Scikit Learn

Scikit Learn

Biliografía

Principalmente documentación & vídeos.

• Intuitive Machine Learning: Intuitive Machine Learning - YouTube

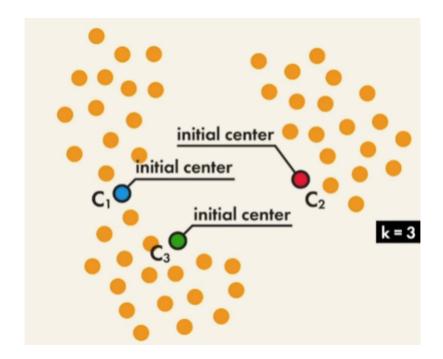
Índice

Scikit Learn
Biliografía
Índice
1. K-means clustering
1.1. Anotaciones
1.2. Código

1. K-means clustering

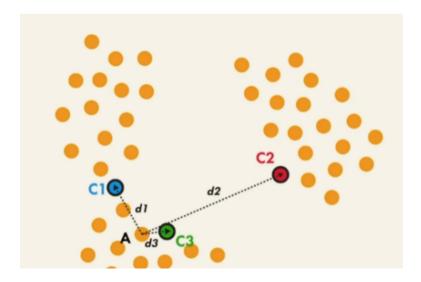
1.1. Anotaciones

- K- means es mu útil en algoritmos de clustering (agrupaciones) no supervisados (sin etiquetar previamente).
- Su función es intentar dividir el dataset en k grupos pre-definidos donde cada dato pertenece a un sólo grupo.
- · Consta de 3 pasos:
 - Paso 1, consiste en elegir de manera aleatoria k puntos de datos del set de datos los cuales tomamos como el centro de los datos.

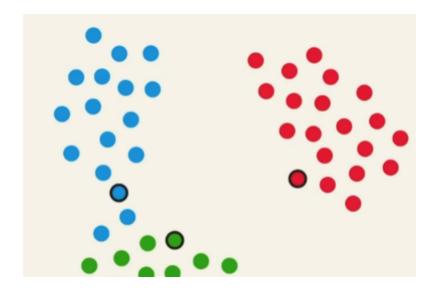


• Paso 2, calculamos la distancia del resto de puntos con respecto a los puntos tomados inicialmente como centros. La distancia la definimos como:

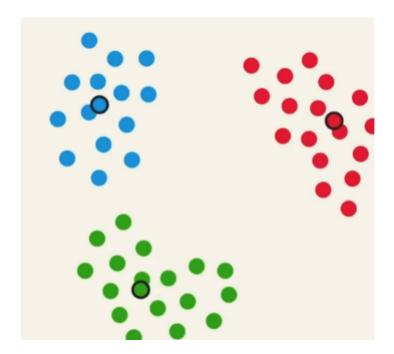
$$\sqrt{(a_2-a_1)^2+(b_2-b_1)^2}$$



De la imagen anterior vemos que A tiene una menor distancia (d3) de C3 que con respecto a C1 y C2 por lo tanto podemos decir que el punto A pertenece al grupo C3. Realizamos este proceso para todos los puntos con el fin de que todos estén agrupados.



 Paso 3, movemos el centro, queremos obtener el centro real de cada grupo de datos, para ello, realizamos la media de todos los puntos de cada grupo y realizamos este procedimiento hasta que los centros converjan.



1.2. Código

```
# Importamos NumPy para el tratamiento de datos
import numpy as np

# Importamos make_blobs para generar manchas gaussianas isotrópicas para la
# agrupación.
# Wikipedia: La isotropía es la característica de algunos fenómenos en el espacio
# cuyas propiedades no dependen de la dirección en que son examinadas
from sklearn.datasets import make_blobs

# Importamos el modelo KMeans de Scikit Learn
from sklearn.cluster import KMeans
# Importamos la librería MatplotLib para realizar gráficos
import matplotlib.pyplot as plt
```

```
# make_blobs permite hacer una distribucion gaussiana de datos, donde tenemos que
# considerar que una desviación típica baja indica que la mayor parte de los datos
# de una muestra tienden a estar agrupados cerca de su media
# mientras que una desviación típica alta indica que los datos tienen una mayor
# dispersión de valores.
# Por lo tanto, si cambiamos el valor del cluster_std a un valor menor, veremos
# que los puntos se irán agrupando más y se encontrarán mejor diferenciados
x, y = make\_blobs(
 n_samples = 200, # Numero total de puntos
 n_features = 2, # Número de características, 2 dimensiones
  centers = 3, # 3 grupos
 cluster_std = 0.5, # desviacion típica de cada distribucion gaussiana
  random_state = 0 # estado de aleatoriedad de la preparacion de los datos
# 'x' son 200 muestras aleatorias hay 2 columnas, cada columna representa una una
# característica para esa muestra
# 'y' es sólo una lista de etiquetas de grupos para cada muestra
# Vamos a visulizar los datos en 2D con la funcion scatter de Matplotlib
# Si tenemos más de 2 dimensiones podemos aplicar técnicas como PCA
# para la reduccion de dimensiones a 2 y verlo en 2D
plt.scatter(
 x[:, 0], x[:, 1],
  c = 'white',
 edgecolors = 'black'
# n_cluster = el numero de agrupaciones (clusters) que queremos formar, así
# como el número de centros que queremos generar.
# init = inicialización de los centros.
# n_init = indica el número de veces que el algoritmo de k-means
# se ejecutará con diferentes centros como estado inicial. El resultado final
# será la mejor salida de n_init.
# max_iter = número de iteraciones máximas de k-means para una ejecución.
# tol = Tolerancia relativa con respecto a la norma de Frobenius de la diferencia
# de los centros de los clusters de dos iteraciones consecutivas para declarar
# la convergencia.
kmeans = KMeans(
 n clusters = 3, init = 'random',
  n_{init} = 1, max_{iter} = 10,
 tol = 1e-04, random_state = 2
)
y_km = kmeans.fit_predict(x)
# Graficamos los 3 grupos
 x[y_km == 0, 0], x[y_km == 0, 1],
  s=50, c='lightgreen',
  marker='s', edgecolor='black',
 label='cluster 1'
plt.scatter(
 x[y_km == 1, 0], x[y_km == 1, 1],
  s=50, c='orange',
  marker='o', edgecolor='black',
 label='cluster 2'
plt.scatter(
 x[y_km == 2, 0], x[y_km == 2, 1],
  s=50, c='lightblue',
  marker='v', edgecolor='black',
  label='cluster 3'
```

```
# Graficamos el centro de los grupos
plt.scatter(
   kmeans.cluster_centers_[:, 0], kmeans.cluster_centers_[:, 1],
   s=250, marker='*',
   c='red', edgecolor='black',
   label='centros'
)
plt.legend(scatterpoints=1
```