Phương pháp học sâu giải bài toán phát hiện Malware

Sinh viên thực hiện Đặng Mạnh Cường

Giáo viên hướng dẫn TS.Đinh Viết Sang

Hà Nội, 12-06-2018

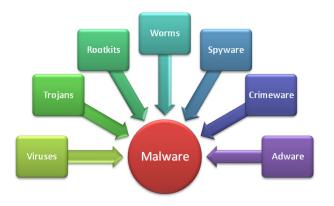
Mục Lục

- Giới thiệu chung
- Bài toán phát hiện Malware
- Phương pháp tiếp cận
 - Mô hình áp dụng
 - Trích chọn đặc trưng
- Thực nghiệm và đánh giá
- 5 Kết luận và hướng phát triển

Malware là gì?

Giới thiệu chung

Malware - malicious software là các phần mềm độc hại, có mục đích phá hoại máy tính người dùng



Hình 1 : Các loại malware phổ biến

Bài toán phát hiện Malware

Cho tập dữ liệu đầu vào gồm các file PE, cần xác định mỗi mẫu PE có phải là malware hay không?

Về bản chất, bài toán phát hiện malware là bài toán phân loại nhị phân \Rightarrow phân loại tập dữ liệu đầu vào thành 2 lớp:

- malware
- benign

Phương pháp tiếp cận

Phương pháp này được chia làm 2 giai đoạn chính:

- Trích chọn đặc trưng
 - N-gram
 - Entropy histogram (EH)
 - Biểu diễn ảnh (IMG)
 - Lời gọi hệ thống (API)
- Huấn luyện

Mục Lục

- Giới thiệu chung
- Bài toán phát hiện Malware
- O Phương pháp tiếp cận
 - Mô hình áp dụng
 - Trích chọn đặc trưng
- Thực nghiệm và đánh giá
- 5 Kết luận và hướng phát triển

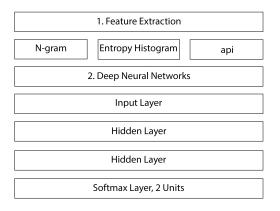
Mô hình áp dụng

Phương pháp tiếp cận

Sử dụng 2 kiến trúc mạng nơ-ron nhân tạo:

- Deep Neural Nerworks (DNNs): đối với 3 đặc trung N-gram, EH, API.
- Residual Neural Networks (RESNETs): đối với đặc trưng ảnh và sự kết hợp của cả 4 đặc trưng.

Deep Neural Networks



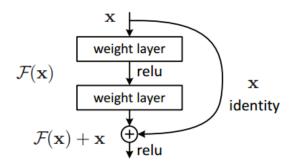
Hình 2: Mô hình DNNs

Deep Neural Networks

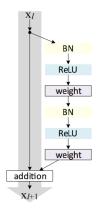
Bảng 1 : Kiến trúc mô hình với mỗi đặc trưng

Đặc trưng	Kiến trúc mô hình			
	Số lượng units lớp ẩn	Hàm kích hoạt	Batch normalization	
N-gram	128	Relu	Có	
EH	128	Relu	Có	
API	256	Relu	Có	

- Resnets được giới thiệu lần đầu tiên vào năm 2015 bởi Kaiming He cùng nhóm nghiên cứu tại Microsoft.
- Ý tưởng chính của Resnets là sử dụng shortcut connection.



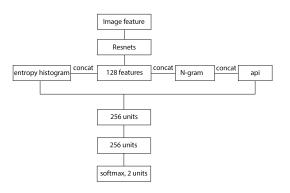
Hình 3: Residual block



Hình 4: Residual block

Tên lớp	Kích thước đầu vào	Kích thước đầu ra	Khối
conv1	64×64	32×32	$\begin{bmatrix} 3 \times 3 \times 32 \\ 3 \times 3 \times 32 \end{bmatrix} \times 2$
conv2	32×32	16 × 16	$\begin{bmatrix} 3 \times 3 \times 64 \\ 3 \times 3 \times 64 \end{bmatrix} \times 2$
conv3	16 × 16	8 × 8	$\begin{bmatrix} 3 \times 3 \times 128 \\ 3 \times 3 \times 128 \end{bmatrix} \times 2$
FC	8 × 8	2	average-pool, 2-fc, softmax

Hình 5 : Kiến trúc mô hình RNSIMG



Hình 6: Mô hình RNSALL

Mục Lục

- Giới thiệu chung
- Bài toán phát hiện Malware
- Phương pháp tiếp cận
 - Mô hình áp dụng
 - Trích chọn đặc trưng
- Thực nghiệm và đánh giá
- 5 Kết luận và hướng phát triển

