# Практикум на ЭВМ МС ВМК 5 семестр Задание 6 Роор Даниил

1. Ознакомиться с процедурой бутстреп (bootstrap).

```
library(boot)
norm100_1 = rnorm(100, 0, 1)
```

Оценим матожидание по выборочному среднему. Для этого возьмем 100000 подвыборок нашей выборки и для каждой посчитаем среднее

```
Boot <- boot(norm100_1,

#index - массив индексов выбранных для

#подвыборки элементов. Берем по этим

#элементам среднее

function(sample, index) mean(sample[index]),

R = 100000)
```

После создания объекта boot поле Boot\$t содержит массив из 100000 выборочных средних, посчитанных по подвыборкам нашей выборки. Усредним эти средние:

```
mean (Boot$t)
Output:
0.05258731
```

Посмотрим, насколько отличается этот результат от среднего исходной выборки:

```
mean(Boot$t) - mean(norm100_1)
Output:
-0.0001595471
```

Построим доверительные интервалы для матожидания:

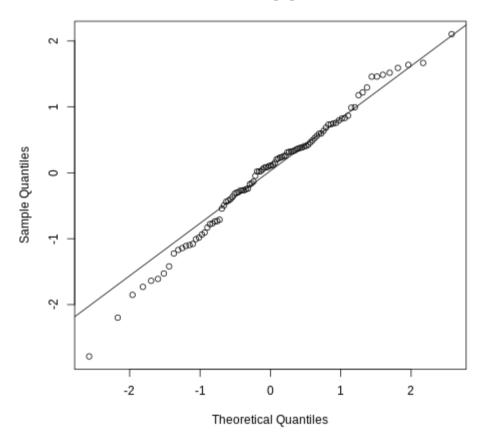
2. Сгенерировать данные из нормального распределения с различными параметрами и провести анализ с помощью графиков квантилей, метода огибающих, а также стандартных процедур проверки гипотез о нормальности, рассмотренных на семинаре (6 тестов). Рассмотреть выборки малого (не более 50-100 элементов) и умеренного (1000-5000 наблюдений) объемов.

```
norm100_2 = rnorm(100, -10, 7)
norm5000_1 = rnorm(5000, 9, 123)
norm5000_2 = rnorm(5000, -111, 0.0001)
```

## Нарисуем график теоретических и выборочных квантилей.

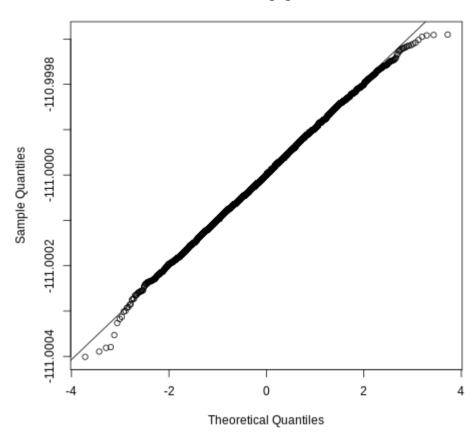
```
png(file = 'qqplot1.png')
qqnorm(norm100_1)
qqline(norm100_1)
dev.off()
```

## Normal Q-Q Plot



```
png(file = 'qqplot2.png')
qqnorm(norm5000_2)
qqline(norm5000_2)
dev.off()
```

# Normal Q-Q Plot



Получаем по графикам нормальные распределения. Теперь проведем стандартные тесты на нормальность

```
shapiro.test(norm100_1)
```

#### Output:

Shapiro-Wilk normality test

data: norm100\_1
W = 0.97338, p-value = 0.04029

## Отвергаем гипотезу о нормальности

ad.test(norm100\_1)

#### Output:

Anderson-Darling normality test

data: norm100\_1

A = 0.41979, p-value = 0.32

```
Принимаем гипотезу о нормальности
```

```
cvm.test(norm100_1)
Output:
     Cramer-von Mises normality test
data: norm100_1
W = 0.045533, p-value = 0.5768
Принимаем гипотезу о нормальности
```

lillie.test(norm100\_1)

