

T-COFFEE, Version_11.00 (Version_11.00)
Cedric Notredame
CPU TIME:0 sec.
SCORE=1000

*
BAD AVG GOOD

*
EGT37340.1 : 100
GeneID|Protein : 100
cons : 100

EGT37340.1 MGRYVDMLSSSTSPLEFTKVIVASLDYSNEGMTRVILRKALTSASESSRKWTTRYLAVLASSDLPMPF
GeneID|Protein MPRLVRDDDDSRNNRLHLSLCVLWSTAFILLRYVDMLSSSTSPLEFTKVIVASLDYSNEGMTRVILR
cons * * * . . : . : : * : . : . : . : : : . : : :

EGT37340.1 SDWGIQLMLRQLADESSKVVRHTIRILSRWLPEHPSRNLRKCEWSVFGEAGDLLKAHVYALEFECA
GeneID|Protein KALTSASESSRKWTTRYLAVLASSDLPMPFSDWGIQLMLRQLADESSKVVRHTIRILSRWLPEHPSR
cons . : . * : : : : * : : : : * . .

EGT37340.1 SDEDEVDRVIRFWMTDFNKKYLQIIDEEMKEMMFHVKRSIDGSFSRSSSDRPDTS LGVHAPLHLFA
GeneID|Protein NLRKCEWSVFGEAGDLLKAHVYALEFECASDEDEVDRVIRFWMTDFNKKYLQIIDEEMKEMMFHVK
cons . . . * : : : : * . : : : . .

EGT37340.1 ALGGHETGKRILLEENVCEELLSVIRIGKCFEELKSSLLALASIGSTDRGFEILPLDAVPTVLKIA
GeneID|Protein RSIDGSFSRSSSDRPDTS LGVHAPLHLFAALGGHETGKRILLEENVCEELLSVIRIGKCFEELKSS
cons . . . : : . : : : : : : : * . . : : : : : ** :

EGT37340.1 EEHTVLTVRGIAFWALCTFSQCIEGAKRLAAGWESNRFRYAMDIARGKISEDEGMISTPVAGTTA
GeneID|Protein LLALASIGSTDRGFEILPLDAVPTVLKIAEEHTVLTVRGIAFWALCTFSQCIEGAKRLAAGWESN
cons . : : . : * . : * : . . : . : . : :

EGT37340.1 GSVSSTWRPARKITMQHHRHSSLFDSQINVKQSRAKSESAVSRRGN SKGRRRSQSEGD IQE KSPKR
GeneID|Protein RFRYAMDIARGKISEDEGMISTPVAGTTAGSVSSTWRPARKITMQHHRHSSLFDSQINVKQSRAKS
cons : . ** : : * : . . . * : : : : : * : : : . *

EGT37340.1 ESRIDSFFSQRLWNSEKYLYKSSGTS DSSSITYHKRTVTNSSSGYHIQEEITVTVSPPGHLFPDES
GeneID|Protein ESAVSRRGN SKGRRRSQSEGD IQE KSPKRESRID SFFSQRLWNSEKYLYKSSGTS DSSSITYHKRT
cons ** : . . : . . * : : : * . . : . :

EGT37340.1 VAKSAATSRLSTDRRRANTTNSLFEEEEAPKTRSSTVARCIREGLKITSEELEAEGVVADTIMEPH
GeneID|Protein VTNSSSGYHIQEEITVTVSPPGHLFPDES VAKSAATSRLSTDRRRANTTNSLFEEEEAPKTRSSTV
cons * : : : : : : : : * : . : * . . * * . . *

EGT37340.1 FSCRLREKYHLMFPFRVRACLHINRHVGDPIRYVFM TREEERHFADYRRQVLHDPWLFNELRKEDNA
GeneID|Protein ARCIREGLKITSEELEAEGVVADTIMEPHFSCRLREKYHLMFPFRVRACLHINRHVGDPIRYVFMTR
cons * . : : : : : : : * : : .

EGT37340.1 VKKTINVVPLQTVALPTEIEIMCGNIFPAKPKSDPIFSFHENDDSAVEDRGARTGHARSGIHIQPH
GeneID|Protein EEERHFADYRRQVLHDPWLFNELRKEDNAVKKTINVVPLQTVALPTEIEIMCGNIFPAKPKSDPIF

cons

:: . : * . : : * *: :...: .: :

EGT37340.1
GeneID|Protein

SAYRCFHCSSNEDSVRGYPHPDAPMLRKEVLGQVDMLEIKEYPAKRLIGLRQHNPWLFQWPCMYAD
SFHENDDSAVEDRGARTGHARSGIHIQPHSAYRCFHCSSNEDSVRGYPHPDAPMLRKEVLGQVDML

cons

* :. .: :: ..* .. : : . : . : * ..: :

EGT37340.1
GeneID|Protein

VLELLDEYRFKPHSRAFLQHIFYDALQI-----
EIKEYPAKRLIGLRQHNPWLFQWPCMYADVLELLDEYRFKPHSRAFLQHIFYDALQI

cons

:: *: : : : .: