Trabalho de casa 02: Regressão linear

Instruções gerais: Sua submissão deve conter:

- 1. Um "ipynb" com seu código e as soluções dos problemas
- 2. Uma versão pdf do ipynb

Caso você opte por resolver as questões de "papel e caneta" em um editor de $L\!\!\!/T_E\!X$ externo, o inclua no final da versão pdf do 'ipynb'.

Exercícios computacionais

Exercício 1. Deixamos à sua disposição o dataset "California Housing", dividido em treino, teste e validação. O modelo que você utilizará para aproximar a relação funcional entre as features e as labels é o modelo linear, i.e., $\boldsymbol{y} = X\boldsymbol{\theta}$. Entretanto, você deve estimar seus parâmetros (minimizando o *mean squared error*) com **dois algoritmos diferentes**. Uma implementação deve estimar $\boldsymbol{\theta}$ por meio de **Stochastic Gradient Descent (SGD)** e, a outra, por meio de **Ordinary Least Squares (OLS)**, ou seja, utilizar a solução em fórmula fechada vista em aula.

Para o SGD, o ponto inicial deve ser escolhido aleatoriamente e o algoritmo deve parar quando a norma da diferença entre duas estimativas consecutivas de θ for menor do que um $\varepsilon>0$ previamente especificado. Para o experimento a seguir, fixe ε em um valor pequeno (por exemplo, alguma potência de 1/10) para a qual o algoritmo convirja no máximo em alguns minutos para uma solução com perda pequena.

Para diferentes tamanhos de minibatch (por exemplo $\{2^j:1\leq j\leq 7\}$), plote um gráfico representando o valor da perda $L(\hat{\theta})=\frac{1}{n}\|X\hat{\theta}-\mathbf{y}\|^2$ no conjunto de validação em função do número de epochs. Mostre também o valor ótimo obtido com OLS. Comente os resultados e o efeito tamanho do minibatch, e.g., no tempo de treinamento. Reporte valores nos conjuntos de treino, validação e teste.

```
features_train, labels_train, test_size=0.25
)
```

Inicialmente, vamos implementar a função auxiliar de MSE

```
In [ ]: # Definir a função de perda (Mean Squared Error)
def mean_squared_error(y_true, y_pred):
    return np.mean((y_true - y_pred) ** 2)
```

Vamos primeiro implementar o método SGD.

```
In [ ]: # stochastic gradient descent (SGD) regressor
        class SGD():
            def __init__(self, learning_rate=0.1**8, batch_size=128, epsilon=0.1**7):
                self.theta = None
                self.learning_rate = learning_rate
                self.batch_size = batch_size
                self.epsilon = epsilon
                self.loss = []
                self.thetas = []
            # a função fit é usada para treinar o modelo
            def fit(self, X, y):
                # adiciono viés
                X = np.hstack((np.ones((X.shape[0], 1)), X)) # adiciona uma coluna de 1s
                self.theta = np.random.normal(scale=0.0001, size=(X.shape[1], 1)) # inic
                y = y.reshape(-1, 1) # transforma y em um vetor coluna
                epoch = 0
                criteria = np.inf # inicializa o critério de parada
                while criteria > self.epsilon: # enquanto o critério de parada não for a
                    # get random batch from data
                    batch = np.random.choice(X.shape[0], self.batch size) # escolhe alea
                    X_batch = X[batch] # seleciona os exemplos
                    y_batch = y[batch] # seleciona os rótulos
                    # calculate gradient
                    gradient = 2 * X batch.T.dot(X batch.dot(self.theta) - y batch) / se
                    # update theta
                    self.theta = self.theta - (self.learning_rate * gradient)
                    self.thetas.append(self.theta)
                    # check stopping criteria
                    if epoch > 0:
                        criteria = np.linalg.norm(self.theta - self.theta old)
                    self.theta_old = self.theta
                    error = np.mean((X_batch.dot(self.theta) - y_batch)**2)/X_batch.shap
                    self.loss.append(error)
                    epoch += 1
            # afunção predict é usada para fazer previsões com o modelo treinado
            def predict(self, X):
                X = np.hstack((np.ones((X.shape[0], 1)), X))
                return X.dot(self.theta)
```

Agora podemos calcular o MSE para o conjunto de validação e teste.

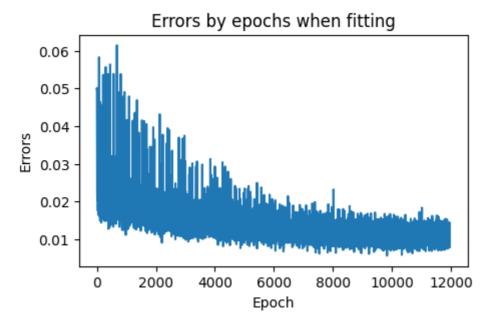
```
In [ ]: sgd = SGD()

sgd.fit(features_train, labels_train)
sgd.predict(features_validation)
media = mean_squared_error(labels_validation, sgd.predict(features_validation))
print("MSE: ", media)
```

MSE: 1.4145839018047441

Vamos visualizar o comportamento do MSE em função da época.

```
import matplotlib.pyplot as plt
plt.figure(figsize=(5, 3))
plt.plot(sgd.loss)
plt.xlabel('Epoch')
plt.ylabel('Errors')
plt.title('Errors by epochs when fitting')
plt.show()
```



Note que conforme a época avança, o MSE se torna ligeiramente mais estável, convergindo pra algo entre 0.005 e 0.02. Agora, vamos avaliar o comportamento da função perda diante de diferentes tamanhos de minibatch.

```
In []: # make figure
figure = plt.figure(figsize=(18, 10))
for i in range(1,9):
    sgd = SGD(batch_size=2**i)
    sgd.fit(features_train, labels_train)
    errors = []
    # add bias
    X = np.hstack((np.ones((features_validation.shape[0], 1)), features_validati
    for theta in range(len(sgd.thetas)):
        error = np.mean((X.dot(sgd.thetas[theta]) - labels_validation.reshape(-1
        errors.append(error)
    ax = figure.add_subplot(2, 4, i)
    ax.plot(errors)
    ax.set_xlabel('Epoch')
```

```
ax.set_ylabel('Losses')
       ax.set_title(f'Batch size: {2**i}')
plt.show()
               Batch size: 2
                                                     Batch size: 4
                                                                                           Batch size: 8
                                                                                                                                 Batch size: 16
                                                                              30
                                        50
                                                                              25
 5.5
 5.0
                                                                              20
                                      osses
                                                                            osse
                                                                              15
  4.0
                                                                              10
 3.5
                                        10
                                                                                      1000 2000 3000 4000
                                                                                                                             1000
                                                                                                                                  2000
                                                         4000
                                                                                                                                        3000
                  Epoch
                                                        Epoch
                                                                                                                                    Epoch
              Batch size: 32
                                                    Batch size: 64
                                                                                          Batch size: 128
                                                                                                                                Batch size: 256
                                                                             5.0
 5.0
                                                                                                                   5.0
                                                                             4.5
  4.5
                                                                                                                   4.0
  4.0
                                                                                                                  3.5
3.0
                                                                            o.ses
                                                                             2.5
                                                                                                                   2.5
                                                                             2.0
                                                                                                                   2.0
                                                                             1.5
                                                                                                                           2500 5000 7500 100001250015000
                                                2500
                                                     5000 7500
                                                                10000 12500
                                                                                     2000 4000 6000 8000 10000 12000
```

Note que conforme a época avança, o MSE se torna ligeiramente mais estável conforme o tamanho do minibatch aumenta. Além desse conportamento podemos observar que a função perda se torna suave conforme o tamanho do minibatch aumenta. No entanto, existem picos de perda mesmo pra valores altos da época (observável para batch size = 32, por exemplo). É ainda destacável que conforme o tamanho do minibatch aumenta, o tempo de treinamento também aumenta consideravelmente.

Finalmente, podemos implementar o método OLS.

```
In []:
    def __init__(self):
        self.theta = None

def fit(self, X, y):
        X = np.hstack((np.ones((X.shape[0], 1)), X))
        self.theta = np.linalg.inv(X.T.dot(X)).dot(X.T).dot(y)

def predict(self, X):
        X = np.hstack((np.ones((X.shape[0], 1)), X))
        return X.dot(self.theta)
```

Testando no conjunto de validação e teste, temos o seguinte resultado.

```
In [ ]: ols = OLS()
    ols.fit(features_train, labels_train)
    media = mean_squared_error(labels_validation, ols.predict(features_validation))
    print("MSE: ", media)
```

MSE: 0.5356253807287028

Comparando com o valor real:

```
In [ ]: ols = OLS()
    ols.fit(features_train, labels_train)
    media = mean_squared_error(labels_test, ols.predict(features_test))
    print("MSE: ", media)
```

MSE: 0.542084954078024

Exercício 2. Agora, utilizando ainda o mesmo dataset da questão anterior, você deve implementar uma **Rede RBF** com função de base Gaussiana (veja as notas de aula). Para os centróides, utilize o output de um modelo de clusterização por K médias, por meio da função que disponibilizamos, como a seguir:

```
In []: def k_means_factory(n_clusters: int) -> KMeans:
    return KMeans(n_clusters=n_clusters, n_init="auto")

k_means_model = k_means_factory(n_clusters=2)
dumb_data = np.array(
    [[1, 2],
        [1, 4],
        [1, 0],
        [10, 2],
        [10, 4],
        [10, 0]]
)

k_means_model.fit(dumb_data)
cluster_centers = k_means_model.cluster_centers_
print(cluster_centers) # Shape (n_clusters, n_features)
```

[[1. 2.] [10. 2.]]

Para determinar o melhor valor de k para o algoritmo de clusterização, treine o modelo (usando a fórmula de OLS) com diferentes valores e escolha o que possuir o menor erro de validação. Faça um gráfico mostrando o valor do erro de validação para diferentes valores de k. Mostre também a performance do modelo escolhido no conjunto de teste. Compare com o modelo linear simples da questão anterior. Discuta os resultados.

Para definir o valor do hiper-parâmetro γ , use a seguinte heurística --- que pode ser achado no livro "Neural Networks", por Simon Haykin:

$$\gamma = rac{1}{d_{ ext{max}}^2},$$

onde d_{\max} é a maior distância entre um par de centróides. Note que o valor costuma mudar para k's diferentes.

Resposta. Primeiramente, vamos implementar a rede RBF.

```
In [ ]:
    class RBF():
        def __init__(self, n_clusters=3, gamma=1):
            self.n_clusters = n_clusters
            self.gamma = gamma
            self.cluster_centers = None
            self.theta = None

    def ols(self, X, y):
```

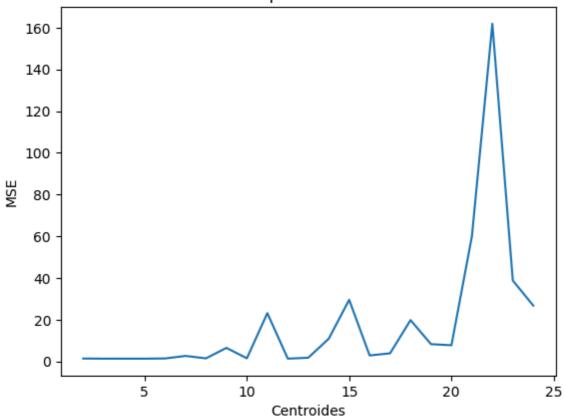
```
self.theta = np.linalg.inv(X.T.dot(X)).dot(X.T).dot(y)
    return self.theta
def fit(self, X, y):
   # add bias
   X = np.hstack((np.ones((X.shape[0], 1)), X))
   # cluster centers
    k_means_model = k_means_factory(n_clusters=self.n_clusters)
    k_means_model.fit(X)
   self.cluster_centers = k_means_model.cluster_centers_
   # calculate max distance
   max_dist = np.max(np.linalg.norm(self.cluster_centers - self.cluster_cen
   # calculate gamma
   self.gamma = 1/max_dist**2
   # calculate rbf
   rbf = np.exp(-self.gamma * np.linalg.norm(X[:, None] - self.cluster_cent
   # train with OLS
   y = y.reshape(-1, 1)
   self.theta = self.ols(rbf, y)
def predict(self, X):
   # add bias
   X = np.hstack((np.ones((X.shape[0], 1)), X))
   # calculate rbf
   rbf = np.exp(-self.gamma * np.linalg.norm(X[:, None] - self.cluster_cent
    return rbf.dot(self.theta)
```

Agora, vamos aplicar o algoritmo de clusterização por K médias pra o conjunto de treino.

```
In [ ]: ks = []
    for k in range(2, 25):
        rbf = RBF(n_clusters=k)
        rbf.fit(features_train, labels_train)
        ks.append(np.mean((rbf.predict(features_validation) - labels_validation)**2)

In [ ]: plt.plot(range(2, 25), ks)
    plt.xlabel('Centroides')
    #plt.xticks([2, 4, 6, 8, 10, 12, 14, 16, 18, 20])
    plt.ylabel('MSE')
    plt.title('MSE por centroides')
    #redefinir tamanho da imagem
    plt.figure(figsize=(5, 3))
    plt.show()
```

MSE por centroides



<Figure size 500x300 with 0 Axes>

Observe que o MSE é razoavelmente estável para valores menores de k. No entanto, para valores maiores de k, o MSE tende a aumentar. Vamos escolher o valor de k que minimiza o MSE:

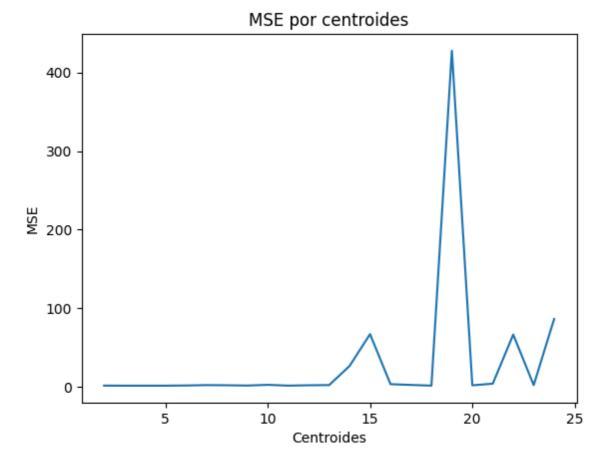
```
In [ ]: #escolha do menor MSE para o número de centroides
print("MSE: ", min(ks), "Centroides: ", ks.index(min(ks))+2)
```

MSE: 1.324843463135861 Centroides: 5

Fazendo o mesmo para o conjunto de teste, temos:

```
In [ ]:
    ks = []
    for k in range(2, 25):
        rbf = RBF(n_clusters=k)
        rbf.fit(features_train, labels_train)
        ks.append(np.mean((rbf.predict(features_test) - labels_test)**2))

plt.plot(range(2, 25), ks)
    plt.xlabel('Centroides')
    #plt.xticks([2, 4, 6, 8, 10, 12, 14, 16, 18, 20])
    plt.ylabel('MSE')
    plt.title('MSE por centroides')
    #redefinir tamanho da imagem
    plt.figure(figsize=(5, 3))
    plt.show()
```



<Figure size 500x300 with 0 Axes>

Aqui, podemos observar que novamente o modelo se sai melhor com um valor de k menor, enquanto para valores de k mais altos o MSE se torna cada vez menos estábilizado. Para k=5,o MSE obtido se encontra abaixo

```
In [ ]: #mse obtido com k=5
print("MSE: ", min(ks), "Centroides: ", ks.index(min(ks))+2)
```

MSE: 1.324843463135861 Centroides: 5

Comparando com o modelo linear simples, temos que o modelo RBF não se saiu melhor que o modelo linear simples. Isso pode ser devido ao fato de que o modelo RBF é mais sensível a hiperparâmetros, como o valor de k e γ . Além disso, o modelo RBF é mais complexo e, portanto, mais suscetível a overfitting.

Exercícios de "papel e caneta"

Exercício 1. Deixe que $X \in \mathbb{R}^{N \times D}$, c>0 e I denote a matriz identidade de dimensão N. Mostre que $X^\intercal X + cI$ possui inversa.

Resposta. Para que a matriz seja invertível, é necessário que todos os seus autovalores sejam não nulos, ou melhor dizendo, que o produto de seus autovalores seja não nulo. Vamos fazer uma analise passo-a-passo das propriedades da matriz do enunciado. Primeiramente, note que a matriz $X^{\mathsf{T}}X$ é simétrica e positiva semi-definida. Para demonstrar que é positiva semi-definida, note que para todo vetor $v \in \mathbb{R}^D$, temos que $v^{\mathsf{T}}X^{\mathsf{T}}Xv = (Xv)^{\mathsf{T}}Xv = \|Xv\|^2 \geq 0$. A matriz diagonal cI é claramente simétrica

positiva definida para c > 0.

Agora, vamos analisar a soma dessas duas matrizes e verificar se a mesma é simétrica e positiva definida. Para isso, é necessário que $y^T(X^TX+cI)y>0$. Se aplicarmos distributividade, temos que

$$y^T(X^TX + cI)y = y^TX^TXy + cy^Ty$$

A primeira parte $y^T(X^TX)y$ vimos anteriormente que é positiva semi-definida. A segunda parte é claramente positiva definida por se tratar de uma matriz diaginal e c>0. Portanto, a soma dessas duas matrizes é simétrica e positiva definida, o que implica que a mesma possui todos os autovalores positivos - não nulos, como queríamos - e, portanto, é invertível.

Exercício 2. Deixe que $X \in \mathbb{R}^{N \times D}$ seja uma matriz contendo os exemplos de treinamento (um por linha) e que $y \in \mathbb{R}^N$ seja um vetor coluna dos outputs observados para cada vetor de input em suas linhas. Na aula, derivamos a solução de mínimos quadrados ordinários (OLS). Use o mesmo raciocínio para resolver achar o vetor de pesos θ que minimiza:

$$||X\theta - y||_2^2 + c||\theta||_2^2$$

onde c>0 é uma constante.

Resposta. POdemos derivar a expressão do enunciado e igualar a zero, encontrando assim os pesos que minimizem a função. Para isso, vamos primeiro reescrever a expressão do enunciado como produtos internos.

$$||X\theta - y||_2^2 + c||\theta||_2^2 = < X\theta - y, X\theta - y > +c < \theta, \theta >$$

pelas propriedades de derivação de produto interno, temos que

$$rac{d}{d heta} < X heta - y, X heta - y> = < X, X heta - y> + < X heta - y, X>$$

$$rac{d}{d heta} < X heta - y, X heta - y> = < X, X heta - y> + < X, X heta - y>$$

Reescrevendo em notações matriciais,

$$rac{d}{d heta} < X heta - y, X heta - y > 2X^T(X heta - y)$$

De forma semelhante, temos que

$$rac{d}{d heta}c< heta, heta>=2c heta$$

Daí, igualando a zero, temos que

$$2X^T(X\theta - y) + 2c\theta = 0$$

$$X^T X \theta - X^T y + c\theta = 0$$

$$X^TX\theta + c\theta = X^Ty$$

$$X^T X \theta + cI \theta = X^T y$$

Pela primeira questão, validada a inversa de X^TX+cI , temos que

$$\theta = (X^T X + cI)^{-1} X^T y$$

é o vetor de pesos que minimiza a função.

Exercício 3. Em algumas situações, temos muito mais features que amostras $(D\gg N)$. Esse tipo de cenário é comum, e.g., na análise de dados genômicos. Nesse caso, costumam existir infinitas combinações lineares das features que expressam o vetor de saídas y. Portanto, precisamos de algum critério para escolher um deles. Uma abordagem possível, é escolher o vetor de pesos θ que possua menor norma L2. Com isso em mente, derive a solução que minimiza $\|\theta\|_2^2$ e respeita $X\theta=y$. Assuma que as linhas de X são linearmente independentes.

Resposta. Para resolver esse problema, vmos utilizar o método de Lagrange. O método é utilizado quando queremos otimizar uma função de várias variáveis, sujeita a uma ou mais restrições. A ideia básica é introduzir multiplicadores de Lagrange para converter o problema de otimização com restrições em um problema de otimização sem restrições. Suponha que temos a função objetivo

$$(f(x_1,x_2,\ldots,x_n))$$

que queremos maximizar ou minimizar, sujeita a uma ou mais restrições

$$(g_1(x_1,x_2,\ldots,x_n)=c_1,g_2(x_1,x_2,\ldots,x_n)=c_2,\ldots,g_m(x_1,x_2,\ldots,x_n)=c_m)$$

. Para resolver esse problema com o método de Lagrange, formulamos a função Lagrangeana L, que é dada por:

$$[L(x_1,x_2,\ldots,x_n,\lambda_1,\lambda_2,\ldots,\lambda_m)=f(x_1,x_2,\ldots,x_n)+\lambda_1(g_1(x_1,x_2,\ldots,x_n)-c_1)+\lambda_1(g_1(x_1,x_2,\ldots,x_n)-c_1)$$

onde $(\lambda_1,\lambda_2,\ldots,\lambda_m)$ são os multiplicadores de Lagrange associados às restrições. Em seguida, calculamos os gradientes de L em relação a todas as variáveis $(x_1,x_2,\ldots,x_n,\lambda_1,\lambda_2,\ldots,\lambda_m)$ e igualamos cada gradiente a zero. Isso nos dá um conjunto de equações chamadas de equações de Lagrange.

No nosso caso, temos que a função objetivo é $\|\theta\|_2^2$ e a restrição é $X\theta=y$. Portanto, a função Lagrangeana é dada por:

$$L(\theta, \lambda) = \|\theta\|_2^2 + \lambda(X\theta - y)$$

onde λ é o multiplicador de Lagrange.

Agora, vamos calcular o gradiente de L em relação a θ e igualar a zero. Temos que

$$abla_{ heta}L=2 heta+\lambda X=0$$
 $heta=-rac{1}{2}\lambda X$

Agora, vamos calcular o gradiente de L em relação a λ e igualar a zero. Temos que

$$\nabla_{\lambda}L = X\theta - y = 0$$

$$X\theta = y$$

Substituindo o valor de θ na equação acima, temos que

$$X(-\frac{1}{2}\lambda X)=y$$

$$-rac{1}{2}X^TX\lambda=y$$

$$X^T X \lambda = -2y$$

Assumindo que X^TX é invertível- o que é verdadeiro se as linhas de X são linearmente independentes - temos que

$$\lambda = -(X^T X)^{-1} 2y$$

Substituindo o valor de λ na equação $heta=-rac{1}{2}\lambda X$, temos que

$$heta = X^T (X^T X)^{-1} y$$

é o vetor de pesos que minimiza a função.