

# Laboratorio 1: Introducción al tidyverse

## Ejercicio 1

Para este ejercicio vamos a trabajar con los datos `ChickWeight`, para tenerlos disponibles simplemente hacemos `data(ChickWeight)`

Los datos `ChickWeight` tienen 578 filas y 4 columnas, provienen de un experimento sobre el efecto de la dieta en el crecimiento temprano de los pollos. Se puede obtener más información sobre los datos mediante `?ChickWeight`

### Datos completos

Cada pollo debe tener 12 observaciones, usá el paquete `dplyr` para identificar cuántos pollos tienen efectivamente los datos completos.

1. ¿Cuántos pollos tienen menos de 12 observaciones?

```
dim(pollo %>%  
  group_by(Chick) %>%  
  summarise(obs=n()) %>%  
  filter(obs<12))[1]
```

```
## [1] 5
```

2. Extrae un subconjunto de los datos correspondientes a los pollos con información completa (12 observaciones) y guardalos en un objeto llamado `complete`.

```
complete <- left_join(pollo, (pollo %>% group_by(Chick) %>% summarise(obs=n())), by="Chick") %>% filter  
unique(complete$obs)
```

```
## [1] 12
```

(ayuda: usa `mutate` para crear una variable auxiliar con el número de observaciones)

### Crear variable peso ganado

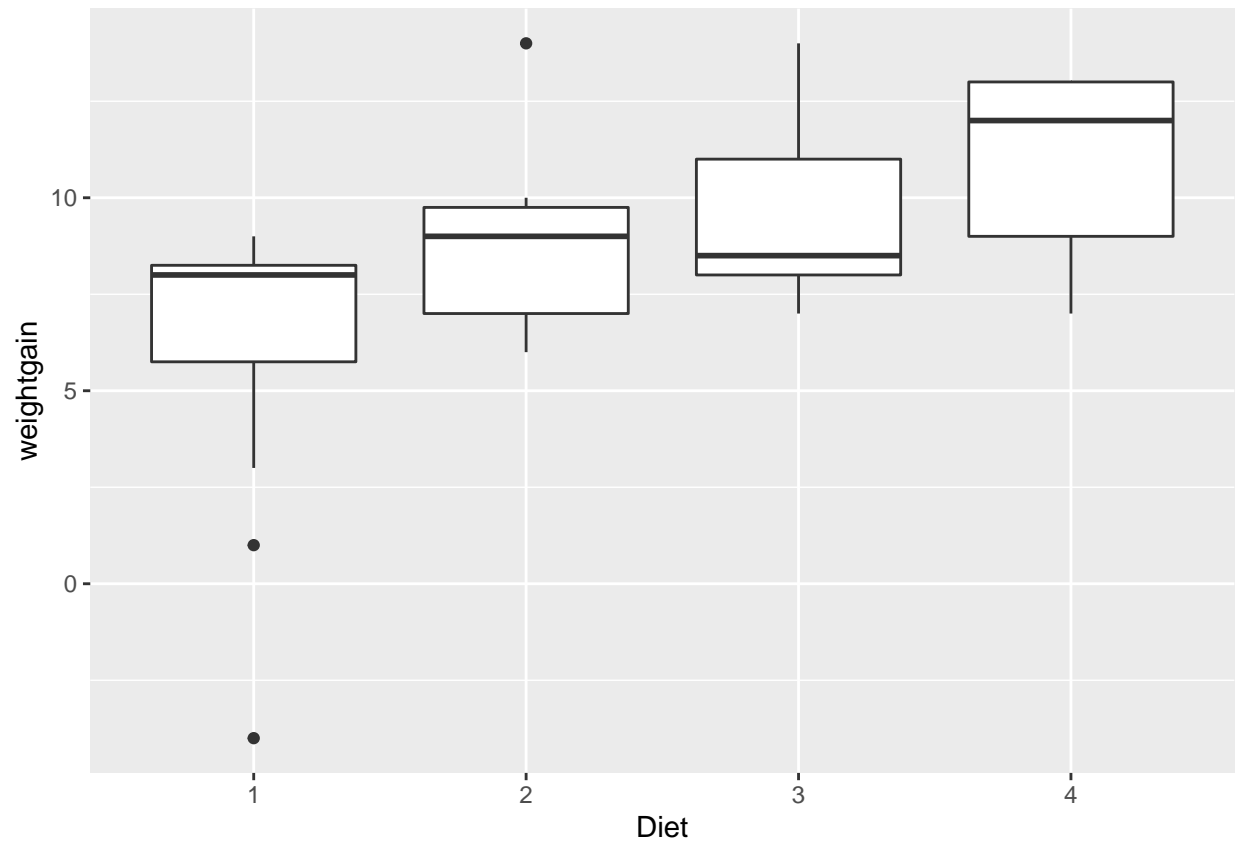
Con los datos completos, crea una nueva variable que mide la diferencia del peso en cada momento respecto del momento inicial. Llama esta variable `weightgain`.

```
complete <- left_join(complete,  
  (complete %>% filter(Time==0) %>%  
    rename(Inicial = weight) %>%  
    select(Inicial, Chick)),  
  by="Chick") %>%  
  mutate(weightgain = weight-Inicial)
```

