## Spearman Correlation – Genome Wide

1.00	0.93	0.93	0.93	0.93	0.94	0.91	0.91	0.93	0.92	0.88	0.87	ES R1
0.93	1.00	0.93	0.93	0.93	0.94	0.91	0.91	0.93	0.92	0.88	0.88	ES R2
0.93	0.93	1.00	0.93	0.93	0.94	0.91	0.91	0.93	0.92	0.89	0.89	1H R1
0.93	0.93	0.93	1.00	0.93	0.93	0.90	0.91	0.92	0.91	0.87	0.87	1H R2
0.93	0.93	0.93	0.93	1.00	0.94	0.91	0.91	0.93	0.92	0.89	0.89	4H R11
0.94	0.94	0.94	0.93	0.94	1.00	0.92	0.92	0.94	0.93	0.90	0.90	4H R2 0.8 0.6
0.91	0.91	0.91	0.90	0.91	0.92	1.00	0.91	0.92	0.91	0.88	0.88	15H R1 - 0.4 0.2
0.91	0.91	0.91	0.91	0.91	0.92	0.91	1.00	0.93	0.92	0.88	0.88	15H R2 0.2
0.93	0.93	0.93	0.92	0.93	0.94	0.92	0.93	1.00	0.94	0.91	0.91	D1 R1
0.92	0.92	0.92	0.91	0.92	0.93	0.91	0.92	0.94	1.00	0.90	0.90	D1 R2
0.88	0.88	0.89	0.87	0.89	0.90	0.88	0.88	0.91	0.90	1.00	0.93	D4 R1
0.87	0.88	0.89	0.87	0.89	0.90	0.88	0.88	0.91	0.90	0.93	1.00	D4 R2
2	R2	<u> </u>	R2	<u> </u>	R2	<u> </u>	R2	<u> </u>	R2	<u> </u>	R2	•
ЕS	ES	±	Ť.	<del>1</del>	<del>1</del>	15H	15H	7	7	<b>D</b> 4	<b>D</b> 4	