## Gibbs Sampler para los modelos hard-core y q-coloring

Autores:

- Daniel Alejandro García Hernández
- David Camilo Cortes Salazar

En este notebook se encuentra una implementación del Gibbs Sampler para Hard-core y q-colorings.

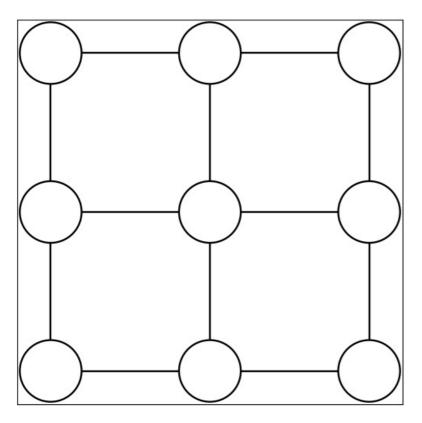
Las librerías necesarias para ejectuar el código son:

```
In [1]:
    import random
    import networkx as nx
    import matplotlib.pyplot as plt
```

#### Punto 1: Gibbs Sampler para el modelo Hard-Core

Iniciamos creando la grilla del módelo. Para esto, creamos un grafo cuadrado 2D de NetworkX, el cuál recibe de input el valor de k, las dimensiones del grafo.  $3 \le k \le 20$ .

```
In [2]: def restart_G(k):
             # Create a lattice, kxk graph
             G = nx.grid_2d_graph(k, k)
             # Define the positions for plotting
             pos = \{(x, y): (y, -x) \text{ for } x, y \text{ in } G.nodes()\}
             # Color of the nodes
             color_values = {node: "white" for i, node in enumerate(G.nodes())}
             return G, color_values
         def plot_grid(color_values):
             # Define the positions for plotting
             pos = \{(x, y): (y, -x) \text{ for } x, y \text{ in } G.nodes()\}
             ## Plot the graph
             options = {
                 "font_size": 200,
                 "node_size": int(30000/k**2),
"node_color": "white",
                 "edgecolors": "black",
                 "linewidths": 1.7,
                 "width": 1.7,
                 "with labels": False,
                 "node_color": color_values.values(),
             }
             plt.figure(figsize=(5 + 0.1*k, 5 + 0.1*k))
             nx.draw_networkx(G, pos=pos, **options)
             plt.tight_layout()
             plt.show()
         # Iniciar el valor de los colores
         G, color values = restart G(k)
         # Graficar la grilla
         plot_grid(color_values)
```



Definimos la función que actualiza el sistema en un único paso; es decir, pasa de  $X_n$  a  $X_{n+1}$ . Para esto, el algoritmo:

- 1. Elige un vértice  $\boldsymbol{v}$  al azar, con distribución uniforme.
- 2. Lanza una moneda justa.
- 3. Si el resultado es "cara", y todos los vecinos del nodo v son blancos, entonces colorea el nodo v de negro.
- 4. Si el resultado del lanzamiento es "sello", coloréa el vértice  $\boldsymbol{v}$  de blanco.

```
In [3]:
    def step():
        # Elegir un nodo al azar con distribución uniforme https://docs.python.org/3/library/random.html
        x = random.choice(range(0,k))
        y = random.choice(("cara", "sello"))

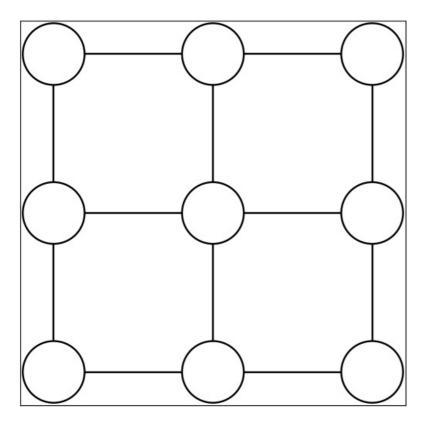
        if coin == "cara":

            if "black" in [color_values[vecino] for vecino in [n for n in G.neighbors((x,y))]]: # Revisa si algun vecolor_values[(x,y)] = "white" # Si es cierto, el nodo se cambia a blanco
        else: color_values[(x,y)] = "black" # Si es falso, el nodo se cambia a negro

        else:
            color_values[(x,y)] = "white"

step()

plot_grid(color_values)
```

