```
################
### TOROS 6 ###
##############
library(agricolae)
library(readx1)
datos = read excel("C:/Users/Dell/OneDrive/Escritorio/toros6.xlsx")
datos$Toros = as.factor(datos$Toros)
anova Peso = aov(Peso ~ Toros, data = datos)
summary(anova Peso)
duncan_resultado = duncan.test(anova_Peso, "Toros", console = T)
TukeyHSD(anova Peso)
ANOVA
            Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
Toros
            5 22.88 4.577
                               1.843 0.12
            54 134.10
Residuals
                      2.483
```

- Hipótesis nula (H_o): No hay diferencias significativas entre los promedios de peso de los toros.
- F value: 1.843
- Valor p (Pr(>F)): 0.12
- Como p = 0.12 > 0.05, no se rechaza la hipótesis nula.
- Esto indica que **no hay evidencia estadísticamente significativa de que el peso difiera entre los diferentes toros** (a un nivel de significancia del 5%).

```
DUNCAN
Study: anova_Peso ~ "Toros"
Duncan's new multiple range test
for Peso
Mean Square Error: 2.483333
Toros,
        means
  Peso
              std r
                           se Min Max
                                           Q25 Q50
                                                       Q75
1 40.8 0.7888106 10 0.4983305 40 42 40.00 41.0 41.00
2 40.4 2.1186998 10 0.4983305 36 43 40.00 40.5 42.00
3 41.6 1.8973666 10 0.4983305 38 44 40.25 42.0 42.75
4 40.6 1.3498971 10 0.4983305 38 42 40.00 40.0 42.00
5 42.1 1.1005049 10 0.4983305 40 44 42.00 42.0 42.75 6 41.6 1.7763883 10 0.4983305 39 45 40.25 41.5 42.75
Alpha: 0.05; DF Error: 54
Critical Range
                 3
                          4
1.412930 1.486207 1.534460 1.569494 1.596431
```

```
Peso groups
5 42.1 a
3 41.6 ab
6 41.6 ab
1 40.8 ab
4 40.6 ab
2 40.4 b
```

Interpretación:

- El **Toro 5** tiene el peso promedio más alto, pero **solo se diferencia significativamente del Toro 2**, que tiene el más bajo.
- Todos los demás se agrupan en "ab", lo que indica que no hay muchas diferencias marcadas entre toros.

TUKEY

```
Tukey multiple comparisons of means
    95% family-wise confidence level
Fit: aov(formula = Peso ~ Toros, data = datos)
$Toros
                lwr
                        upr
2-1 -0.4 -2.4821572 1.682157 0.9927190
3-1 0.8 -1.2821572 2.882157 0.8644973
4-1 -0.2 -2.2821572 1.882157 0.9997373
5-1 1.3 -0.7821572 3.382157 0.4467511
6-1 0.8 -1.2821572 2.882157 0.8644973
3-2 1.2 -0.8821572 3.282157 0.5360333
4-2 0.2 -1.8821572 2.282157 0.9997373
5-2 1.7 -0.3821572 3.782157 0.1703276
6-2 1.2 -0.8821572 3.282157 0.5360333
4-3 -1.0 -3.0821572 1.082157 0.7155149
5-3 0.5 -1.5821572 2.582157 0.9800067
6-3 0.0 -2.0821572 2.082157 1.0000000
5-4 1.5 -0.5821572 3.582157 0.2885895
6-4 1.0 -1.0821572 3.082157 0.7155149
6-5 -0.5 -2.5821572 1.582157 0.9800067
```

- Este test también compara los toros por pares, pero controla mejor el **error tipo I** en múltiples comparaciones.
- Todos los valores de p ajustado (p adj) son mayores a 0.05, incluso para el par 5-2, que tenía mayor diferencia.
- Ninguna comparación entre toros muestra diferencia significativa con el criterio de Tukey.
- Esto confirma el resultado del ANOVA: no hay diferencias estadísticamente significativas entre los grupos.

```
################
### ALFALFA ###
###############
library(agricolae)
library(readx1)
datos = read excel("C:/Users/Dell/OneDrive/Escritorio/alfalfa.xlsx")
datos$Parcela = as.factor(datos$Parcela)
anova Dosis = aov(Dosis ~ Parcela, data = datos)
summary(anova Dosis)
duncan resultado = duncan.test(anova Dosis, "Parcela", console = T)
TukeyHSD(anova Dosis)
ANOVA
> summary(anova_Dosis)
           Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
                       500.0 266 <2e-16 ***
Parcela
           4 2000.2
Residuals
           20 37.6
                        1.9
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

- Hipótesis nula (H_o): Todas las parcelas tienen la misma dosis promedio de producción (o respuesta evaluada).
- Valor F: 266
- Valor p: < 2e-16 (extremadamente pequeño)Como p < 0.05, se rechaza la hipótesis nula.
- **Sí existen diferencias estadísticamente significativas** entre las parcelas en cuanto a la dosis aplicada o su efecto medido.

