当前位置: 首页 > 健康数据 > 全国新型冠状病毒感染疫情情况

# 全国新型冠状病毒感染疫情情况

教育培训

全球公卫

人才建设

健康数据

健康科普

学术期刊

科学研究

疾控应急

♠ M EN Q

时间: 2023-04-15 字体: 大 小

一、感染监测数据

#### (一) 全国报告人群新冠病毒核酸检测结果。

2022年12月9日以来,各省份报告人群新冠病毒核酸检测阳性数及阳性率呈现先增加后降低趋势,阳性人数12月22日达到高峰(694万)后波动下降,2023年4月13日降至2036;检测阳性率2022年12月25日达高峰(29.2%)后波动下降,2023年4月13日为1.3%(图1-1)。

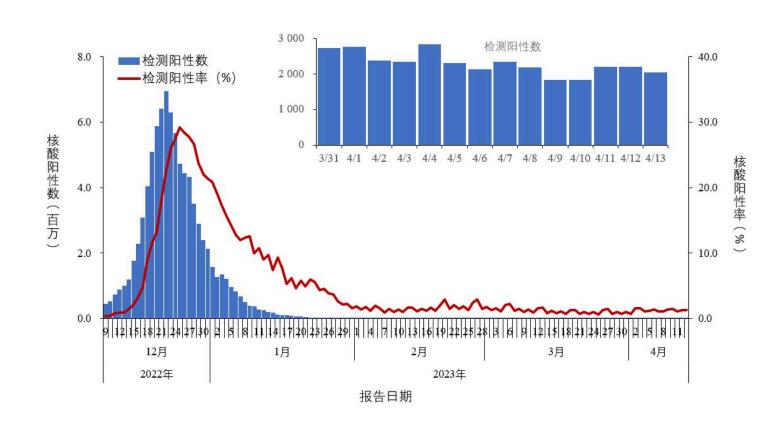


图1-1 全国报告人群新型冠状病毒核酸检测阳性数及阳性率变化趋势

(数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

#### (二) 全国报告人群新冠病毒抗原检测结果。

各省份报告新冠病毒抗原检测量呈现波动减少趋势,从2022年12月19日的最高189万波动下降到4月13日的2.0万。新冠病毒抗原检测阳性数及阳性率自2022年12月9日快速上升,12月22日达高峰(33.7万、21.3%)后波动下降,2023年4月13日阳性数降至66(阳性率为0.3%)(图1-2)。

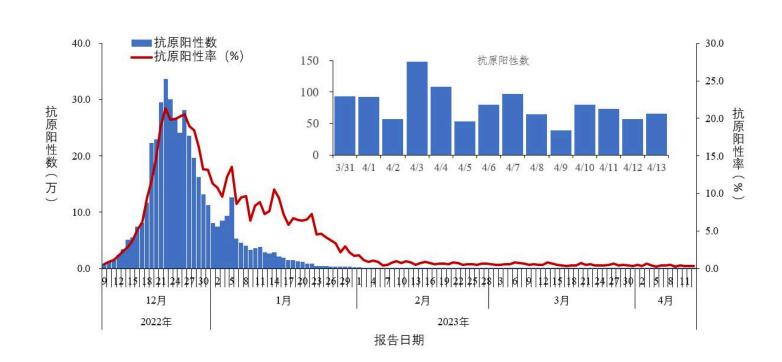


图1-2 全国报告人群新型冠状病毒抗原检测阳性数及阳性率变化趋势

(数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

# 二、全国发热门诊(诊室)诊疗情况

(一)总体就诊人数结果。全国(不含港澳台)发热门诊(诊室)就诊人数于2022年12月23日达到峰值286.7万人次,随后连续下降;2023年1月23日后就诊人数呈现低位波动,约6周(2月24日-4月6日)的波动增加及平台波动后,近1周开始呈现下降趋势,4月13日为30.1万人次,较峰值下降了89.5%(图2-1)。