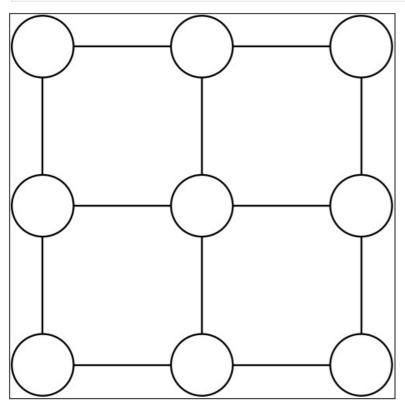


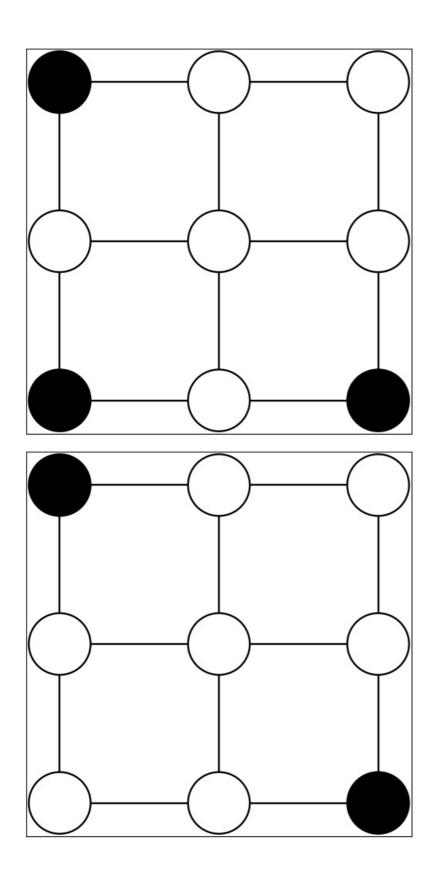
Para ayudar a visualizar la evolución del sistema, graficamos algunos pasos iniciales, así como la configuración final después de 50 pasos:

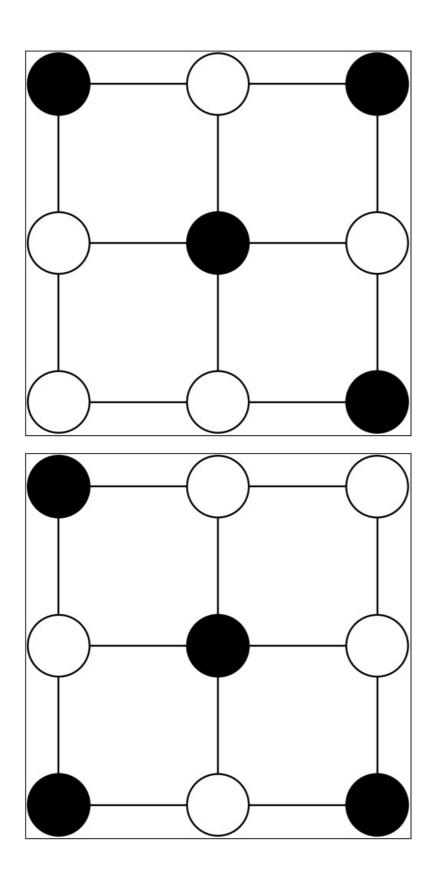
```
In [4]: for ii in range (50):
    step()

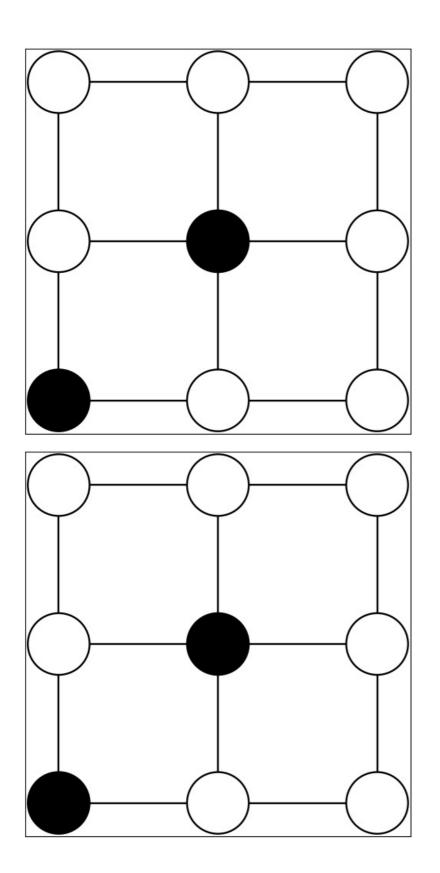
    if ii%5 == 0:
        plot_grid(color_values)

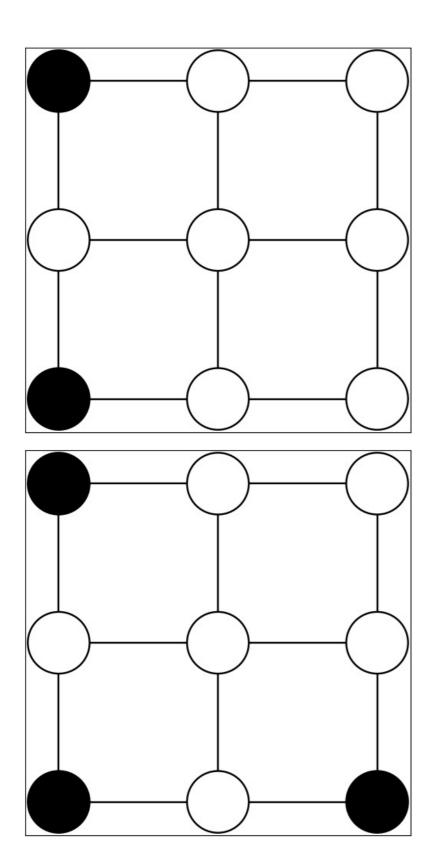
plot_grid(color_values)
```

