TICS-411 Minería de Datos

Clase 3: Modelación Descriptiva y K-Means

Alfonso Tobar-Arancibia

alfonso.tobar.a@edu.uai.cl



Modelación Descriptiva (Aprendizaje no Supervisado)



Definiciones

Aprendizaje No supervisado

Es un tipo de aprendizaje que no requiere de etiquetas (las respuestas correctas) para poder aprender.

(i) En nuestro caso nos enfocaremos en un caso particular de Modelación Descriptiva llamada Clustering.

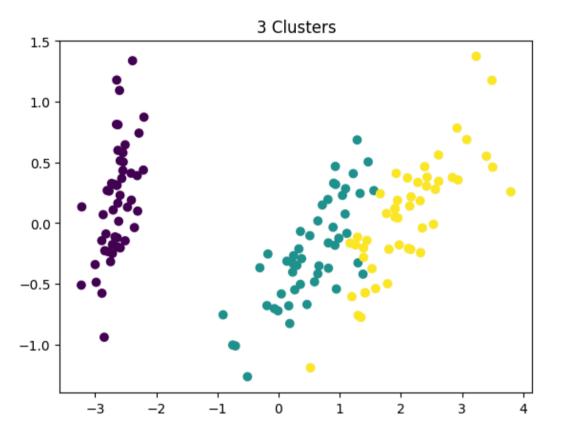
Clustering

Consiste en agrupar los datos en un menor número de entidades o grupos. A estos grupos se les conoce como clusters y pueden ser generados de manera global, o modelando las principales características de los datos.



Intuición

¿Cuántos clusters se pueden apreciar?



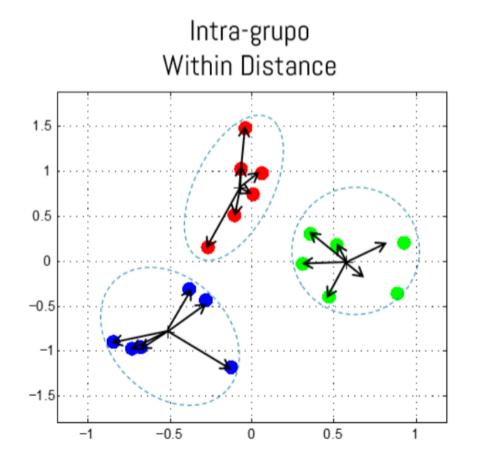


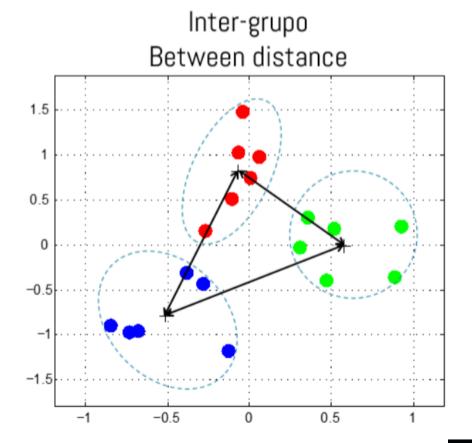
Clustering



Clustering: Introducción

(i) Clustering: Consiste en buscar grupos de objetos tales que la similaridad intra-grupo sea alta, mientras que la similaridad inter-grupos sea baja. Normalmente la distancia es usada para determinar qué tan similares son estos grupos.