Trích chọn đặc trưng

Phương pháp tiếp cận

```
0000
          D8 FF F1
                     1D FE 45 78
                                  69 66 00
                                            00
                                                49 49 2A 00
       08 00 00 00
0010
                    09 00 OF 01
                                  02 00 06 00
                                                00 00
                                                      7A 00
0020
       00 00 10 01
                     02 00 14 00
                                  00 00 80 00
                                                00 00 12 01
0030
       03 00 01 00
                     00 00 01 00
                                  00 00 1A 01
                                                05 00
                                                      01 00
0040
         00 A0 00
                     00 00 1B 01
                                  05 00 01 00
                                                00 00 A8 00
0050
         00 28 01
                     03 00 01 00
                                  00 00 02 00
                                                00 00 32 01
0060
       02 00 14 00
                    00 00 B0 00
                                  00 00 13 02
                                                03 00 01 00
0070
          00 01 00
                     00 00 69 87
                                  04 00 01 00
                                                00 00 C4 00
0080
          00 3A 06
                     00 00
                          43 61
                                  6E 6F 6E 00
                                                43 61 6E 6F
0090
       6E 20 50 6F
                     77 65 72 53
                                  68 6F 74 20
                                                41 36
                                                      30
                                                         00
00A0
       00 00 00 00
                     00 00 00 00
                                  00 00 00 00
                                                B4 00 00
                                                         00
00B0
       01 00 00 00
                    B4 00 00 00
                                  01 00 00 00
                                                32 30 30 34
00C0
       3A 30 36 3A
                     32 35 20 31
                                  32 3A 33
                                            30
                                                3A 32 35 00
00D0
       1F 00 9A 82
                     05 00 01 00
                                  00 00 86 03
                                                00 00 9D 82
00E0
       05 00 01 00
                    00 00 8E 03
                                  00 00 00 90
                                                07 00 04 00
```

Hình 7 : Biểu diễn PE dưới dạng mã máy

N-gram

Trích chọn đặc trưng

- N-gram được sử dụng để biểu diễn tần suất xuất hiện của n bytes liên tiếp trong chuỗi bytes ban đầu.
- Không gian lưu trữ, độ phức tạp tính toán tỉ lệ thuận với n ⇒ chọn n = 1
- Vector đặc trưng kích thước 256 biểu diễn tần suất xuất hiện của từng bytes.

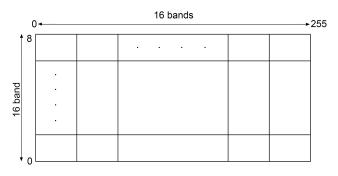
Entropy histogram

Trích chọn đặc trưng

- Entropy histogram được đề xuất bởi Joshua Saxe, đặc trưng này biểu diễn sự xuất hiện của cặp byte dữ liệu và giá trị entropy của chuỗi byte chứa nó.
- Quá trình trích xuất như sau:
 - Chia chuỗi bytes ban đầu thành n đoạn, mỗi đoạn có kích thước 1024 bytes.
 - Với mỗi đoạn, xây dựng vector v kích thước 1024, mỗi phần tử v_i là cặp giá trị (x,y), trong đó x là giá trị byte dữ liệu tương ứng với vị trí i trong đoạn, y là giá trị entropy của đoạn.
 - Sử dụng histogram để xây dựng vector đặc trưng 256 chiều dựa trên các vector tương ứng với mỗi đoạn trên.

Entropy histogram

Trích chọn đặc trưng



Hình 8 : Histogram

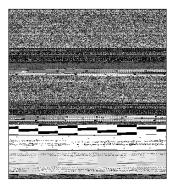
Giá trị của mỗi ô (x, y) trên hình biểu diễn tần suất xuất hiện của cặp giá trị $(x, y) \Rightarrow$ vector đặc trưng 256 chiều.

Biểu diễn ảnh Trích chọn đặc trưng

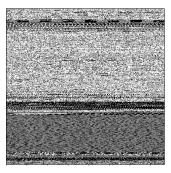
- Phương pháp biểu diễn file nhị phân dưới dạng ảnh được đề xuất bởi J.Nataraj.
- Mỗi byte trong file nhị phân tương ứng với giá trị một pixel trong ảnh.
- Duyệt hết toàn bộ file, thu được ảnh xám.
- Kích thước ảnh phụ thuộc vào kích thước file.