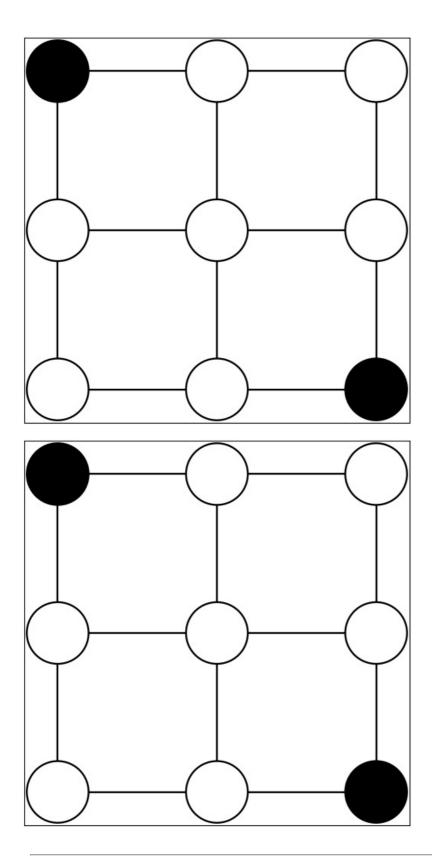












## Punto 2. Distribución del número de partículas del modelo Hard-core

Antes de hallar la distribución, definimos algunas funcines que serán de utilidad:

- Contar el número de partículas de una grilla determinada.
- ullet Evolucionar el sistema hasta un valor de n lo suficientemente grande (en este caso, n=10k, o n=100k).
- Hallar el valor promedio del histograma.

```
In [5]: def count_particles(color_values):
    return list(color_values.values()).count("black")

def find_evolution(n):
    for _ in range(n): step()

def find_expected_value(particle_distribution, n_repetitions):
    x_vector = list(particle_distribution.keys())
    y_vector = list(particle_distribution.values())
    suma = sum([x_vector[i] * y_vector[i] for i in range(len(particle_distribution))])
    return suma/n_repetitions
```

Para hallar el histograma, definimos una "simulación", de como avanza el sistema hasta el paso n; es decir, hallamos  $X_n$ , y hacemos un número determinado de simulaciones.