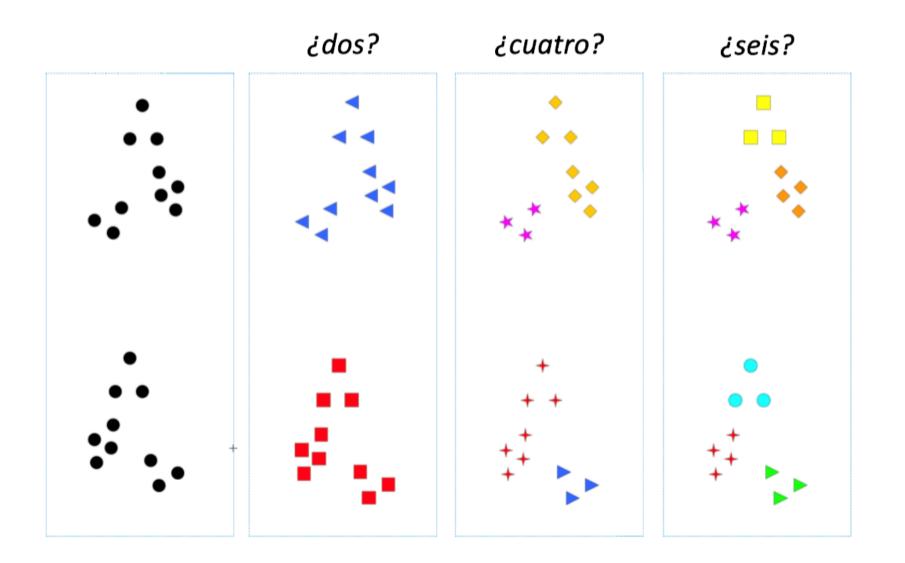






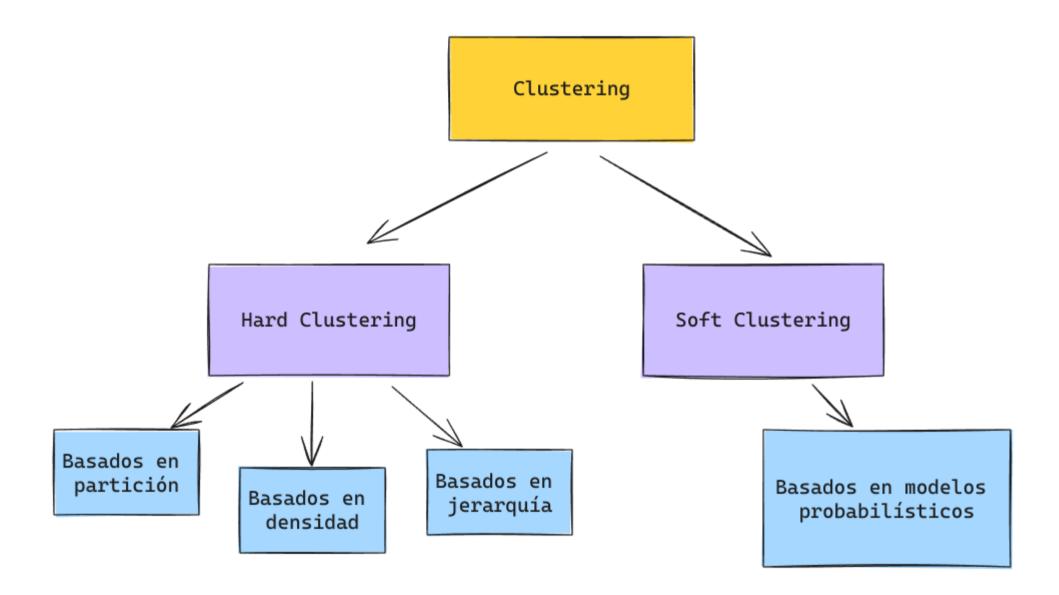
Clustering: Evaluación

• Evaluar el nivel del éxito o logro del Clustering es complicado. ¿Por qué?





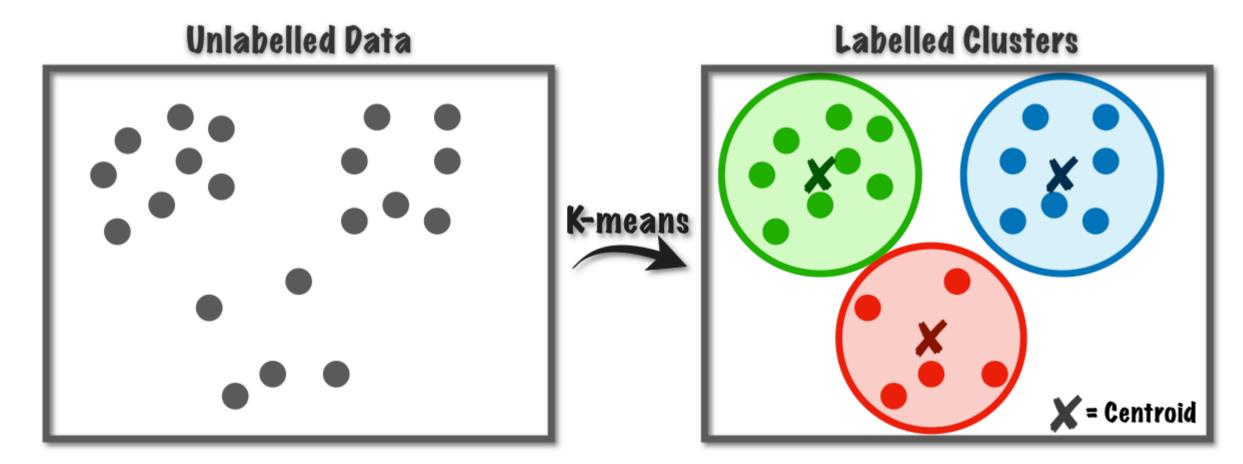
Clustering: Tipos





Clustering: Partición

Los datos son separados en K clusters, donde cada punto pertenece exclusivamente a un único cluster.