### Dibujar boxplot

1. Usando `ggplot2` crear un gráfico de boxplots de la variable `weightgain` contra `Diet` para el día 2.

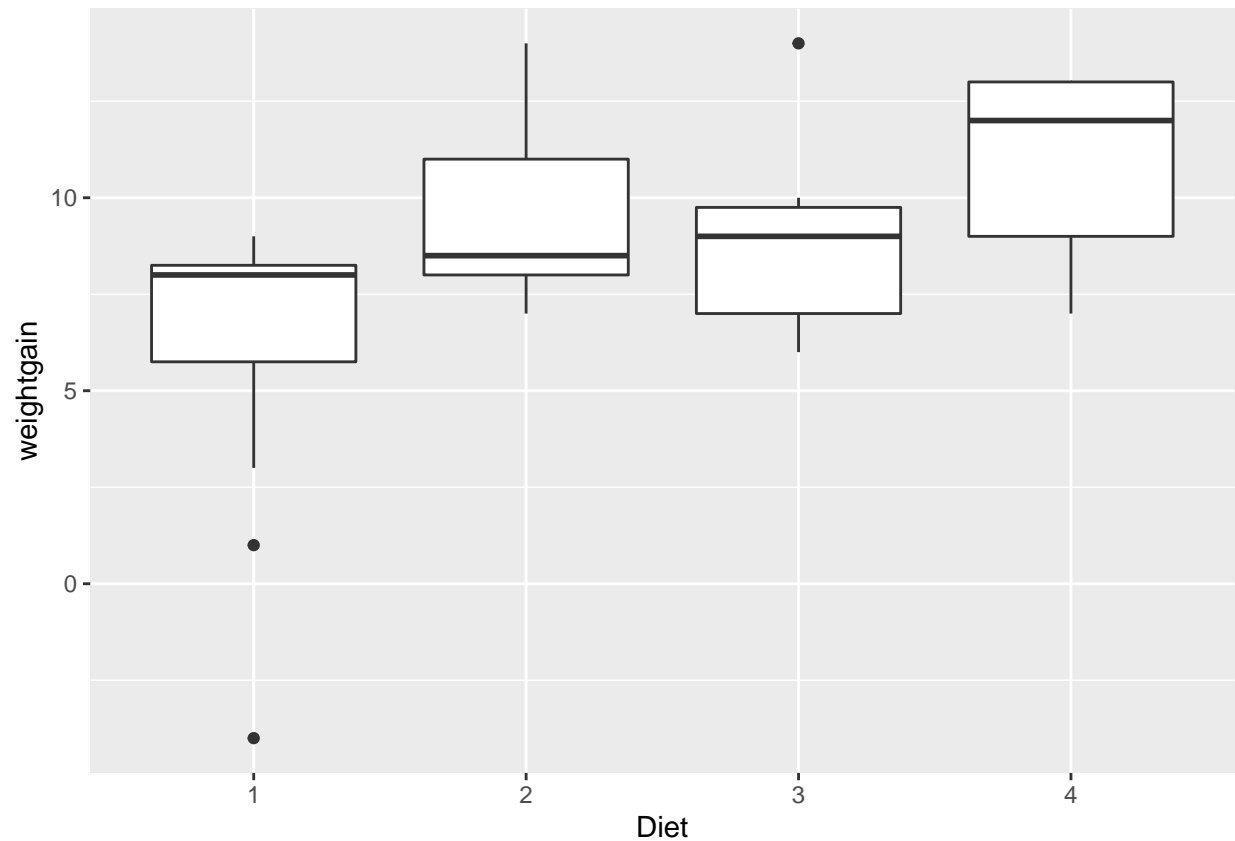
```
ggplot(complete %>% filter(Time == 2)) +  
  geom_boxplot(aes(x=Diet, y=weightgain))
```



2. Describe la relación en un par de frases.

En el gráfico cambia el orden de las categorías Diet de para que los boxplots queden ordenados según la mediana de weightgain.