Existen 2 parámetros de entrada:

- k, el tamaño de la grilla del sistema.
- n\_repetitions, el número de simulaciones que se realizarán.

Después de esto, se cuenta el número de partículas presentes en la distribución.

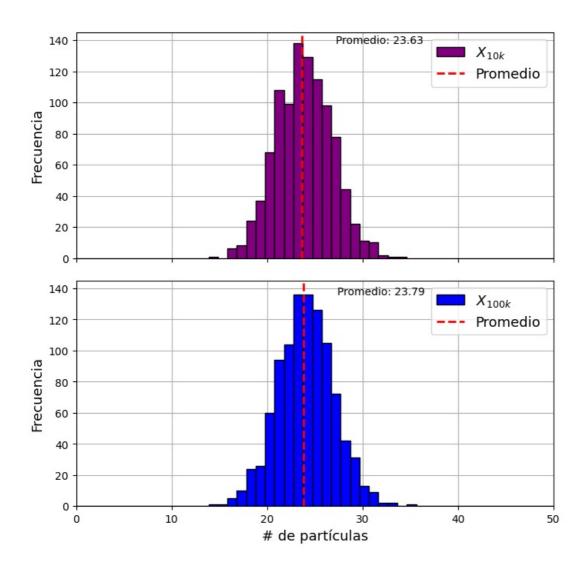
```
In [6]: k = 10
         n repetitions = 1000
         particle_distribution1 = {i: 0 for i in range(k*k)} # Distribución para 10k
         particle\_distribution2 = \{i: 0 \text{ for } i \text{ in } range(k*k)\} # Distribución para 100k
         for _ in range (n_repetitions):
    """Hallar el histograma para 10k pasos de evolucion"""
             ## Reiniciar los valores de G
             G, color_values = restart_G(k)
             ## Hacer una evolución de muchos pasos
             find_evolution(10000)
             ## Contar cuántas partículas hay
             particulas = count_particles(color_values)
             ## Añadir el resultado a la distribución
             particle_distribution1[particulas] += 1
             """Repetir el procedimiento, ahora con 100k"""
             ## Reiniciar los valores de G
             G, color_values = restart_G(k)
             ## Hacer una evolución de muchos pasos
             find evolution(100000)
             ## Contar cuántas partículas hay
             particulas = count_particles(color_values)
             ## Añadir el resultado a la distribución
             particle_distribution2[particulas] += 1
         print("Simulación finalizada")
         print(f"Se \ han \ simulado \ \{n\_repetitions\} \ veces \ los \ sistemas \ " + r'$X_{10k}$ y $X_{100k}$')
         print("\n \n")
```

Simulación finalizada Se han simulado 1000 veces los sistemas  $X_{10k}$  y  $X_{100k}$ 

Finalmente, se grafica el histograma obtenido del número de partículas presentes en el sistema, donde también se incluye el valor promedio:

```
In [7]: def plot_histograms():
```

```
## Valores para graficar en el caso X 10k
    average1 = find expected value(particle distribution1, n repetitions)
    keys1 = list(particle distribution1.keys())
    values1 = list(particle distribution1.values())
   ## Valores para graficar en el caso X_100k
    average2 = find expected value(particle distribution2, n repetitions)
    keys2 = list(particle distribution2.keys())
    values2 = list(particle distribution2.values())
   ## Opciones generales de la gráfica
    plt.rcParams['axes.axisbelow'] = True # Grid detrás de las figuras
    fig = plt.figure(figsize=(8,8))
    gs = fig.add gridspec(2, hspace=0.1) # Espacio entre las gráficas
    axis = qs.subplots(sharex=True, sharey=True)
    ## Gráfica para X_10k
   axis[0].hist(keys1, bins=len(keys1), weights=values1, color='purple', \
                 edgecolor='k', alpha=1, label=r"$X_{10k}$")
    axis[0].axvline(average1, color='r', linestyle='dashed', linewidth=2, label="Promedio")
    axis[0].text(average1*1.15, max(values1)*1.00, 'Promedio: {:.2f}'.format(average1))
    # Gráfica para X 100k
    axis[1].hist(keys2, bins=len(keys2), weights=values2, color='b', \
                edgecolor='k', alpha=1, label=r"$X_{100k}$")
    axis[1].axvline(average2, color='r', linestyle='dashed', linewidth=2, label="Promedio")
    axis[1].text(average2*1.15, max(values2)*1.00, 'Promedio: {:.2f}'.format(average2))
    for ii in range (len(axis)):
       axis[ii].set_ylabel("Frecuencia",size=13)
       axis[ii].label_outer() #Quita los ticks de las gráficas no fronteras
       axis[ii].grid()
       axis[ii].legend(fontsize=13)
    plt.xlabel("# de partículas", size=13)
    plt.xlim(0, 5*k)
    fig.suptitle(fr"k$ = \{k\}", size=14)
    plt.show()
plot_histograms()
```