Clustering: Densidad

Se basan en la idea de continuar el crecimiento de un cluster a medida que la densidad (número de objetos o puntos) en el vecindario sobrepase algún umbral.

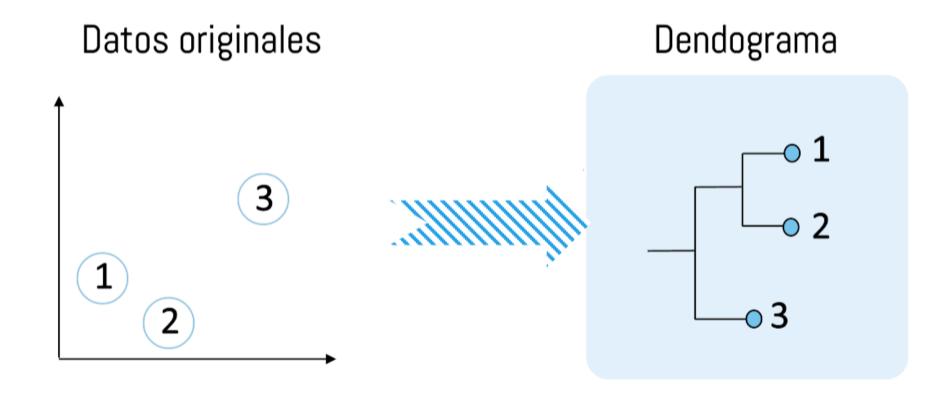




Clustering: Jerarquía

Los algoritmos basados en jerarquía pueden seguir 2 estrategias:

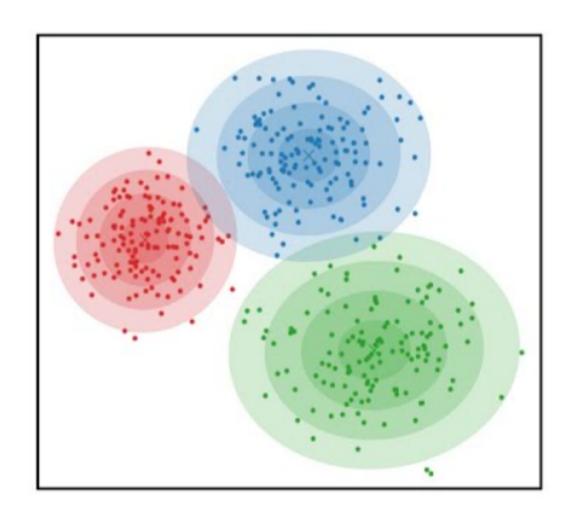
- **Aglomerativos**: Comienzan con cada objeto como un grupo (bottom-up). Estos grupos se van combinando sucesivamente a través de una métrica de similaridad. Para n objetos se realizan n-1 uniones.
- **Divisionales**: Comienzan con un solo gran cluster (bottom-down). Posteriormente este mega-cluster es dividido sucesivamente de acuerdo a una métrica de similaridad.

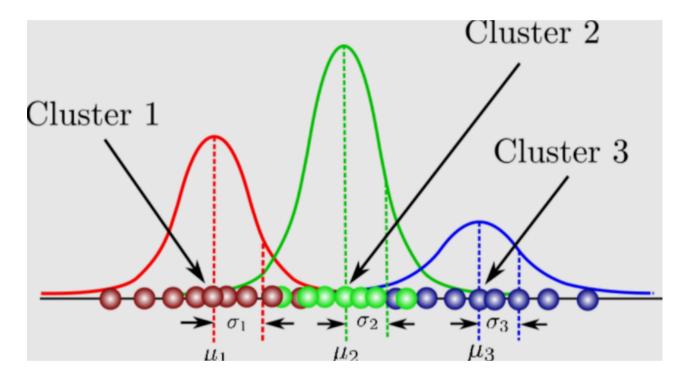




Clustering: Probabilístico

Se ajusta cada punto a una distribución de probabilidades que indica cuál es la probabilidad de pertenencia a dicho cluster.







