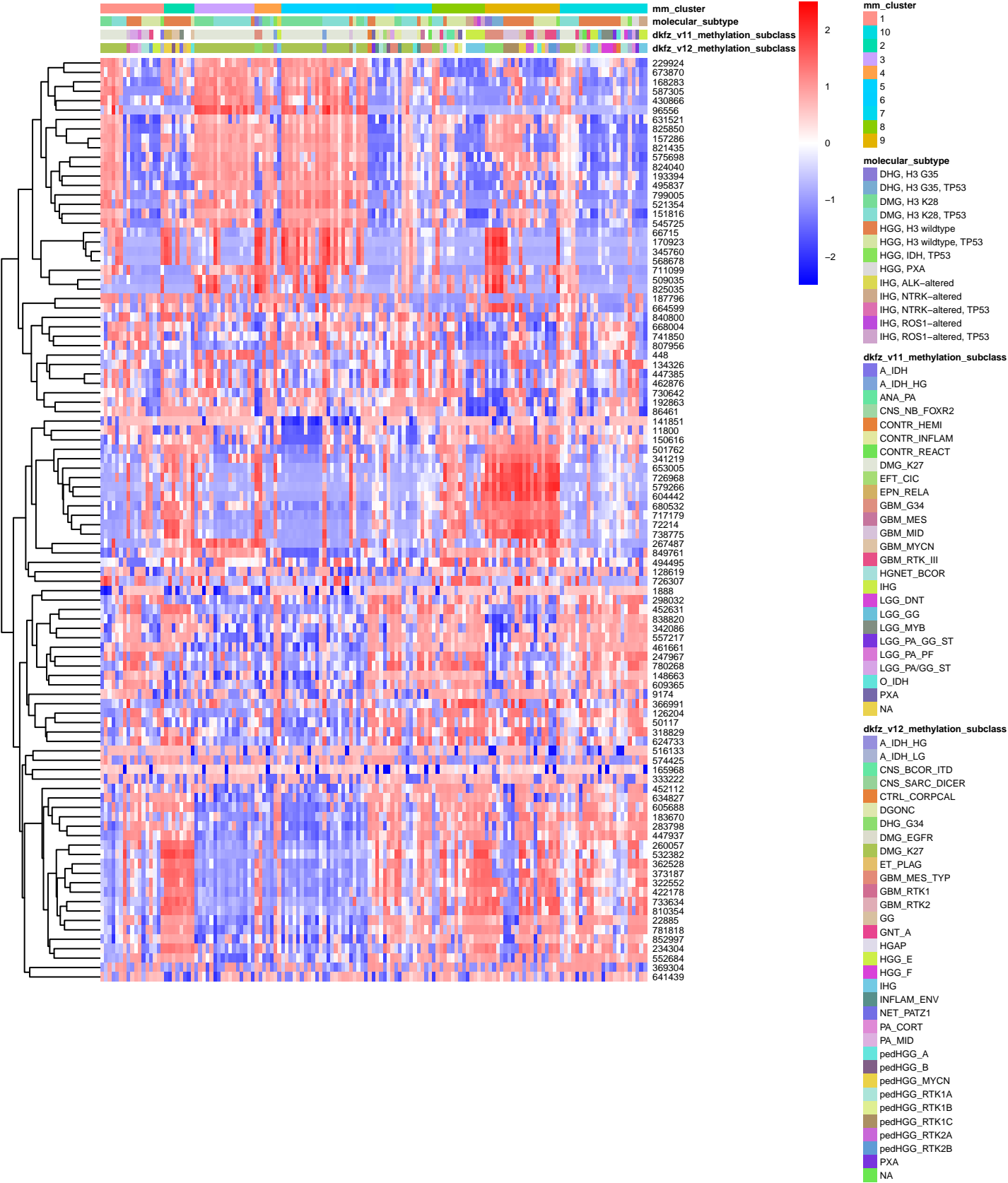


Methylation Data
Top 10 features per cluster



	mm_cluster	molecular_subtype	dkfz_v1_methylation_subclass	dkfz_v12_methylation_subclass
MTRF1L:25822995-25823128	25819928-25820029	25823643-25823748		
MTRF1L:25823018-25823128	25819925-25820029	25823643-25823748		
ECST1:11519074-11519193	11507990-11508048	11529061-11529096		
NRN1:600694-6006783	6002352-6002497	6007486-6007605		
BCAN:156656281-156656389	156652247-156652892	156657674-156657757		
BCAN:156656937-156657096	156652247-156652892	156657674-156657757		
APCDD1:10468948-10468962	10454634-10455039	10471529-10471745		
BCAN:156656281-156656389	156652247-156652892	156656937-156657096		
BCAN:156656937-156657096	156652247-156652892	156657674-156657757		
ABAT:8735698-8735809	8674616-8674711	8746000-8746025		
MASP1:18728524-187286056	187262542-187267220	187291627-187291737		
RET:43100458-43100722	43077063-43077331	43112086-43112224		
SUO1:17255151-172551626	172533117-172533497	172555688-172556023		
PKD1:2092953-2093093	2092479-2092592	2093543-2093738		
PKD1:2102060-2102256	2100395-2100566	2102380-2102633		
IL1RAP:190564288-190564353	190514050-190514219	190604127-190604402		
WSB1:27301787-27301956	27294092-27294435	27304779-27304911		
PTPRZ1:121928155-121928221	121873088-121873557	121967995-121968130		
TAPBP:33313216-33313477	33303662-33305387	33313693-33313864		
ABHD17A:1881234-1881804	1879920-1880115	1885351-1885433		
ABHD17A:1881261-1881804	1879920-1880115	1885351-1885496		
NLGN2:7408011-7408712	7404873-7405610	7412156-7412207		
TAPBP:33313693-33313864	33313216-33313477	33314004-33314041		