# Punto 3 - Gibbs Sampler para las q-coloraciones (q-colorings)

Nuevamente, iniciamos creando la grilla del módelo. Para esto, creamos un grafo cuadrado 2D de NetworkX con colores que siguen una diagonal, asegurando así que el estado inicial es una q-coloración válida.

Este grafo recibe de input las dimensiones k del grafo, y el número q de colores. Se tiene las condiciones:

- $3 \le k \le 20$ ,
- $2 \le q \le 10$ .

Los colores ya se encuentran en el código, por lo que no es necesario que el usuario los ingrese. Finalmente, respecto al código de los puntos 1 y 2, se redefinen exclusivamente las funciones necesarias.

```
In [10]: def restart_G(k, q, colors_list):
    # Create a lattice, kxk graph
    G = nx.grid_2d_graph(k, k)

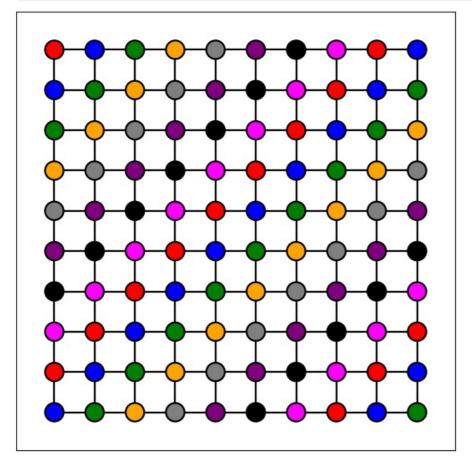
# Define the positions for plotting
    pos = {(x, y): (y, -x) for x, y in G.nodes()}

# Color of the nodes

# color_values = {node: colors_list[((i+ (i//k)*(k+1%2)) % 2)] for i, node in enumerate(G.nodes())}
    color_values = {node: colors_list[(i + i//k - (i//k)*k)%q] for i, node in enumerate(G.nodes())}

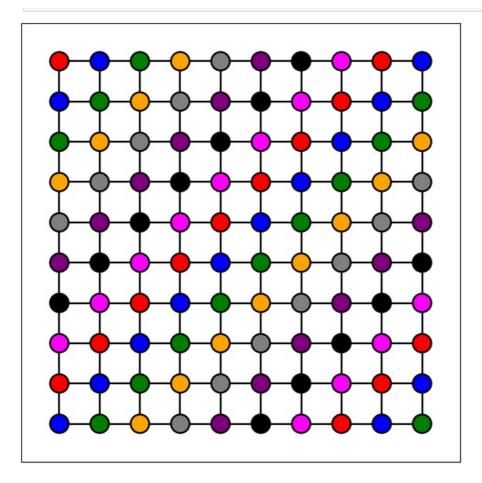
return G, color_values

## Inputs del programa
k = 10
q = 8
```



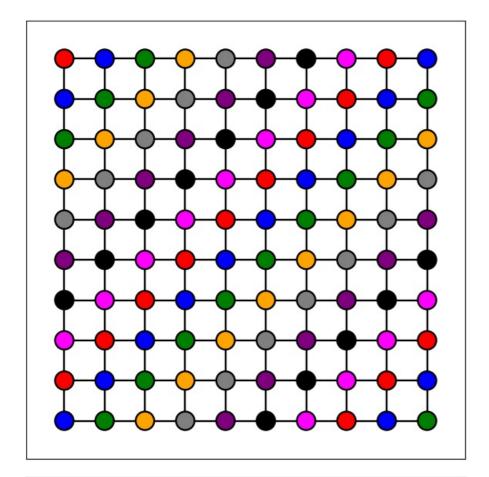
A continuación, definimos la función que actualiza el sistema en un único paso; es decir, pasa de  $X_n$  a  $X_{n+1}$ . Para esto, empleamos un algoritmo que hace los siguientes pasos:

