ML на Python

Неделя 3. День 9. Статистика. Тестирование гипотез

(05.03.2024)

Проверка статистических гипотез

Примеры гипотез

Нулевая гипотеза

Средний объем легких у курящих и не курящих людей не различается

Альтернативная гипотеза

Односторонняя Двусторонняя

Объем легких у курящих людей меньше/больше, чем у некурящих

Объем легких у курящих и не курящих людей различается

Сравнение средних. z-критерий

Формулировка:

$$Z_N = \frac{\overline{X} - \mu}{\frac{\sigma}{\sqrt{N}}}$$

Сравнение средних. z-критерий

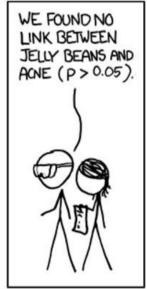
Распределение статистики:

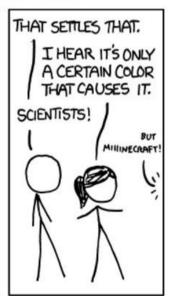
$$Z_N = \frac{\overline{X} - \mu}{\frac{\sigma}{\sqrt{N}}}$$

p-value

Вероятность получить более экстремальное значение статистики, когда нулевая гипотеза верна







Заблуждения о p-value

- 1. p-value вероятность того, что верна сама H_0 нет, расчет производится при условии, что H_0 верна
- 2. p-value это вероятность получить такое значение статистики при справедливой H_0 такое или более экстремальное
- 3. р > 0.05, то различий между группами на самом деле нет (у нас просто нет оснований отклонить нулевую гипотезу)

Ошибки при тестировании гипотез

	Н0 верна	Н0 не верна
Отклонить Н0	Ошибка I рода	
Принять Н0		Ошибка II рода

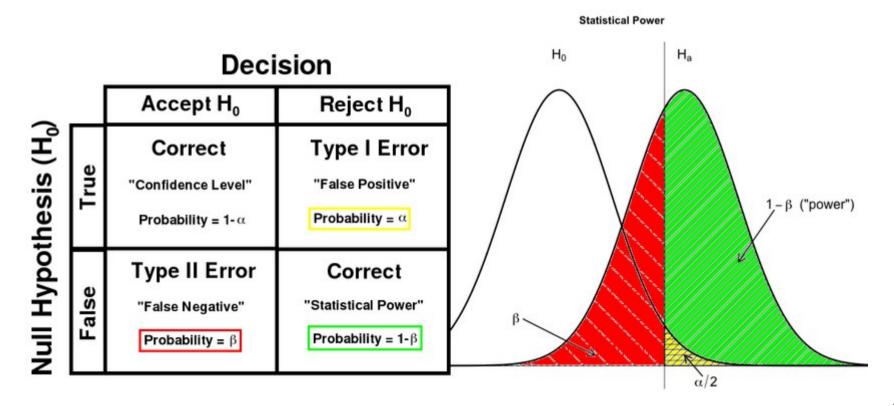
Какая ошибка хуже?...Зависит от ситуации.

В науке считается, что ошибка І рода опаснее, так как нарушает бритву Оккама "не плодить сущности сверх необходимого".

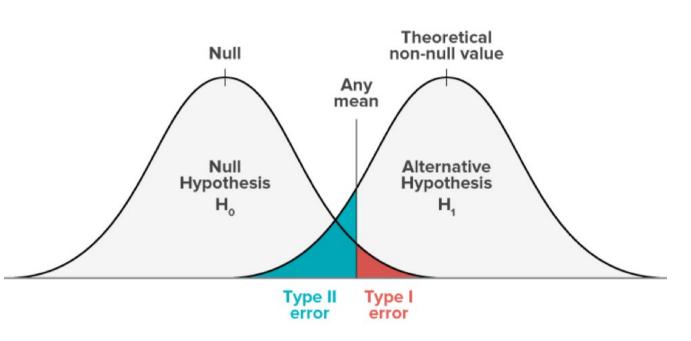
Но в медицине обе ошибки могут стоить очень дорого.