Biểu diễn ảnh

Trích chọn đặc trưng



(a) Malware



(b) Benign

Hình 9 : Ảnh xám của 2 mẫu malware và benign

Biểu diễn ảnh

Trích chọn đặc trưng

Bảng 2 : Kích thước ảnh tương ứng với kích thước file nhị phân

Kích thước file (KB)	Chiều rộng ảnh
< 10	32
10 - 30	64
30 - 60	128
60 - 100	256
100 - 200	384
200 - 500	512
500 - 1000	784
> 1000	1024

Để phù hợp với mô hình huấn luyện \Rightarrow đưa các ảnh về cùng kích thước 64 \times 64

Lời gọi hệ thống Trích chon đặc trưng

- Lời gọi hệ thống là các hàm hệ thống (api) được các file PE sử dụng để thực hiện một số hành vi nhất định.
- Sự xuất hiện của các hàm này có thể cung cấp thông tin cho việc phát hiện malware.
- Sử dụng tập 794 api được phân tích từ 500,000 mẫu malware ⇒ xây dựng vector đặc trưng 794 chiều biểu diễn sự xuất hiện của các api trong mỗi mẫu PE.

Dữ liệu thực nghiệm

Thực nghiệm và đánh giá

Bộ dữ liệu bao gồm 28,000 mẫu PE. Trong đó, 14,000 mẫu malware được thu thập trên trang Virusshare - cộng đồng chia sẻ malware miễn phí, 14,000 mẫu benign được thu thập từ các máy tính nội bộ thuộc Tập Đoàn Công nghiệp & Viễn Thông Quân Đội Viettel. Bộ dữ liệu được chia thành 2 tập:

- Tập huấn luyện: gồm 10,500 mẫu malware và 10,500 mẫu benign
- Tập đánh giá: gồm 3,500 mẫu malware và 3,500 mẫu benign

Môi trường thực nghiệm

Thực nghiệm và đánh giá

Các thử nghiệm đánh giá được thực hiện trên hệ điều hành Ubuntu 16.04 với các thông số như sau:

- Ram 8GB.
- Ô cứng HDD 1TB.
- Card đồ họa GeForce GTX 1080.

Nội dung thực nghiệm

Thực nghiệm và đánh giá

- So sánh hiệu năng của các mô hình DNN-Ngram, DNN-EH, DNN-API, RNSIMG, RNSALL, ENSEMBLE.
- Độ chính xác của các mô hình được đánh giá bằng k-Fold cross-validation, k=10.
- Các mô hình này được huấn luyện bằng Momemtum Gradient descent với các tham số được thiết lập như sau:
 - Số lần lặp: 40000
 - Batch size: 64
 - Weight decay: 0.005
 - Learning rate khởi tạo 0.001, giảm đi 1 nửa sau mỗi 10000 lần lặp

Kết quả thực nghiệm

Thực nghiệm và đánh giá

Đặc trưng Kích thước	Mô hình	Độ chính xác	Độ chính xác	
Dactrung	Kich thuoc	WIO IIIIII	trên tập validations	trên tập đánh giá
N-gram	256	DNN-Ngram	94,40%	92,74%
ENT-HIS	256	DNN-EH	95,05%	94,86%
API	794	DNN-API	94,45%	93,56%
IMG	$64 \times 64 \times 1$	RNSIMG	95,48%	93,80%
ALL	1434	RESALL	95,80%	$95{,}14\%$

Hình 10 : Hiệu năng của các mô hình

Kết quả thực nghiệm

Thực nghiệm và đánh giá

Bảng 3: Bảng các giá trị True/False Positive/Negative của các mô hình

Mô hình	Dự đoán malware		Dự đoán benign	
	TP	FP	FN	TN
DNN-Ngram	3232	240	268	3260
DNN-EH	3300	160	200	3340
DNN-API	3363	314	137	3186
RNSIMG	3222	156	278	3344
RNSALL	3316	156	184	3344
ENSEMBLE	3386	149	114	3351

Kết luận và hướng phát triển

- Cài đặt, thử nghiệm, đánh giá các mô hình DNN-Ngram, DNN-EH, DNN-API, RNSIMG, RNSALL.
- Kết quả cho thấy sự kết hợp của cả 4 đặc trựng cho kết quả tốt hơn các đặc trưng riêng lẻ, đạt 95,14% trên tập đánh giá.
- Ngoài ra, việc kết hợp các mô hình với nhau cho kết quả tốt hơn, mô hình ENSEMBLE đạt 96,24% trên tập đánh giá.
- Trong tương lại cần xây dựng bộ dữ liệu lớn hơn, cải thiện độ chính xác của các mô hình để có thể đưa vào sử dụng trong thực tế.

THANK YOU!