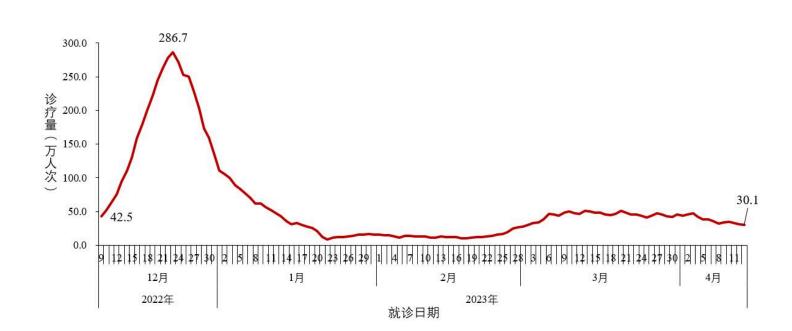


图2-1 全国发热门诊(诊室)诊疗人数变化趋势

(数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

- 说明:自2022年12月9日起,监测二级以上医疗机构发热门诊诊疗量;12月21日起,增加监测社区卫生服务中心和乡镇卫生院发热诊室诊疗量(不含村卫生室和社区卫生服务站)。
- (二)农村发热门诊(诊室)就诊人数结果。全国乡镇卫生院发热诊室就诊人数于2022年12月23日达到峰值92.2万人次,随后波动下降;2023年1月23日后呈现低位波动,约6周(2月24日-4月6日)的波动增加后,近1周开始呈下降趋势,4月13日为9.4万人次,较峰值下降了89.8%(图2-2)。

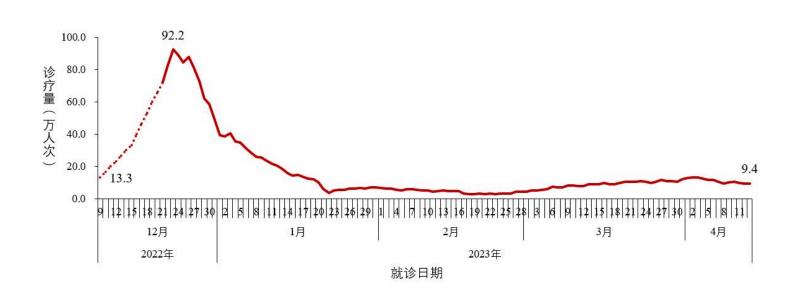


图2-2 全国农村地区乡镇卫生院发热门诊(诊室)就诊人数变化趋势

(数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

说明:农村发热患者诊疗量为乡镇卫生院发热诊室诊疗量(不含村卫生室)

(三)城市发热门诊就诊人数结果。全国二级以上医疗机构和城市社区卫生服务中心发热门诊(诊室)就诊人数于2022年12月22日达到峰值195.4万人次,随后连续下降;1月23日后呈低位波动,约6周(2月24日-4月6日)的波动增加及平台波动后,近1周开始呈现下降趋势,4月13日为20.6万人次,较峰值下降了89.5%(图2-3)。

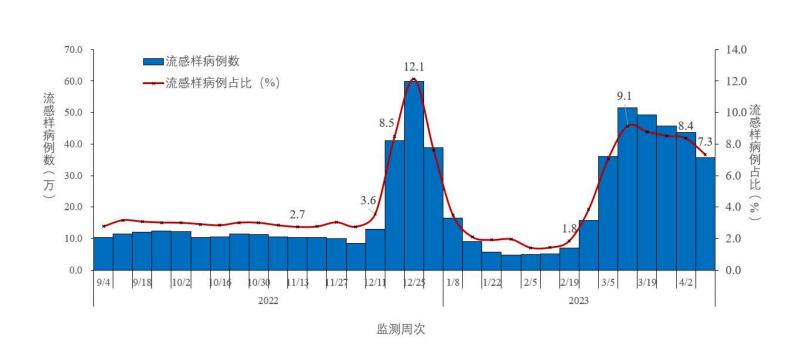
图2-3 全国城市发热门诊(诊室)就诊人数变化趋势

就诊日期

#### (数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

说明:城市发热门诊诊疗量含二级以上医疗机构和社区卫生服务中心(不含社区卫生服务站)。

(四) 哨点医院监测结果。2022年9月-12月上旬,全国流感哨点医院每周流感样病例(体温≥38°C,伴咳嗽或咽痛之一)数量稳定在10万左右,流感样病例占门(急)诊就诊人数比值在2.7%-3.6% 区间波动。第50周(12月12日-18日)明显上升至8.5%,第51周达到最高12.1%,第52周起快速下降。2023年第7周(2月13-19日)流感样病例占比(1.8%)开始呈现增加趋势,第10周达阶段高峰(9.1%)后开始持续下降,第14周(4月3日-4月9日)流感样病例占比为7.3%。(图2-4)。