Мощность теста

Мощность теста

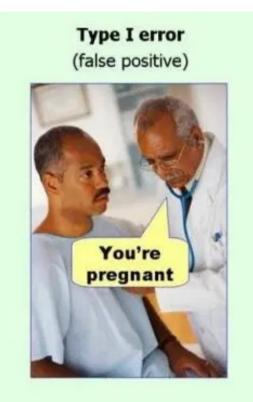


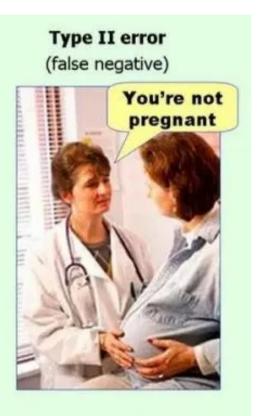
Мощность теста

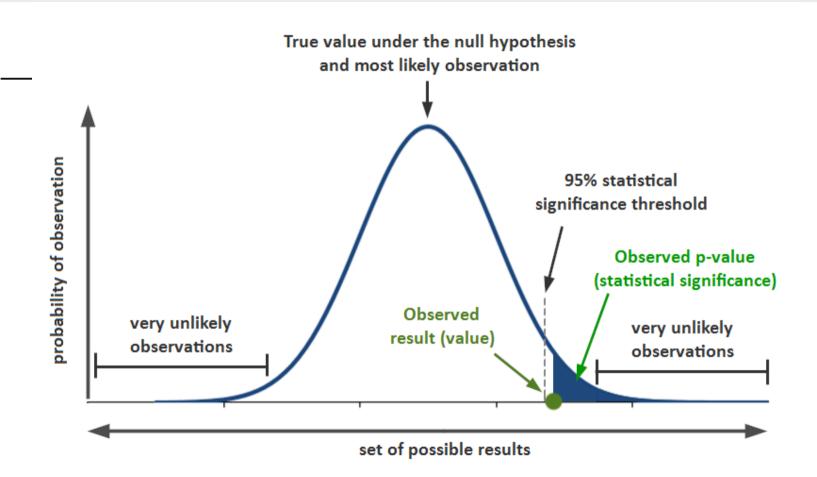


При увеличении выборки — возрастает

Ошибки при тестировании гипотез







Анализ мощности

A priori

- какой нужен объем выборки, чтобы найти различия с разумной долей уверенности?
- различия какой величины мы можем найти, если известен объем выборки?

Post hoc

 смогли бы мы найти различия при помощи нашего эксперимента (α,n), если бы величина эффекта была X?

Анализ *a priori*

тест	t-критерий
уровень значимости	alpha=0.05
желаемая мощность теста	0.8
ожидаемая величина	???

Величина эффекта

Коэффициент Коэна

$$d = \frac{\mu_1 - \mu_2}{\sigma}$$

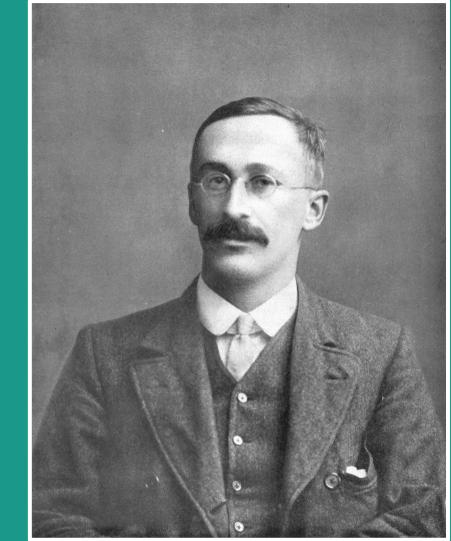
$$d = \frac{|\bar{x}_1 - \bar{x}_2|}{\sqrt{\frac{s_1^2 + s_2^2}{2}}}$$

Effect size	d
Very small	0.01
small	0.20
Medium	0.50
Large	0.80
Very large	1.20
Huge	2.0

Как оценить ожидаемую величину _эффекта

- Пилотные исследования
- Литература
- Общебиологические знания
- Технические требования

t-тест



t-критерий Стьюдента (одновыборочный)

Смоделируем ситуацию:

В статье показано, что в среднем программист пишет 100 строчек кода в день. Мы провели собственное исследование и мы получили среднее = 110 строк, s = 5.1 (N = 21)

Продуктивнее ли наши программисты?