Métodos Basados en Partición



Partición

Los datos son separados en K Clusters, donde cada punto pertenece exclusivamente a un único cluster. A K se le considera como un hiperparámetro.



- Cluster Compactos: Minimizar la distancia intra-cluster (within cluster).
- Clusters bien separados: Maximizar la distancia inter-cluster (between cluster).

$$Score(C, D) = f(wc(C), bc(C))$$

El puntaje/score mide la calidad del clustering ${\cal C}$ para el Dataset ${\cal D}$.



Score

$$Score(C, D) = f(wc(C), bc(C))$$

• Distancia Between-Cluster:

$$bc(C) = \sum_{1 \leq j \leq k \leq K} d(r_j, r_k)$$

donde r_k representa el centro del cluster k:

$$r_k = rac{1}{n_k} \sum_{x_i \in C_k} x_i$$

• Distancia Within-Cluster (Inercia):

$$wc(C) = \sum_{k=1}^K \sum_{x_i \in C_k} d(x_i, r_k)$$



Distancia entre los centros de cada cluster.



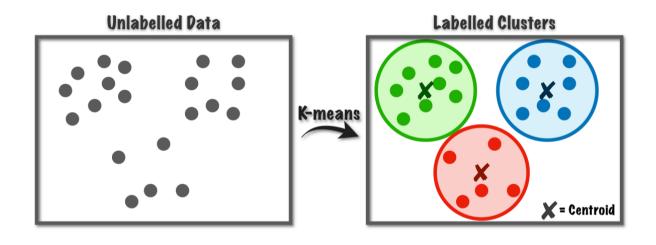
Distancia entre todos los puntos del cluster y su respectivo centro.



K-Means

K-Means

Dado un número de clusters K (determinado por el usuario), cada cluster es asociado a un centro (centroide). Luego, cada punto es asociado al cluster con el centroide más cercano.



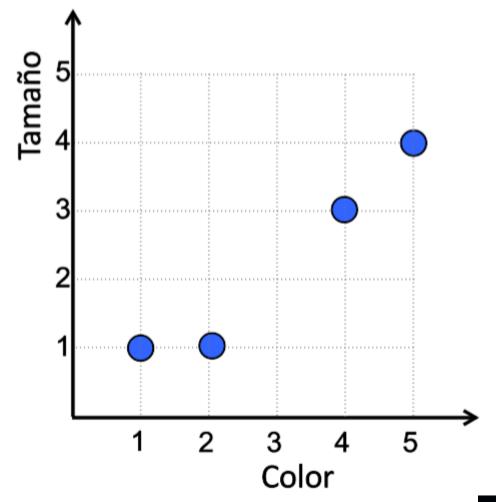
Normalmente se utiliza la Distancia Euclideana como medida de similaridad.

- 1. Se seleccionan K puntos como centroides iniciales.
- 2. Repite:
 - Forma K clusters asignando todos los puntos al centroide más cercano.
 - Recalcula el centroide para cada clase como la media de todos los puntos de dicho cluster.
- Se repite este procedimiento por un número finito de iteraciones o hasta que los centroides no cambien.

Resolvamos el siguiente ejemplo.

Supongamos que tenemos tipos de manzana, y cada una de ellas tiene 2 atributos (features). Agrupemos estos objetos en 2 grupos de manzanas basados en sus características.