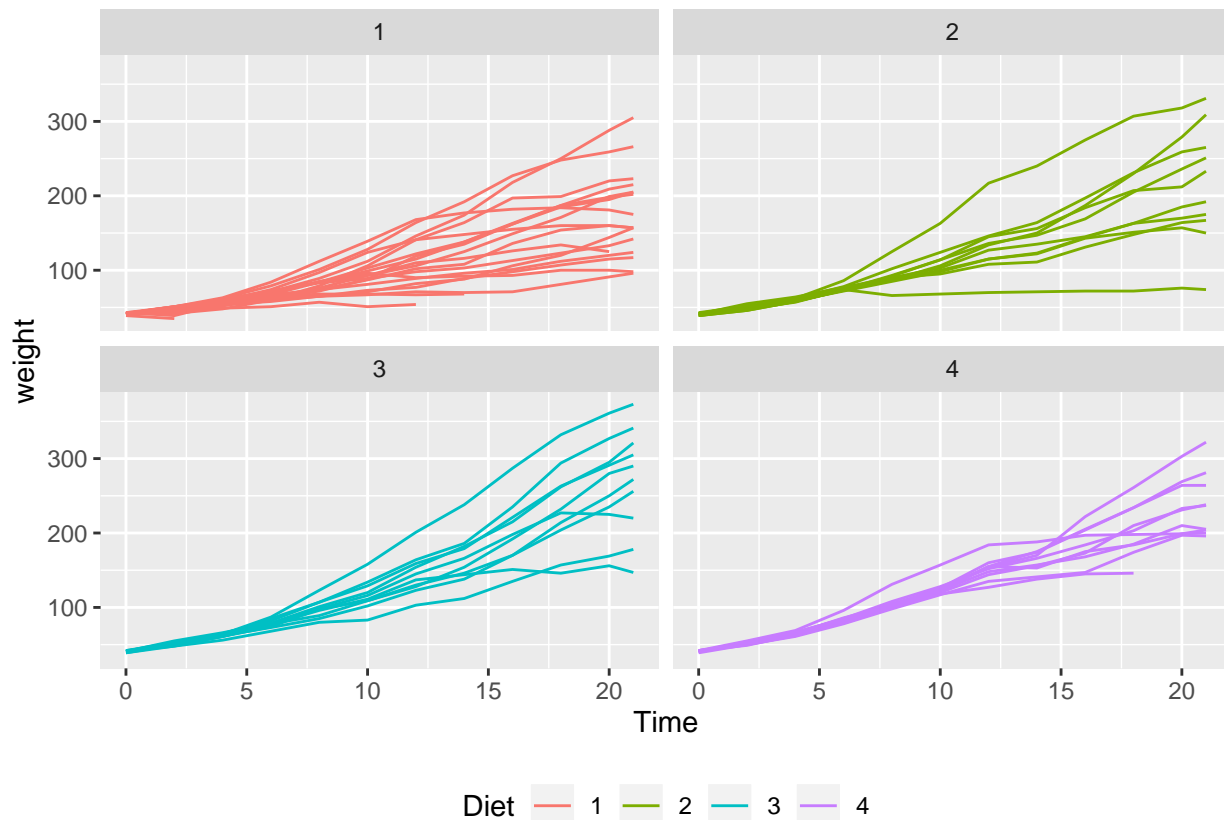
```
ggplot(complete %>% filter(Time == 2)) +
  geom_boxplot(aes(x=Diet, y=weightgain)) +
  scale_x_discrete(limits = as.numeric(((
    complete %>%
      filter(Time == 2) %>%
      group_by(Diet) %>%
      summarize(mediana=median(weightgain))) %>%
      arrange(mediana))$Diet))
```



### Graficar evolución del peso

- Crear un dibujo que tenga:
1. Time en el eje x y weight en el eje y.
  2. Una linea para cada pollo
  3. Divide en facets y colorea seg?n Diet.
  4. Incluye la leyenda debajo del dibujo (con theme)

```
ggplot(pollos) +
  geom_line(aes(x=Time, y=weight, group=Chick, colour=Diet)) +
  facet_wrap(~Diet) +
  theme(legend.position="bottom")
```



### Graficar solo pollos más grandes

1. Seleccionar el pollo con máximo peso en el momento 21 para cada dieta.

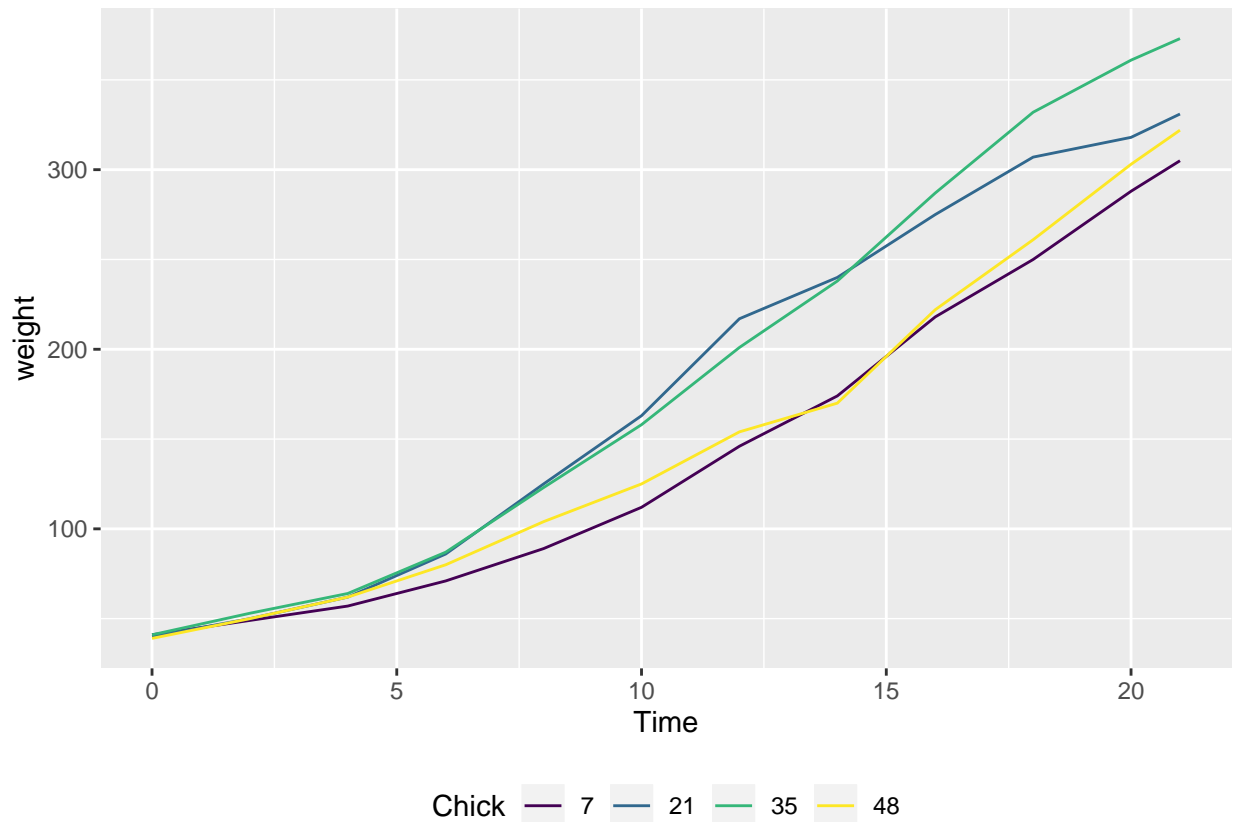
```
maximos <- pollo %>%
  filter(Time == 21) %>%
  group_by(Diet) %>%
  summarize(Mayor_peso=max(weight)) # Consigo el máximo peso por dieta para Time == 21
pollo <- left_join(pollo, maximos, by="Diet") %>%
  mutate(dif=weight-Mayor_peso)
# Los agrego a la base "pollo" y calculo la diferencia con weight. Aquellos que tengan diferencia 0, se
table(pollo$dif == 0) # Verifico que sea uno solo pollo por dieta (es decir, que haya solo 4 ceros)

##
## FALSE TRUE
## 574    4

pollitos.gorditos <- pollo[which(pollo$dif == 0), "Chick"] # Identifico los pollos
```

2. Repetir el dibujo anterior solo con estos 4 pollos y sin facetas.

```
ggplot(pollo %>% filter(Chick %in% pollitos.gorditos)) +
  geom_line(aes(x=Time, y=weight, color=Chick)) +
  theme(legend.position="bottom")
```