 H_0 — Наши программисты работают также как и все программисты в мире

H_△ — Наши программисты продуктивнее обычных программистов

t-критерий Стьюдента (одновыборочный)

Подставляем значения в формулу и получаем t значение = 8.84

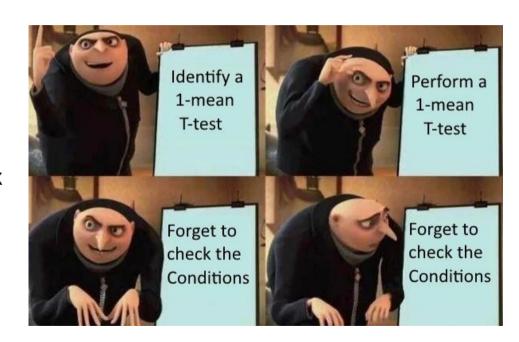
Много это или мало?

$$t=rac{X-m}{s_X/\sqrt{n}}$$

2 * (1 - pt(8.84, df = 21 - 1)) = 0.00000002410724 - значение p-value

Критерии данных для t-test

- Наблюдения в выборке должны быть независимы друг от друга.
- Объем выборки достаточно велик **или** величины нормально распределены.



t-критерий Стьюдента (двухвыборочный)

 H_0 : $\mu_1 - \mu_2 = 0$ — средние значения не различаются в двух группах

 H_A : $\mu_1 - \mu_2 \neq 0$ — средние значения различаются

Нас интересует **разность выборочных средних**, которая будет равна 0 при верной нулевой гипотезе.

$$t = \frac{{
m Haблюдаемая \sim величина - Ожидаемое \sim значение}}{{
m Cтандартная \sim ошибка}}$$

Критерии данных для двухвыборочного ttest

- Наблюдения независимы друг от друга
- Выборки независимы друг от друга
- Объем выборки достаточно велик или величины нормально распределены

Разновидности t-test

Двухвыборочный t-тест используется для проверки значимости различий между средними

$$t = \frac{(\bar{x}_1 - \bar{x}_2) - (\mu_1 - \mu_2)}{SE_{\bar{x}_1 - \bar{x}_2}} = \frac{\bar{x}_1 - \bar{x}_2}{SE_{\bar{x}_1 - \bar{x}_2}}$$

стандартная ошибка разности двух средних, может рассчитываться по-разному

- t-тест Стьюдента если считать, что дисперсии в группах равны
- t-тест Уэлча если считать, что дисперсии могут быть разными

Разновидности t-test

Однако, если выборки у вас связанные, то необходимо использовать парный ttest. Это необходимо использовать в случае, если наблюдения в выборках взаимосвязаны:

- прием сначала одного, а затем второго препарата
- сравнение групп до и после воздействия

Параметрические критерии

- Предполагают знание о виде распределения случайной величины
- t-критерий Стьюдента данные должны быть нормально распределены
- Если данных много и они не скошены можно использовать tкритерий Стьюдента
- А если данных мало или они специфичные?

