

Année universitaire	2023-2024		
Département	Informatique	Année	M1
Matière	Apprentissage et Analyse de données		
Enseignants	Khalid Benabdeslem, Haytham Elghazel et Thomas Ranvier		
Intitulé TD/TP:	Atelier 1 : Apprentissage non supervisé avec Python		
	Réduction de dimensions (ACP)		
Contenu	• Visualisation		
	• Clustering		
	• Evaluation de la qualité d'un clustering		

Dans cet atelier pratique, vous allez expérimenter des algorithmes de traitement de données pour répondre à différents problèmes liés à l'apprentissage non supervisé avec le langage Python.

Python est un langage de programmation très polyvalent et modulaire, qui est utilisé aussi bien pour écrire des applications comme YouTube, que pour traiter des données scientifiques. Par conséquent, il existe de multiples installations possibles de Python. L'utilisateur débutant peut donc se sentir dérouté par l'absence d'une référence unique pour Python scientifique. Le plus simple pour ce TP est d'installer, la suite scientifique Anaconda développée par l'entreprise Continuum (http://continuum.io/downloads.html). Anaconda rassemble tout le nécessaire pour l'enseignement de Python scientifique : le langage Python et ses modules scientifiques. Sur le plan des packages Python, vous allez utiliser **Scikit-learn**. Cette libraire montre dans cette situation tout son intérêt. La plupart des techniques récentes d'apprentissage sont en effet expérimentées avec Scikit-learn et le plus souvent mises à disposition de la communauté scientifique.

Pour plus de détails concernant :

- le langage Python vous pouvez aller sur le site suivant : http://www.python-course.eu/index.php
- la librairie Scikit-learn vous pouvez aller sur le site suivant : http://scikit-learn.org

Pour lancer le notebook Python, il faut taper la commande **jupyter notebook** dans votre dossier de travail. Une fenêtre va se lancer dans votre navigateur pour ouvrir l'application Jupyter. Créer un nouveau notebook Python et taper le code suivant dans une nouvelle cellule :

import numpy as np np.set_printoptions(threshold=10000,suppress=True) import pandas as pd import warnings import matplotlib.pyplot as plt warnings.filterwarnings('ignore')

I. Réduction de dimensions et Visualisation des données

Le fichier "villes.csv" comporte 32 villes françaises décrites par les températures moyennes dans les 12 mois de l'année.

L'objectif dans cette partie est de représenter graphiquement le plus d'informations possibles contenues dans ce fichier de données et de déceler une éventuelle segmentation topologique des villes.

1. Importer ce jeu de données avec la librairie pandas (c.f. read_csv)

data = pd.read_csv('./villes.csv', sep=';')
X = data.iloc[:, 1:13].values

labels = data.iloc[:, 0].values

2. Réaliser une Analyse en Composantes Principales (module **PCA** de Scikit-learn) sur ce jeu de données centrées réduites (**StandardScaler**).

- Quel est le nombre d'axes à retenir pour conserver une bonne quantité de l'information représentée dans le nuage initial (c.f. attributs de sortie explained_varianace_ et explained_variance_ratio_ de votre objet pca).
- **Donner une interprétation** des deux premiers axes principaux (*c.f.* analyser les deux premières lignes de votre attribut de sortie **components** de votre objet **pca**).
- En suivant le code suivant, donner une visualisation graphique des villes projetées dans le plan principal.

X_pca étant la matrice des données transformées par l'ACP, **labels** étant le vecteur contenant le nom des instances (ici les villes).

```
import matplotlib
plt.scatter(X_pca[:, 0], X_pca[:, 1])
for label, x, y in zip(labels, X_pca[:, 0], X_pca[:, 1]):
   plt.annotate(label, xy=(x, y), xytext=(-0.2, 0.2), textcoords='offset points')
plt.show()
```

