## analisis\_incial

## cyrce salinas rojas 2024-04-28

## reading files

Secuencia: B16401 Complementaria:

CAACCAACTT ... AATTTTAGTA

Secuencia: BA2752 Complementaria:

TAAAGGTTTA ... CATGTGATTT

Secuencia: BA286 Complementaria:

ATAACTAATT ... CCTTACCGCA

Secuencia: EG51 Complementaria:

ACTAAAGGTT ... AAAAAAAAA

Secuencia: JN1 Complementaria:

CTGCATGCTT ... GTCTACTCTT

Secuencia: XBB191 Complementaria:

CGGCTGCATG ... CTATCCCCAT

Secuencia: XBB116 Complementaria:

TCGTCCGTGT ... CATTTTCACC

Secuencia: XBB23 Complementaria:

AAAATCTGTG ... CTATCCCCAT

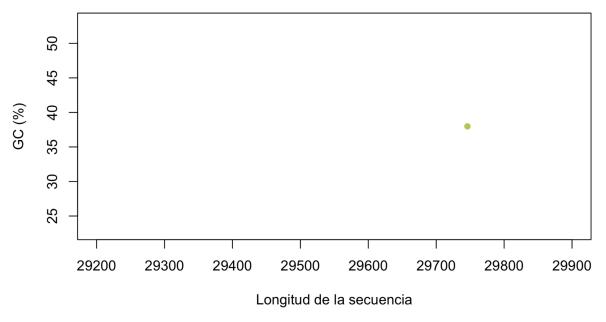
Secuencia: ZETA Complementaria:

AGATCTGTTC ... AGTGCTATCC

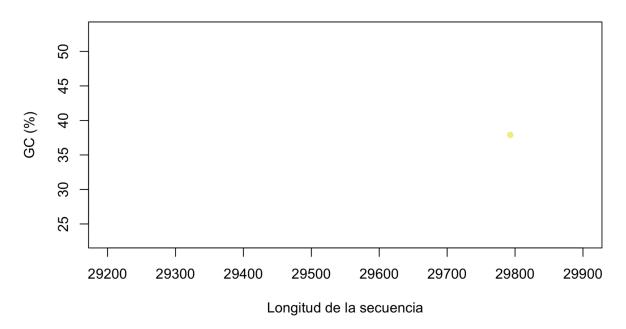
Secuencia: ALFA Complementaria:

ACTTTCGATC ... TGCTAGGGAG

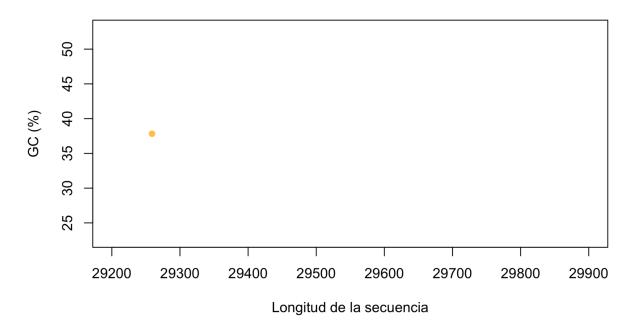
# GC% vs. Longitud - B16401



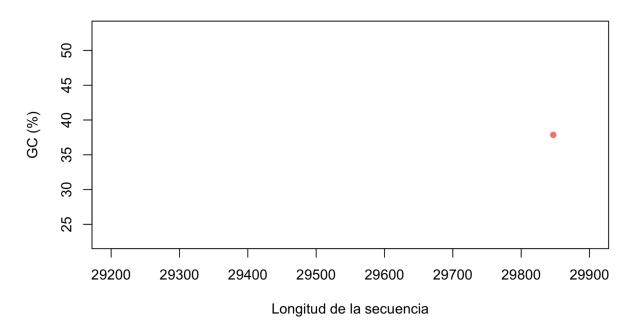
GC% vs. Longitud - BA2752



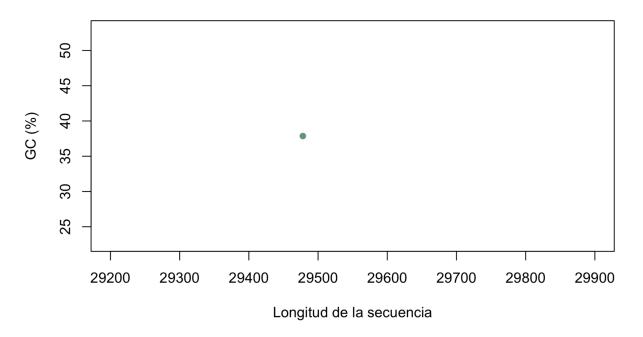
GC% vs. Longitud - BA286



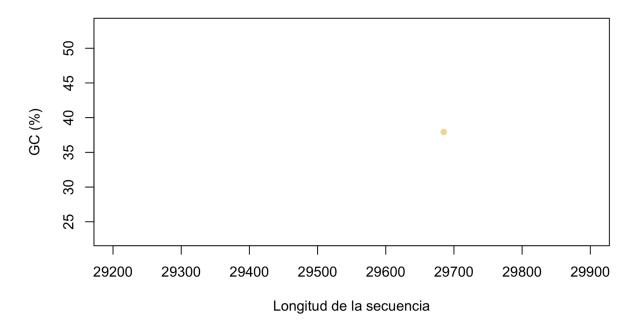
GC% vs. Longitud - EG51



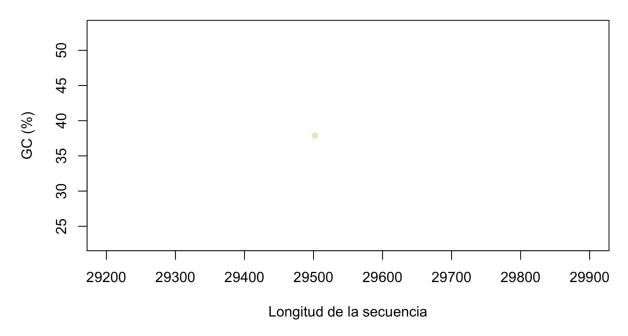
GC% vs. Longitud - JN1

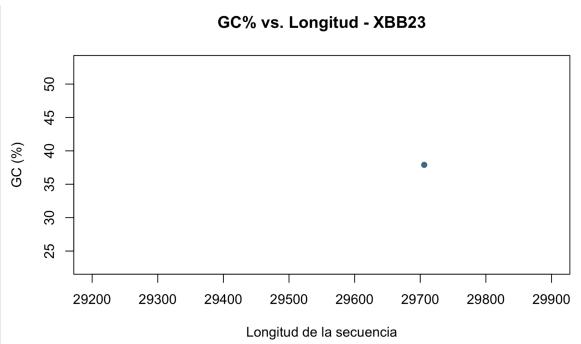


GC% vs. Longitud - XBB191

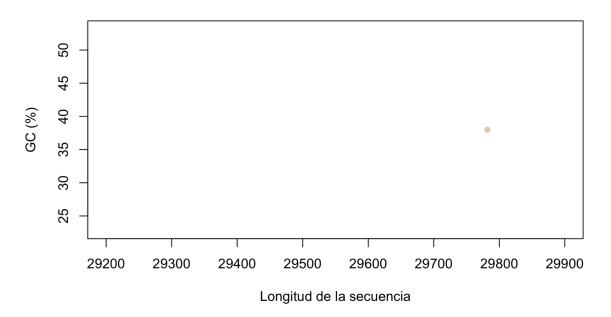


GC% vs. Longitud - XBB116

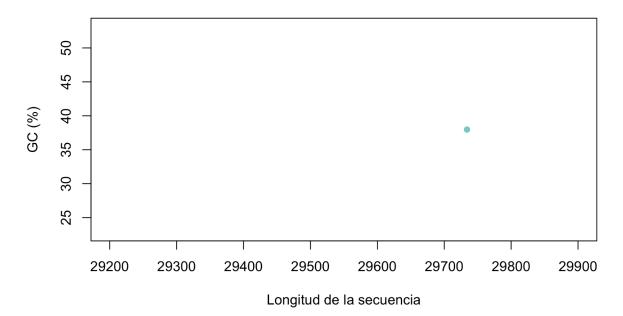




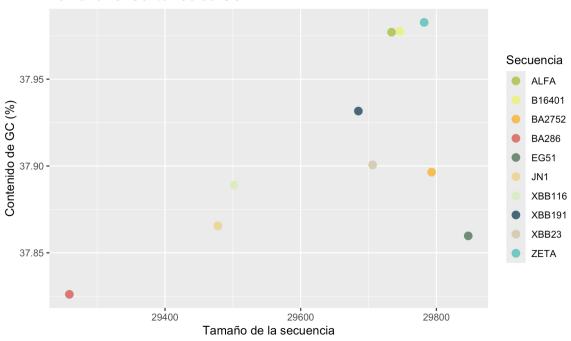
GC% vs. Longitud - ZETA



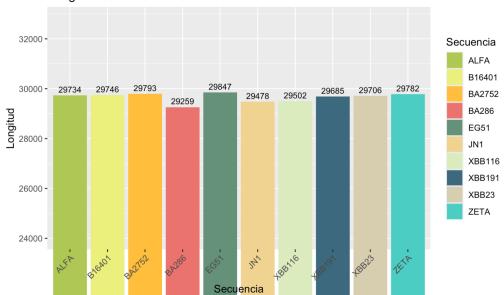
GC% vs. Longitud - ALFA



#### Tamaño vs. Contenido de GC



### Longitud de las secuencias de ADN



[1] "Como conclusion, puedo decir que la tendencia es que cuan más grande es la secuencia, el contendio de GC aumenta, lo cual suena razonable. Sin embargo como toda regla, tiene su excepcion como lo arroja la variante XBB.1.9.1 y la variante BA.2.75.2. Aunado a esto, me gustaria recalcar que las variantes VOI tienden a tener una longitud mayor a las que tienen otra clasificacion asignada por la SIG. "