#### 图2-4 全国哨点医院报告的流感样病例数及占比变化趋势

#### (数据来源于824家哨点医院)

2022年第49周(12月9日),流感样病例新冠病毒阳性率开始逐渐增加,在第51和52周期间达峰值后持续下降,2023年第7周(2月13日-19日)新冠病毒阳性率下降至3.4%后小幅反弹(第8周新冠病毒阳性率为5.1%);第9-11周新冠病毒阳性率持续下降(阳性率分别为3.8%、2.7%、1.9%),第12-13周(阳性率分别为2.3%、2.6%)略有反弹,第14周(4月3日-9日)新冠病毒阳性率与前一周持平(2.6%)。2022年第49周以来,流感病毒阳性率则逐步降低,12月下旬至2月初处于极低水平(低于1.0%);2023年第6周(2月6日-12日)以来流感病毒阳性率持续上升,第10周(3月6日-12日,阳性率为53.2%)后上升趋势明显趋缓,第12周(3月20日-26日,阳性率为55.5%)达阶段高峰后开始下降,第14周(4月3日-9日)流感病毒阳性率为44.4%(图2-5)。

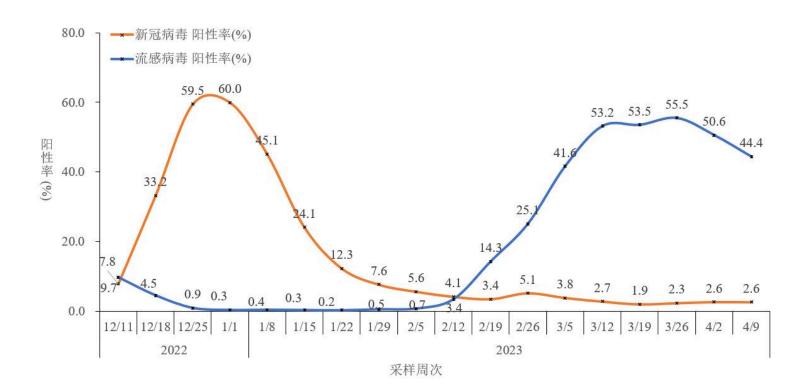
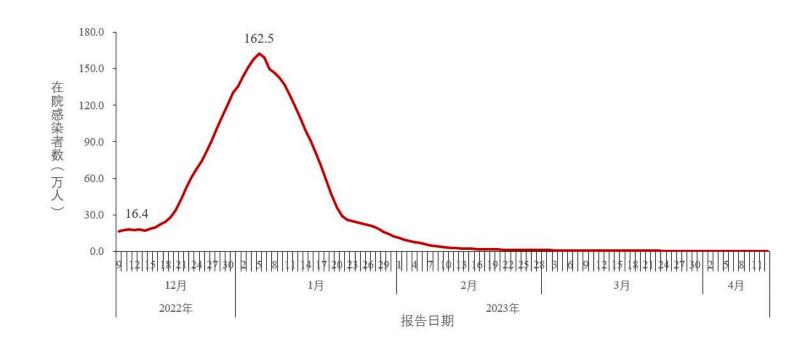


图2-5 全国哨点医院流感样病例新冠和流感病毒阳性率变化趋势

# (数据来源于402家网络实验室)

# 三、住院诊疗情况

(一)在院新冠病毒感染者结果。全国在院新冠病毒感染者于2023年1月5日达到峰值162.5万人,随后持续下降;4月13日下降至3697,较峰值减少了99.8%(图3-1)。



# 图3-1 全国在院新冠病毒感染者每日变化情况

# (数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

(二)在院新冠病毒感染阳性重症患者结果。全国在院新冠病毒感染者中,重症患者数量于2022年12月27日至2023年1月3日期间每日增量近1万,1月4日增量明显下降,1月5日达到峰值12.8万后持续下降,4月13日下降至5例(其中新冠病毒感染重症1例、基础性疾病重症合并新冠病毒感染4例)(图3-2)。