COL22A1:138883081-138883244	138877749-138878316	138913618-138914041		
RCMA3:93072915-93073031	93051892-93052517	93058892-93059037		
ADGRB2:3175598-31756815	31744647-31744731	31763883-31763922		
TCTN1:110619835-110619956	110614026-110614402	110626361-110626382		
ATP6AP2:40588985-40589116	40580893-40581102	40591233-40591365		
NRCAM:108239958-108240170	108234582-108234688	108312664-108312731		
WLS:68193954-68194221	68159122-68159247	68232193-68232945		
WLS:68193954-68194221	68159122-68159247	68232193-68232945		
ECST1:11519074-11519193	11513803-11514221	11529061-11529096		
TMEM167B:109092889-109093021	109090763-109090882	109094416-10909498		
CH3L2:111229851-111229881	111227485-111227769	111230741-111230943		
LST1:31587943-31587966	31587640-31587733	31588817-31588909		
CH3L1:1203185183-203185385	203184575-203184632	203186315-203186345		
SERPINC1:5759893-5760037	57598248-57598321	57602034-57602169		
SERPINC1:57598978-5760037	57597802-57598321	57602034-57602169		
APOC1:44916189-44916325	44914868-44914949	44919172-44919342		
APOC1:44916189-44916359	44914868-44914949	44919172-44919346		
APOC1:44916189-44916470	44914871-44914949	44919172-44919344		
LST1:31587640-31587733	31587116-31587318	31587943-31587966		
IQOIA:22637609-22637779	22636827-2263702	22636829-2263692		
C1QC:22644010-22644204	22643632-2264714	22647226-2264787		
TREM2:41161262-41161613	41159791-41159882	41163042-41163103		
TYROBP:35907729-35907762	35907293-35907580	35908174-35908295		
FCER1G:161217985-161218077	161215278-161215370	161218240-161218276		
TYROBP:35907729-35907762	35907293-35907580	35908167-35908247		