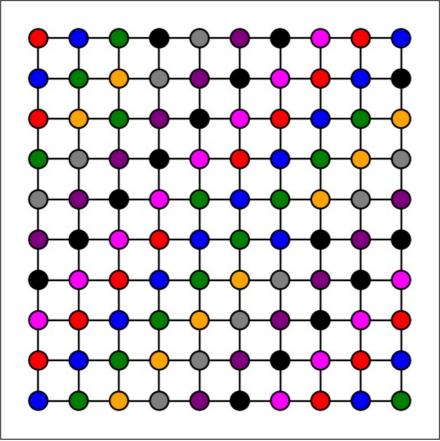
- 1. Elige un vértice  $\boldsymbol{v}$  al azar, con distribución uniforme.
- 2. Encuentra una lista con los colores "legales" que puede tomar el nodo  $\emph{v}$ .
- 3. De esta lista, elige un color al azar, y se lo asigna al nodo v, dejándo el resto de nodos con sus colores intactos.

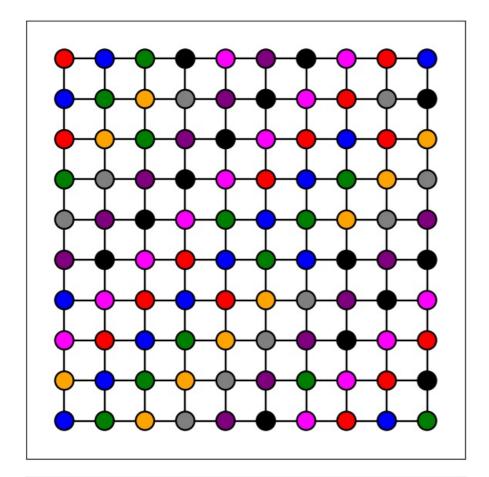


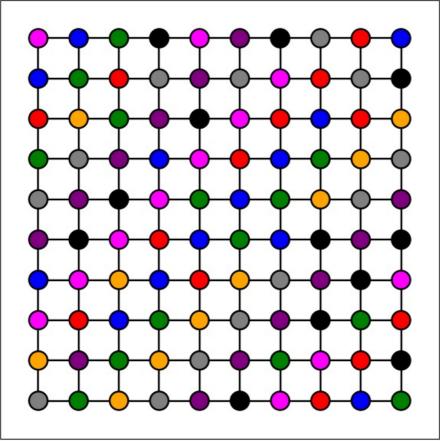
Hacemos evolucionar el sistema un número lo suficientemente grande de pasos;n este caso, 100k.

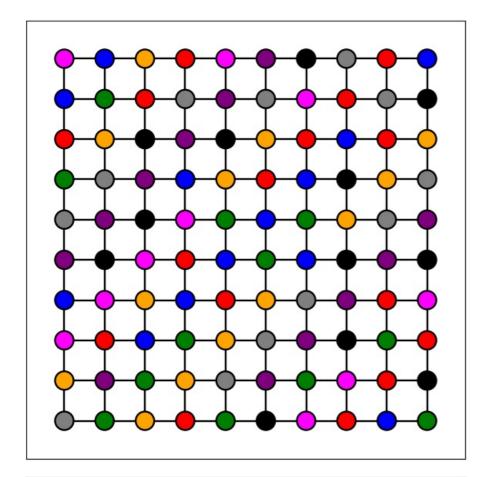
Adicionalmente, con fin de poder visualizar la evolución del sistema, se grafican algunos de los primeros pasos.