```
DUNCAN
Study: anova_Dosis ~ "Parcela"
Duncan's new multiple range test
for Dosis
Mean Square Error: 1.88
Parcela, means
           std r
                       se Min Max Q25 Q50 Q75
1 26.8 1.303840 5 0.6131884 25 28 26 27 28
2 31.0 1.000000 5 0.6131884 30 32 30 31 32
3 41.8 1.788854 5 0.6131884 40 44 40 42 43
4 41.4 1.140175 5 0.6131884 40 43 41 41 42
5 52.2 1.483240 5 0.6131884 50 54 52 52 53
Alpha: 0.05; DF Error: 20
Critical Range
               3
      2
                       4
1.808904 1.898742 1.955835 1.995712
```

```
Dosis groups
5 52.2 a
3 41.8 b
4 41.4 b
2 31.0 c
1 26.8 d
```

Interpretación:

- Parcela 5 tuvo la dosis más alta y difiere significativamente de todas las demás.
- Parcelas 3 y 4 no se diferencian entre sí.
- Las parcelas 1 y 2 también tienen diferencias significativas con las otras.
- Esto muestra una clara separación en grupos según la dosis.

TUKEY

```
Tukey multiple comparisons of means
   95% family-wise confidence level
Fit: aov(formula = Dosis ~ Parcela, data = datos)
$Parcela
   diff
              lwr
                        upr
2-1 4.2 1.605075 6.794925 0.0008392
3-1 15.0 12.405075 17.594925 0.0000000
4-1 14.6 12.005075 17.194925 0.0000000
5-1 25.4 22.805075 27.994925 0.0000000
3-2 10.8 8.205075 13.394925 0.0000000
4-2 10.4 7.805075 12.994925 0.0000000
5-2 21.2 18.605075 23.794925 0.0000000
4-3 -0.4 -2.994925 2.194925 0.9899676
5-3 10.4 7.805075 12.994925 0.0000000
5-4 10.8 8.205075 13.394925 0.0000000
```

- Todas las comparaciones entre parcelas son significativamente diferentes, excepto entre Parcela 4 y Parcela 3, cuya diferencia es muy pequeña y no significativa.
- Parcela 3 y 4 son similares (confirmando lo visto en Duncan).
- Todas las demás comparaciones son significativamente diferentes entre sí.

```
###############
### TOROS 5 ###
##############
library(agricolae)
library(readx1)
datos = read excel("C:/Users/Dell/OneDrive/Escritorio/toros5.xlsx")
datos$Toros = as.factor(datos$Toros)
anova Peso = aov(Peso ~ Toros, data = datos)
summary(anova Peso)
duncan resultado = duncan.test(anova Peso, "Toros", console = T)
TukeyHSD(anova Peso)
ANOVA
           Df Sum Sq Mean Sq F value Pr(>F)
                              2.778 0.038 *
Toros
            4 777.6 194.40
           45 3148.9
Residuals
                      69.98
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

- **Hipótesis nula (H_o):** Todos los grupos de toros tienen el mismo peso promedio.
- Valor F = 2.778 y p = 0.038
- Como p < 0.05, se rechaza H₀.
- Sí existen diferencias estadísticamente significativas entre al menos dos grupos de toros en cuanto a su peso promedio.

DUNCAN

```
Study: anova_Peso ~ "Toros"
Duncan's new multiple range test
for Peso
Mean Square Error: 69.97556
Toros, means
             std r
                          se Min Max
                                       Q25
                                             Q50
1 152.2 6.250333 10 2.645289 145 162 147.00 150.5 157.25
2 144.8 9.077445 10 2.645289 130 157 137.25 148.5 150.00
3 144.7 9.165758 10 2.645289 132 157 136.25 146.5 152.25
4 140.0 9.763879 10 2.645289 128 156 132.00 137.5 145.00
5 146.8 7.004760 10 2.645289 135 157 142.00 148.0 151.25
Alpha: 0.05; DF Error: 45
Critical Range
                3
7.534769 7.923805 8.179023 8.363569
```

```
Peso groups
1 152.2 a
5 146.8 ab
2 144.8 ab
3 144.7 ab
4 140.0 b
```

Interpretación:

- Toro 1 tiene el peso más alto y es significativamente diferente del toro 4.
- Toros 2, 3, y 5 no se diferencian significativamente de ninguno de los dos extremos.
- Toro 4 tiene el peso promedio más bajo y se diferencia del toro 1.

