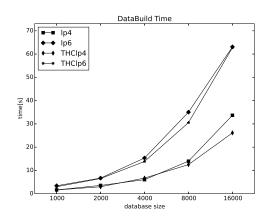


图 1.2 建库时间比较

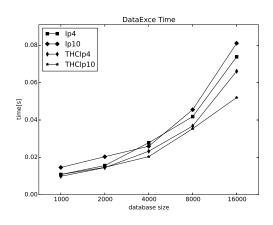


图 1.3 运行时间比较

我们测试了不同最大长度 l_p 下两个算法的表现,实验结果如图1.2,1.3所示,THC 为 Twice Hash Chain(二次哈希开链法) 的缩写。我们还具体统计了在 $l_p=4$ 时,对于不同数目的真实数据建库时哈希发生冲突的数目,如表1.1所示。

数据集大小	10	1000	2000	4000	8000	16000
org	5465	588697	1284829	2620045	5317286	11307774
THC	4944	534059	1171099	2391228	4837960	10318729

表 $1.1 l_p = 4$ 时不同数据集大小哈希冲突数对比表

由图表可知,二次哈希开链的确有效减少了冲突,提高了建库速度与查询速度。

参考文献 9

参考文献

- [1] Julian R Ullmann. An algorithm for subgraph isomorphism. *Journal of the ACM* (*JACM*), 23(1):31–42, 1976.
- [2] 严蔚敏 and 吴伟民. 数据结构 (C语言版). 清华大学出版社, 北京, 2011.
- [3] Rosalba Giugno and Dennis Shasha. Graphgrep: A fast and universal method for querying graphs. In *Pattern Recognition*, 2002. *Proceedings*. 16th International Conference on, volume 2, pages 112–115. IEEE, 2002.
- [4] Xifeng Yan and Jiawei Han. gspan: Graph-based substructure pattern mining. In *Data Mining*, 2002. *ICDM* 2003. *Proceedings*. 2002 *IEEE International Conference* on, pages 721–724. IEEE, 2002.