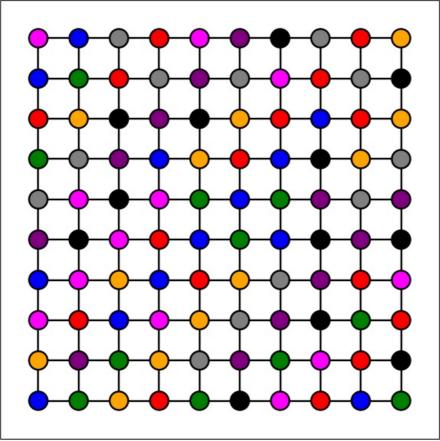


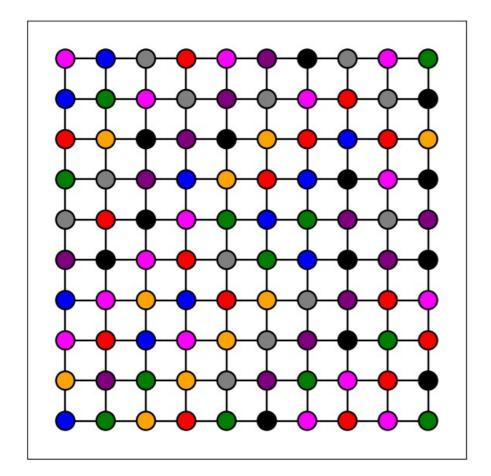


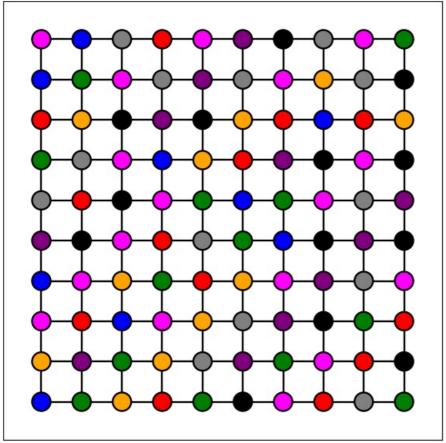


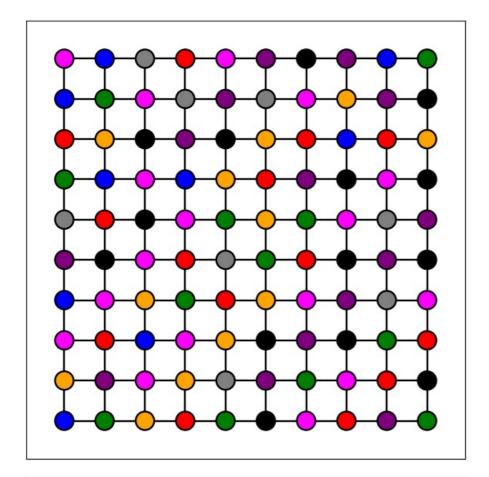


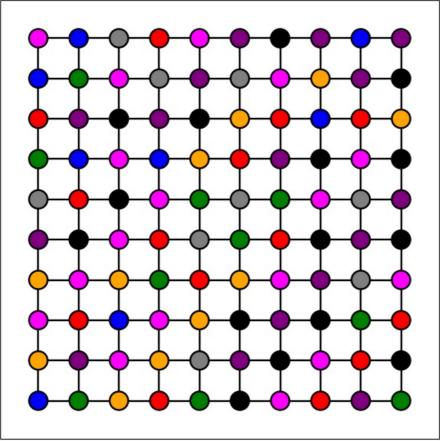


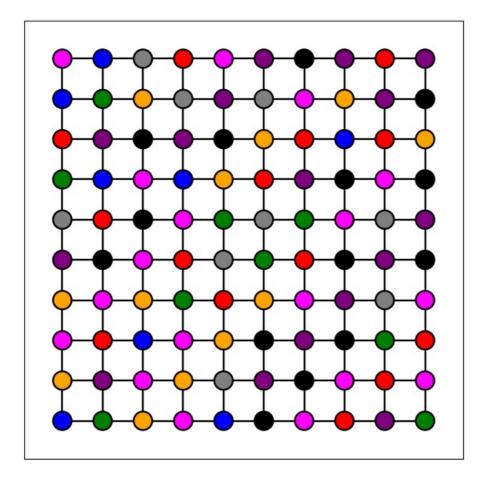












Finalmente, graficamos la posición final del sistema, después de 100k pasos de evolución.

#### In [13]: plot\_grid(color\_values)