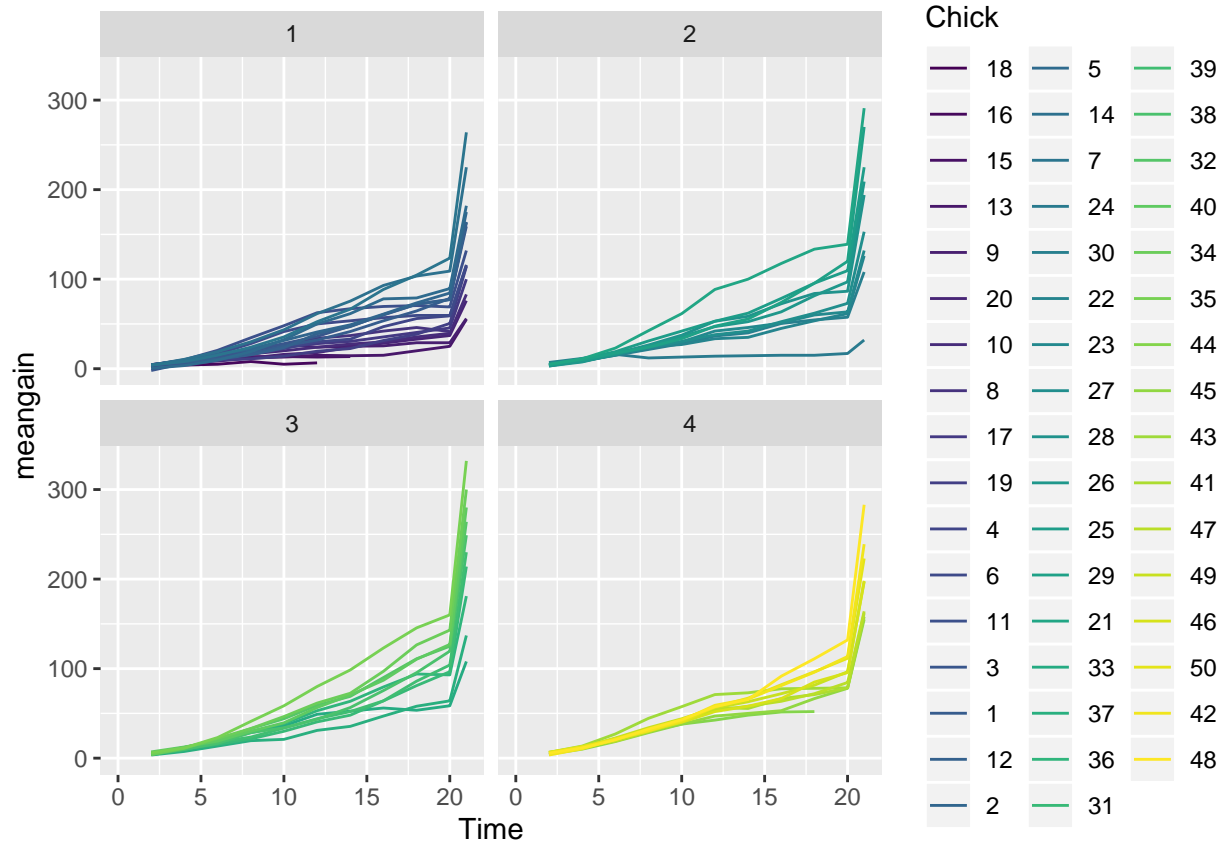


### Ganancia de peso promedio

Calcular la ganancia de peso media diaria y repetir el dibujo.

```
pollo <- select(pollo, -Mayor_peso, -dif)
pollo <- pollo %>% group_by(Chick) %>% mutate(dif=Time-lag(Time, default=0))
pollo <- left_join(pollo,
  (pollo %>%
    filter(Time==0) %>%
    rename(Inicial=weight) %>%
    select(Inicial, Chick)),
  by="Chick") %>%
  mutate(weightgain = weight-Inicial)
pollo <- pollo %>% mutate(meangain=weightgain/dif)
ggplot(pollo) +
  geom_line(aes(x=Time, y=meangain, color=Chick)) +
  facet_wrap(~Diet)
```

## Warning: Removed 50 rows containing missing values (geom\_path).



## Ejercicio 2

Crear una función de R que:

1. Ajuste un modelo lineal

```
modelolineal <- function(x, y, data) {lm(y ~ x, data=data)}
```

2. Dibuje los residuos contra valores ajustados del modelo

Los argumentos de la función deben ser:

**x** (variable explicativa),

**y** (variable de respuesta)

**col** color para la línea horizontal

La etiqueta del eje x debe ser 'Valores ajustados' y la etiqueta del eje y debe ser 'Residuos'. Prueba como funciona usando `data(LifeCycleSavings)`, con `x = sr`, `y = ddpi` y `col = red`.