Output:

```
Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: norm100_1
D = 0.058276, p-value = 0.5525
```

#### Принимаем гипотезу о нормальности

```
sf.test(norm100_1)
```

Output:

Shapiro-Francia normality test

```
data: norm100_1
W = 0.97435, p-value = 0.04691
```

#### Отвергаем гипотезу о нормальности

```
shapiro.test(norm100_2)
```

Output:

Shapiro-Wilk normality test

```
data: norm100_2
W = 0.99224, p-value = 0.8381
```

#### Принимаем гипотезу о нормальности

```
ad.test(norm100_2)
```

```
Output:
     Anderson-Darling normality test
data: norm100 2
A = 0.2395, p-value = 0.7725
Принимаем гипотезу о нормальности
cvm.test(norm100_2)
Output:
     Cramer-von Mises normality test
data: norm100 2
W = 0.036716, p-value = 0.7384
Принимаем гипотезу о нормальности
lillie.test(norm100 2)
Output:
     Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: norm100_2
D = 0.050024, p-value = 0.7791
Принимаем гипотезу о нормальности
sf.test(norm100_2)
Output:
     Shapiro-Francia normality test
data: norm100_2
W = 0.99281, p-value = 0.7992
```

#### Принимаем гипотезу о нормальности

shapiro.test(norm5000\_1)

```
Output:
     Shapiro-Wilk normality test
data: norm5000_1
W = 0.99956, p-value = 0.318
Принимаем гипотезу о нормальности
ad.test(norm5000_1)
Output:
     Anderson-Darling normality test
data: norm5000 1
A = 0.48665, p-value = 0.2249
Принимаем гипотезу о нормальности
cvm.test(norm5000_1)
Output:
     Cramer-von Mises normality test
data: norm5000_1
W = 0.090208, p-value = 0.1529
Принимаем гипотезу о нормальности
lillie.test(norm5000_1)
Output:
     Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: norm5000_1
D = 0.010212, p-value = 0.2345
Принимаем гипотезу о нормальности
sf.test(norm5000_1)
Output:
     Shapiro-Francia normality test
```

```
data: norm5000_1
W = 0.99957, p-value = 0.2768
Принимаем гипотезу о нормальности
shapiro.test(norm5000_2)
Output:
     Shapiro-Wilk normality test
data: norm5000_2
W = 0.99928, p-value = 0.04124
Отвергаем гипотезу о нормальности
ad.test(norm5000_2)
Output:
Anderson-Darling normality test
data: norm5000_2
A = 0.52104, p-value = 0.1851
Принимаем гипотезу о нормальности
cvm.test(norm5000_2)
```

Output:

Cramer-von Mises normality test

```
data: norm5000_2
W = 0.090694, p-value = 0.1507
Принимаем гипотезу о нормальности
lillie.test(norm5000_2)
Output:
     Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality
     test
data: norm5000_2
D = 0.01007, p-value = 0.2528
Принимаем гипотезу о нормальности
sf.test(norm5000_2)
Output:
     Shapiro-Francia normality test
data: norm5000_2
W = 0.99933, p-value = 0.04447
```

Отвергаем гипотезу о нормальности

Критерии Шапиро-Уилка и Шапиро-Франчиа оказались слабее остальных, так как дали ошибку на двух выборках. Остальные критерии правильно определили нормальность.

3. Сгенерировать данные из комбинаций, реализованных в R распределений, а затем провести анализ с помощью графиков квантилей, метода огибающих, а также стандартных процедур проверки гипотез о нормальности. Рассмотреть выборки малого и умеренного объемов. Сравнить эффективность методов.