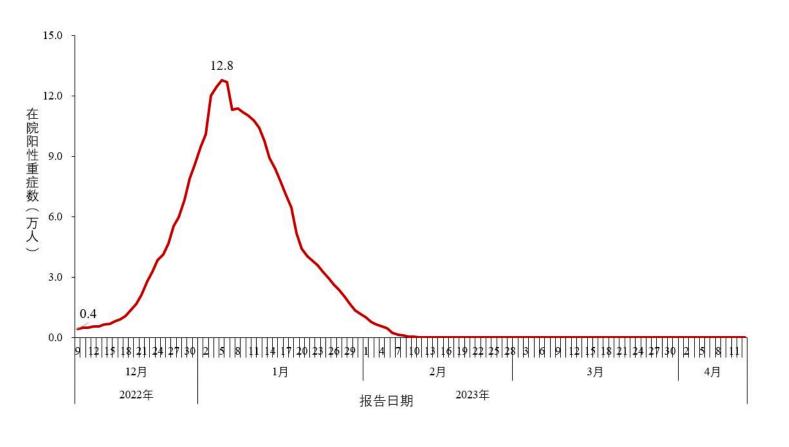


图3-2 全国在院新冠病毒感染阳性重症患者变化情况

# (数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

#### 图3-3 全国在院新冠病毒感染死亡病例变化情况

(数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

#### 四、新冠病毒感染本土病例病毒变异监测情况

(一)总体情况。2022年9月26日至2023年4月13日,全国共报送40122例本土病例新冠病毒基因组有效序列,均为奥密克戎变异株,涵盖148个进化分支,主要流行株为BA.5.2及其亚分支(构成比67.0%)和BF.7及其亚分支(构成比29.5%)。其中,BA.5.2及其亚分支包括DY.2(16.6%)、DY.4(11.8%)、BA.5.2.48(11.4%)、BA.5.2.49(8.7%)、DY.1(8.4%)和DY.3(5.3%)等;BF.7及其亚分支包括BF.7.14(20.8%)、BF.7.14.1(3.0%)、BF.7.14.5(2.4%)、BF.7.14.4(2.0%)、BF.7.14.3(0.3%)、BF.7.14.3(0.3%)等。108个进化分支的构成比小于0.1%(共占1.0%)(图4-1)。

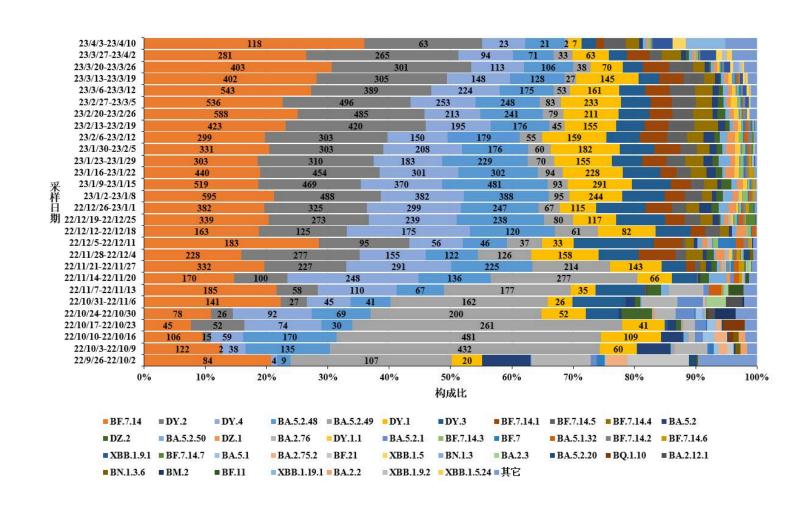


图4-1 全国新型冠状病毒变异株变化趋势图

- 说明: 1.采样日期: 2022年9月26日至2023年4月10日;
- 2. 图中标记的数字按顺序分别为BF.7.14、DY.2、DY.4、BA.5.2.48、BA.5.2.49和DY.1进化分支有效基因组序列数量;
- 3."其它"指全国范围奥密克戎变异株构成比小于0.1%的进化分支。
- (二) 12月以来本土病例病毒变异株监测情况。2022年12月1日至2023年4月13日,全国共报送31434例本土病例新冠病毒基因组有效序列,均为奥密克戎变异株,涵盖106个进化分支。主要流行株为BA.5.2及其亚分支(构成比65.4%)和BF.7及其亚分支(构成比32.8%)等。其中,BA.5.2及其亚分支包括DY.2(19.2%)、DY.4(11.9%)、BA.5.2.48(11.6%)、DY.1(8.8%)、DY.3(5.8%)和BA.5.2.49(3.6%)等);BF.7及其亚分支包括BF.7.14(22.2%)、BF.7.14.1(3.7%)、BF.7.14.5(2.9%)、BF.7.14.4(2.4%)、BF.7.14.3(0.4%)、BF.7.14.2(0.3%)等(表4-1)。共监测到本土重点关注变异株328例,其中,4例BQ.1、3例BQ.1.1、3例BQ.1.1.13、1例BQ.1.1.17、1例BQ.1.1.38、1例BQ.1.1.53、2例BQ.1.1.66、1例BQ.1.1.69、8例BQ.1.2、2例BQ.1.8、2例FB.1、1例DT.2、1例EA.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、1例CH.1.1、