TUKEY

```
Tukey multiple comparisons of means
    95% family-wise confidence level
Fit: aov(formula = Peso ~ Toros, data = datos)
$Toros
   diff
                lwr
                         upr
                                 p adi
2-1 -0.4 -2.4821572 1.682157 0.9927190
3-1 0.8 -1.2821572 2.882157 0.8644973
4-1 -0.2 -2.2821572 1.882157 0.9997373
5-1 1.3 -0.7821572 3.382157 0.4467511
6-1 0.8 -1.2821572 2.882157 0.8644973
3-2 1.2 -0.8821572 3.282157 0.5360333
4-2 0.2 -1.8821572 2.282157 0.9997373
5-2 1.7 -0.3821572 3.782157 0.1703276
6-2 1.2 -0.8821572 3.282157 0.5360333
4-3 -1.0 -3.0821572 1.082157 0.7155149
5-3 0.5 -1.5821572 2.582157 0.9800067
6-3 0.0 -2.0821572 2.082157 1.0000000
5-4 1.5 -0.5821572 3.582157 0.2885895
6-4 1.0 -1.0821572 3.082157 0.7155149
6-5 -0.5 -2.5821572 1.582157 0.9800067
```

- La única diferencia estadísticamente significativa es entre:
 - Toro 1 (152.2) y Toro 4 (140.0) con una diferencia de -12.2 kg, p = 0.017
- Todas las demás combinaciones no muestran diferencias significativas.

```
##############
### CEBADA ###
##############
library(agricolae)
library(readx1)
datos = read excel("C:/Users/Dell/OneDrive/Escritorio/cebada.xlsx")
datos$Cebada = as.factor(datos$Cebada)
anova Cosecha = aov(Cosecha ~ Cebada, data = datos)
summary(anova Cosecha)
duncan_resultado = duncan.test(anova_Cosecha, "Cebada", console = T)
TukeyHSD(anova Cosecha)
ANOVA
            Df Sum Sq Mean Sq F value
                                        Pr(>F)
            3 24775
                      8258
                              12.23 0.000206 ***
Cebada
            16 10800
                         675
Residuals
Signif. codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.01 '*' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
```

- Hipótesis nula (H₀): Todos los tratamientos de cebada tienen igual rendimiento de cosecha.
- Valor F = 12.23, p = 0.000206
- Como p < 0.001, se rechaza H_0 con alta significancia estadística.
- Existen diferencias estadísticamente significativas entre al menos dos tratamientos de cebada en el rendimiento de cosecha.

DUNCAN

```
Study: anova_Cosecha ~ "Cebada"
Duncan's new multiple range test
for Cosecha
Mean Square Error: 675
Cebada, means
  Cosecha
               std r
                            se Min Max Q25 Q50 Q75
      738 10.954451 5 11.61895 730 750 730 730 750
2
      742 4.472136 5 11.61895 740 750 740 740 740
3
      654 49.799598 5 11.61895 600 700 600 680 690
      716 8.944272 5 11.61895 710 730 710 710 720
Alpha: 0.05; DF Error: 16
Critical Range
                3
       2
34.83360 36.52768 37.58666
```

```
Cosecha groups
2 742 a
1 738 a
4 716 a
3 654 b
```

Interpretación:

- Cebada 3 se encuentra en un grupo distinto ("b"), lo que indica que su rendimiento es significativamente menor que los de los otros tratamientos.
- Las cebadas 1, 2 y 4 están en el mismo grupo ("a"), lo que indica que no hay diferencia estadísticamente significativa entre ellas.

TUKEY

```
Tukey multiple comparisons of means
   95% family-wise confidence level
Fit: aov(formula = Cosecha ~ Cebada, data = datos)
$Cebada
   diff
               lwr
                         upr
                                 p adj
2-1
    4 -43.01135
                   51.01135 0.9947207
3-1 -84 -131.01135 -36.98865 0.0005462
4-1 -22
        -69.01135 25.01135 0.5529738
3-2 -88 -135.01135 -40.98865 0.0003391
4-2
    -26 -73.01135 21.01135 0.4155398
          14.98865 109.01135 0.0081289
4-3
     62
```

- Cebada 3 produce significativamente menos que las cebadas 1, 2 y 4.
- No hay diferencias significativas entre las cebadas 1, 2 y 4 entre sí.