Создадим большую и малую выборки из гамма-распределения со случайными параметрами из экспоненциального и биномиального распределений.

```
rand_rate = rexp(100,5)

rand_shape = rbinom(5000, 10, 0.2)

gamma_small = rgamma(100, 5, rand_rate)

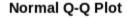
gamma_large = rgamma(100, rand_shape, 0.5)

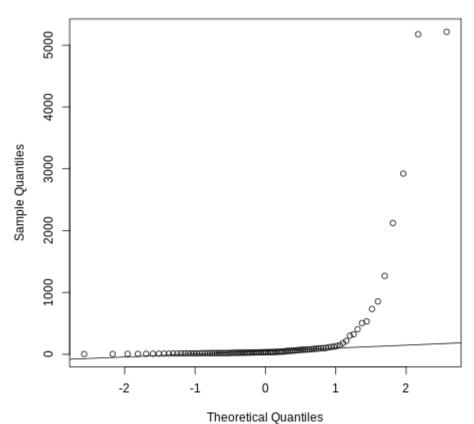
png(file = 'qqplot3.png')

qqnorm(gamma_small)

qqline(gamma_small)

dev.off()
```



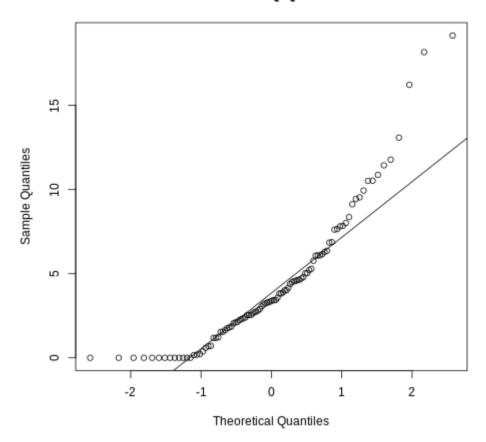


```
По графику распределение не нормально.
shapiro.test(gamma_small)
Output:
     Shapiro-Wilk normality test
data: gamma_small
W = 0.39789, p-value < 2.2e-16
Отвергаем гипотезу о нормальном распределении
ad.test(gamma_small)
Output:
     Anderson-Darling normality test
data: gamma_small
A = 20.484, p-value < 2.2e-16
Отвергаем гипотезу о нормальном распределении
cvm.test(gamma_small)
Output:
     Cramer-von Mises normality test
data: gamma_small
W = 4.1331, p-value = 7.37e-10
```

Отвергаем гипотезу о нормальном распределении

```
lillie.test(gamma_small)
Output:
     Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: gamma_small
D = 0.34042, p-value < 2.2e-16
Отвергаем гипотезу о нормальном распределении
sf.test(gamma_small)
Output:
     Shapiro-Francia normality test
data: gamma_small
W = 0.38608, p-value = 9.225e-16
Отвергаем гипотезу о нормальном распределении
png(file = 'qqplot4.png')
qqnorm(gamma_large)
qqline(gamma_large)
dev.off()
```

## Normal Q-Q Plot



shapiro.test(gamma\_large)

# Output:

Shapiro-Wilk normality test

data: gamma\_large

W = 0.88179, p-value = 2.163e-07

# Отвергаем гипотезу о нормальном распределении

ad.test(gamma\_large)

## Output:

Anderson-Darling normality test

```
data: gamma_large
A = 2.8239, p-value = 3.729e-07
Отвергаем гипотезу о нормальном распределении
cvm.test(gamma_large)
Output:
     Cramer-von Mises normality test
data: gamma_large
W = 0.44931, p-value = 8.01e-06
Отвергаем гипотезу о нормальном распределении
lillie.test(gamma_large)
Output:
     Lilliefors (Kolmogorov-Smirnov) normality test
data: gamma_large
D = 0.14723, p-value = 1.423e-05
Отвергаем гипотезу о нормальном распределении
sf.test(gamma_large)
Output:
     Shapiro-Francia normality test
```

```
data: gamma_large
W = 0.8804, p-value = 1.189e-06
```

Отвергаем гипотезу о нормальном распределении

Все критерии правильно определили ненормальность. Исходя из результатов эксперимента можно предположить: в критериях Шапиро-Уилка и Шапиро-Франчиа ошибки первого рода встречаются чаще, чем в других критериях. Ошибки второго рода встречаются с примерно одинаковой частотой.