# 表4-1 全国新冠病毒变异株情况

(2022年12月1日至2023年4月13日)

奥密克戎进化分支	构成比(%)
BF.7.14	22.2
DY.2	19.2
DY.4	11.8
BA.5.2.48	11.6
DY.1	8.8
DY.3	5.8
BF.7.14.1	3.7
BA.5.2.49	3.6
BF.7.14.5	2.9
BF.7.14.4	2.4
BA.5.2	1.0
DZ.1	0.9
BA.5.2.50	0.9
DZ.2	0.9
DY.1.1	0.6
BF.7.14.3	0.4
BF.7.14.2	0.3
BF.7	0.3
XBB.1.9.1	0.3
BA.5.1.32	0.2
BF.7.14.6	0.2
BF.7.14.7	0.2
XBB.1.5	0.2

BA.5.2.1	0.1
BA.2.76	0.1
BN.1.3	0.1
XBB.1.19.1	0.1
BA.5.2.20	0.1
XBB.1.9.2	0.1
XBB.1.5.24	0.1
BN.1.3.9	0.1
XBB.1.22.1	0.1
BA.5.2.6	0.1
其它	0.6

100.0

(三)新冠病毒变异分省份情况。总体来看,北京和内蒙古以BF.7及其亚分支为优势株;其它省份均以BA.5.2及其亚分支为优势株(图4-2)。

合计

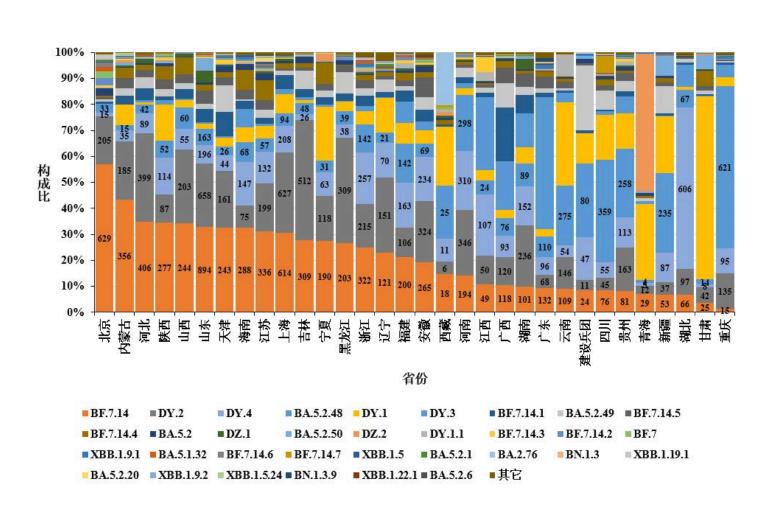


图4-2 各省份新冠病毒变异监测情况

- 说明: 1.采样时间: 2022年12月1日至2023年4月10日;
- 2.图中标记的数字按顺序分别为BF.7.14、DY.2、DY.4和BA.5.2.48进化分支有效基因组序列数量;
- 3."其它"指全国范围奥密克戎变异株构成比小于0.1%的进化分支。
- 注:根据2023年4月6日更新版Pangolin命名系统(version v4.2, pangolin-data version v1.19)划分进化分支。其中,部分BA.5.2.48被进一步细分为DY.1(BA.5.2.48.1)、DY.2(BA.5.2.48.2)、DY.3(BA.5.2.48.3)和DY.4(BA.5.2.48.4)等进化分支;部分BF.7.14被进一步细分为BF.7.14.1、BF.7.14.2、BF.7.14.3和BF.7.14.4等进化分支。