Непараметрические критерии

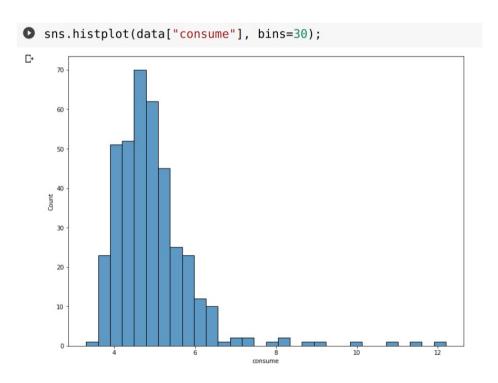
Непараметрические критерии

- Не предполагают знание о виде распределения случайной величины
- Не знаем вид распределения нашей выборки давайте перейдём к другой, но такой, чтобы мы понимали распределение

- Проверим, что медиана выборки равна некоторому числу т (одновыборочная версия)
- Не знаем про распределение выборки не используем абсолютные значения выборки!
- Сравним значения с заданной медианой m будем получать 0 и 1 (меньше m и больше m)
- Получаем новую бинарную выборку, ожидаем, что р = 1/2, так как сравнивали с медианой m
- Биномиальное распределение у новой выборки!

- Выборка: $X_1, ..., X_N \sim P (P не известно)$
- Нулевая гипотеза: median(X) = m
- Альтернативная гипотеза: median(X) ≠ m
- Статистика Т_м
- Нулевое распределение: $T_N \sim Bin(N, 1/2)$

$$T_N = \sum_{i=1}^N \left[X_i > m \right]$$



```
[23] from scipy.stats import shapiro
    shapiro(data["consume"])
    ShapiroResult(statistic=0.7749733328819275, pvalue=1.0203466473862174e-22)

● import statsmodels.api as sm

   values = (data["consume"] - data["consume"].mean()) / data["consume"].std()
   sm.qqplot(values, line="45");
\Box
```

Theoretical Quantiles

```
m = 4.85
N = len(data["consume"])
tN = (data["consume"] > m).sum()
binom(n=N, p=0.5).cdf(tN) * 2
0.028905970266677763
```

```
[32] from statsmodels.stats.descriptivestats import sign_test
    sign_test(data["consume"], mu0=m)
    (-22.0, 0.028905970266677763)
```

- Выборка: X₁₁, ..., X_{1N}, X₂₁, ..., X_{2N} связанные выборки
- Нулевая гипотеза: P(X₁>X₂) = 1/2
- Альтернативная гипотеза: $P(X_1 > X_2) \neq 1/2$
- Статистика Т_N
- Нулевое распределение: $T_N \sim Bin(N, 1/2)$

$$T_N = \sum_{i=1}^{N} [X_{1i} > X_{2i}]$$

Критерий рангов

- Мы превратили выборку в выборку бинарных величин потеряли часть информации и получили более слабый по мощности критерий
- Промежуточный вариант отказаться от абсолютных значений, но сохранить порядок в выборке

Ранги

 Вариационный ряд — отсортированная по возрастанию выборка

$$X_1, ..., X_N \Rightarrow X_{(1)} \le ... < X_{(k1)} = ... = X_{(k2)} < ... \le X_{(N)}$$

- Группы равных элементов связки
- Если X_i не в связке, то rank(X_i) = r: $X_i = X_{(r)}$
- Если X_i в связке от k_1 до k_2 , то rank(X_i) = ($k_1 + k_2$) / 2

Ранги

```
sample = data.head(10).copy()
sample["consume_rank"] = sample["consume"].rank()
sample[["consume", "consume_rank"]]
```

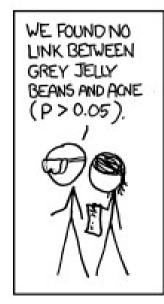
→	consume	consume_rank
0	5.0	5.5
1	4.2	2.0
2	5.5	8.0
3	3.9	1.0
4	4.5	4.0
5	6.4	9.5
6	4.4	3.0
7	5.0	5.5
8	6.4	9.5
9	5.3	7.0