- 3. Faire de même pour le fichier "mammals.csv". Il s'agit des statistiques sur 62 mammifères. Pour chaque espèce mammifère, plusieurs variables sont rapportées: Le poids corporel, le poids du cerveau, le nombre d'heures de sommeil sans rêve, le nombre d'heures de sommeil de rêve, le nombre total d'heures de sommeil, la durée de vie en années, le temps de gestation en jours, un indice de la probabilité que le mammifère soit une proie, un indice du degré d'exposition du mammifère (bien protégé ou non) pendant son sommeil.
- 4. Faire de même pour le fichier "crimes.csv". Il s'agit des statistiques de criminalité dans 50 états américains. Dans chaque état, sept types de crimes ou délits sont repérés par leurs nombres annuels de faits constatés rapportés sur 100 000 habitants : meurtres(Meutre), enlèvements(Rapt), vols avec violence(Vol), agressions(Attaque), viol (Viol), vols peu importants (Larcin), vols de voitures (Auto_Theft).

II. Clustering

La classification (les Anglos-saxons parlent de clustering) est l'opération statistique qui consiste à regrouper des objets (individus ou variables) en un nombre limité de groupes, les classes (ou segments, ou clusters), qui ont deux propriétés. D'une part, ils ne sont pas prédéfinis par l'analyste mais découverte au cours de l'opération, contrairement aux classes du classement. D'autre part, les classes de la classification regroupent les objets ayant des caractéristiques similaires et séparent les objets ayant des caractéristiques différentes (homogénéité interne et hétérogénéité externe), ce qui peut être mesuré par des critères telle l'inertie interclasse et l'inertie intraclasse.

Nous allons étudier dans la suite deux approches de clustering (*k-moyennes* "KMeans" et la *classification* Ascendante Hiérarchique "AgglomerativeClustering" du package sklearn.cluster) que nous allons appliquer sur le jeu de données des villes.

- 1. Appliquez la procédure **KMeans** sur ce jeu de données pour obtenir **3** clusters
 - Donner une visualisation graphique des villes projetées dans le plan principal. Les villes de chaque cluster devraient avoir une couleur différente des villes des autres clusters (voir code ci-dessous).

X_pca étant la matrice des données transformées par l'ACP, **labels** étant le vecteur contenant le nom des instances (ici les villes), **clustering** étant le clustering obtenu.

```
colors = ['red','yellow','blue','pink']
plt.scatter(X_pca[:, 0], X_pca[:, 1], c= clustering, cmap=matplotlib.colors.ListedColormap(colors))
for label, x, y in zip(labels, X_pca[:, 0], X_pca[:, 1]):
    plt.annotate(label, xy=(x, y), xytext=(-0.2, 0.2), textcoords='offset points')
plt.show()
```

- 2. Appliquez la procédure **AgglomerativeClustering** sur ce jeu de données pour obtenir trois clusters avec différentes méthodes d'agrégation (il faut essayer **single**, **ward** et **average**).
 - Donner à chaque fois une visualisation graphique des villes projetées dans le plan principal. Les villes de chaque cluster devraient avoir une couleur différente des villes des autres clusters.

Nous allons maintenant déterminer la meilleure partition (nombre de clusters) pour la méthode **KMeans**. Pour cela, nous allons utiliser les critères de **"Silhouette index" et de Davies Bouldin (metrics.silhouette_score metrics.davies_bouldin_score** de scikit-learn).

3. Utiliser cet indice dans une boucle de 8 itérations au maximum (voir code ci-dessous). Les 8 itérations correspondent aux 8 partitions possibles *i.e.* en 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8 et 9 classes issues de KMeans. Déduire la meilleure partition qui correspond à un indice maximum pour l'indice Silhouette et minimum de Davies Bouldin.

from sklearn import metrics

for i in np.arange(2, 9):

clustering = KMeans(n_clusters=i).fit_predict(X)
print(metrics.silhouette_score(X, clustering,metric='euclidean'))
print()

- 4. Quelle est le meilleur algorithme à utiliser pour obtenir 3 clusters ? Interprétez le résultat obtenu dans ce cas.
- 5. Proposer une fonction permettant de faire une comparaison de tous ces algorithmes et de vous donner le meilleur clustering sur un jeu de données passé en paramètre. Appliquer cette fonction sur un autre jeu de données de votre choix (à récupérer sur internet) que vous devez décrire dans votre notebook avant son utilisation.