# 五、新冠病毒疫苗接种进展

截至2023年4月13日,31个省(自治区、直辖市)和新疆生产建设兵团累计报告接种新冠病毒疫苗349412.6万剂次(图5-1)。接种总人数131047.2万人,完成全程接种127707.1万人,完成第一剂次加强免疫接种82776.4万人。全人群第一剂次、全程接种覆盖比例分别达到93.0%和90.6%(图5-2)。60岁以上老年人累计报告接种新冠病毒疫苗68070.9万剂次,接种总人数24169.8万人,完成全程接种23035.6万人,完成第一剂次加强免疫接种19316.4万人。

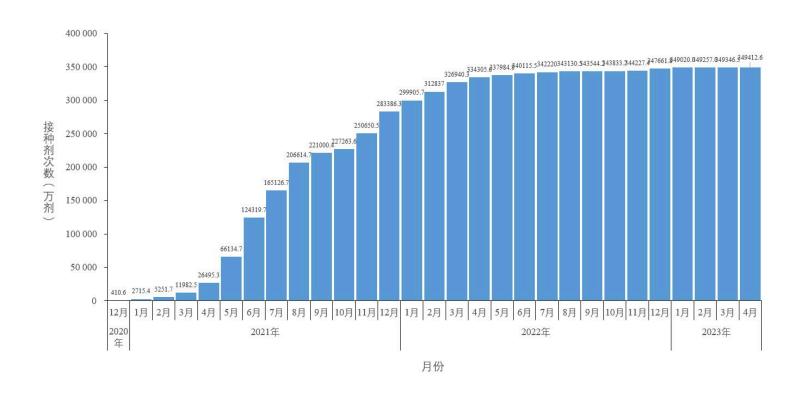


图5-1 分月新冠病毒疫苗累计接种剂次

(数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

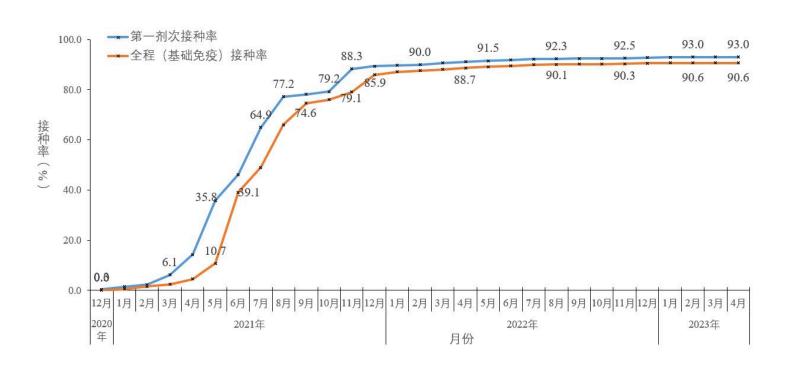


图5-2 分月全人群中第一剂次接种、基础免疫全程接种覆盖率

(数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

以2022年底全国老年人专项摸底调查人口数为基数统计,截至2023年4月13日,60岁以上老年人第一剂次接种覆盖人数占老年人群的96.1%,全程接种、第一剂次加强免疫接种人数分别占符合接种时间间隔老年人群的96.7%、92.6%(图5-3)。



首页

机构信息

党建园地

20.0

0.0

教育培训

全球公卫

人才建设

第一剂次加强免疫接种

健康数据

健康科普

学术期刊

科学研究

第一剂次

疾控应急

图5-3 基于摸底人口数的60岁以上人群新冠病毒疫苗接种率

全程(基础免疫)接种

(数据来源于31个省(区、市)及新疆生产建设兵团报告)

注: 1.第一剂次接种率测算中分子为接种目前附条件上市或紧急使用新冠病毒疫苗至少1剂次的老年人群,分母为2022年12月10日各省上报的老年人摸底登记人口数。2.全程接种率测算中分子为接种灭活疫苗2剂次、腺病毒载体疫苗1剂次、重组蛋白疫苗3剂次的老年人群,分母为接种灭活疫苗1剂次、腺病毒载体疫苗1剂次和重组蛋白疫苗2剂次的老年人群,并且接种后间隔满28天(4周)。3.第一剂次加强免疫接种率测算分子为完成第一剂次加强免疫接种老年人群,分母为接种灭活疫苗2剂次、腺病毒载体疫苗1剂次的老年人群,且全程接种后间隔满3个月。(由于重组蛋白疫苗实施加强免疫接种的时间短,接种3剂次重组蛋白疫苗人群目前未包括在分母中)。