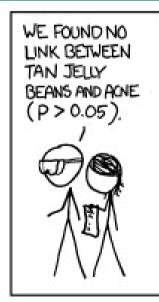
Критерий Манна-Уитни-Уилкоксона

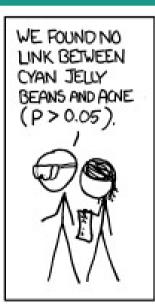
- Есть 2 выборки X и Y, измеренных хотя бы в ранговой шкале.
- Выборки должны быть независимы
- H0: P(X > Y) = P(X < Y)
- Для этого вычисляется специальная U-статистика:
 - Честно считаем для всех возможных пар количество случаев, когда $x_i > y_j$, ситуации равенства считаем за 0.5, получим U1
 - Аналогично, перевернув знак, считаем U2
 - В качестве U берем минимум из этих величин
- Есть и другие методы подсчета U, менее вычислительно громоздкие

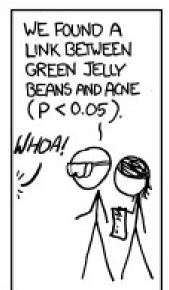
Для U-статистики есть специальные таблицы, дающие p-value по n_1 и n_2, однако для больших объемов выборок статистика имеет близкое к нормальному распределение.

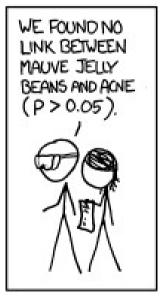
Множественная проверка











- Научились проверять одну гипотезу
- А если гипотез не 1, а 100?

- Выбранный уровень значимости (α = 0.05)
 - в теории вероятность ложно отвергнуть нулевую гипотезу
 - на практике шансы посчитать, что ваш препарат работает, когда это не так
- Что происходит, если гипотез 10?

- Оценим шансы ложно принять хотя бы 1 препарат за работающий
- Вероятность правильно не принять 1 препарат: (1 α)
- Вероятность правильно не принять 10 препаратов: $(1 \alpha)^{10}$
- Вероятность ложно принять хотя бы 1 из 10 препаратов: 1 (1 α)¹⁰

Для 10 препаратов, α = 0.05: P = 0.40126

- Для 10 препаратов, α = 0.05: P = 0.40126
- То есть вероятность ошибки первого рода 0.4!

- Если N = 100: P = 0.99408
- То есть найдется хотя бы 1 препарат, который будет лучше плацебо просто случайно)

(но

Ошибка первого рода

- Ранее хотели ошибку первого рода α
- Теперь хотим того же, но для группы экспериментов

- Групповая ошибка первого рода: FWER(V > 0)
- V число ложноотвергнутых гипотез
- FamilyWise Error Rate

- Цель: FWER(V > 0) ≤ a
- Как добиться? Подобрать α; для проверки гипотезы H;

Поправка Бонферрони

- Возьмём новые уровни значимости: $a_1 = ... = a_m = a / m$
- Вспомним вероятность отвергнуть хотя бы 1 из N гипотез: $(1 a_i) ^ N = 1 (1 a/N) ^ N$
- Для N=10: 0.04889 ≈ 0.05
- Для N=100: 0.04878 ≈ 0.05

 Однако сильно уменьшает мощность тестов (то есть возможность детектировать эффект при его наличии)

Нисходящие методы проверки

- Посчитали уровни значимости для гипотез H₁, ..., H_m
- Отсортируем их и соответствующие им гипотезы:
- $p_{(1)} \le ... \le p_{(m)} H_{(1)}, ..., H_{(m)}$
- Проверять будем по следующему алгоритму:
 - О Если $p_{(1)} > \alpha_{(1)}$, то принимаем все нулевые гипотезы $H_{(1)}$, ..., $H_{(m)}$, иначе отвергаем $H_{(1)}$ и проверяем дальше
 - \circ Если $p_{(2)} > \alpha_{(2)}$, то принимаем все нулевые гипотезы $H_{(2)}$, ..., $H_{(m)}$, иначе отвергаем $H_{(2)}$ и проверяем дальше
 - o ...

Метод Холма

• Обеспечивает FWER на уровне а

$$\alpha_1 = \frac{\alpha}{m}$$

$$\alpha_2 = \frac{\alpha}{m-1}$$

$$\alpha_i = \frac{\alpha}{m-i+1}$$

$$\alpha_m = \alpha$$