Objeto	Color	Tamaño
Manzana A	1	1
Manzana B	2	1
Manzana C	4	3
Manzana D	5	4



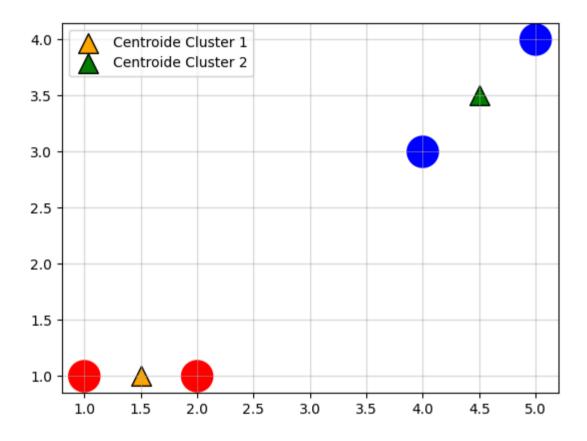


1era Iteración



2da Iteración



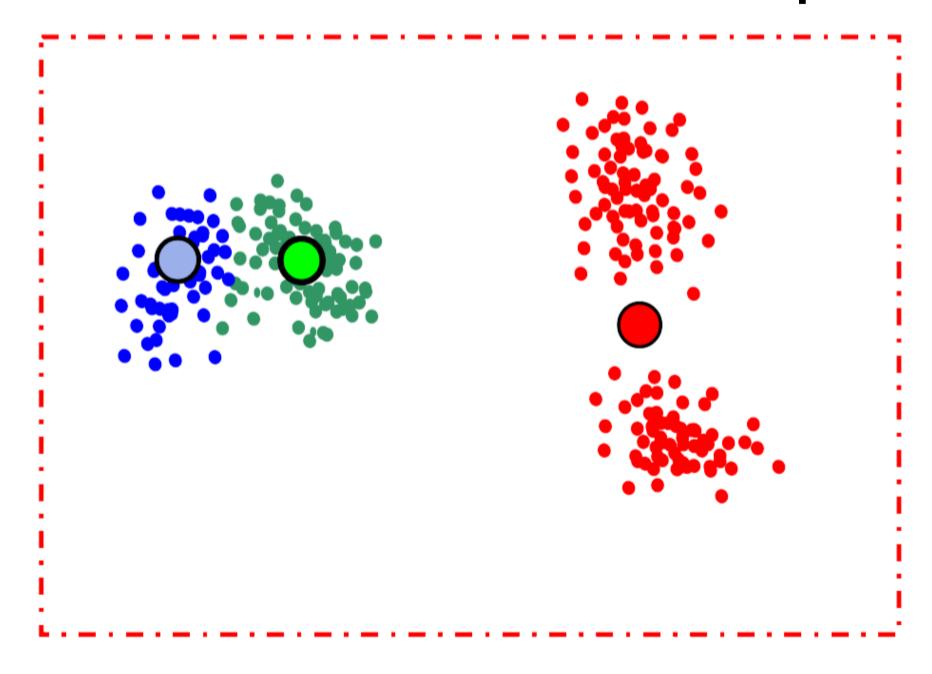




- Si seguimos iterando notaremos que ya no hay cambios en los clusters. El algoritmo converge.
- ullet Este es el resultado de usar K=2. Utilizar otro valor de K entregará valores distintos.
- ¿Es este el número de clusters óptimos?



K-Means: Número de Clusters Óptimos





- Siempre es posible encontrar el número de clusters indicados.
- Entonces,

¿Cómo debería escoger el valor de K?

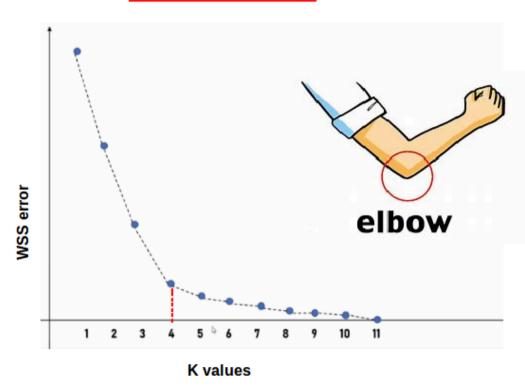


K-Means: Número de Clusters Óptimos

Curva del Codo

Es una heurísitca en la cual gráfica el valor de una métrica de distancia (e.g. within distance) para distintos valores de K. El valor óptimo de K será el codo de la curva, que es el valor donde se estabiliza la métrica.

Elbow method





Este valor del codo muchas veces es subjetivo y distintas apreciaciones pueden llegar a distintos K óptimos.



Eventualmente otras métricas distintas al within distance podrían también ser usadas.



K-Means: Detalles Técnicos

(i) Fortalezas

- Algoritmo relativamente eficiente ($O(k \cdot n \cdot i)$). Donde k es el número de clusters, n el número de puntos, e i el número de iteraciones.
- Encuentra "clusters esféricos".

△ Debilidades

- Sensible al punto de inicio.
- Solo se puede aplicar cuando el promedio es calculable.
- Se requiere definir K a priori (K es un hiperparámetro).
- Suceptible al ruido y a mínimos locales (podría no converger).



Implementación en Scikit-Learn

```
from sklearn.cluster import KMeans

km = KMeans(n_clusters=8, n_init=10, random_state=None)

km.fit(X)

km.predict(X)

## opcionalmente

km.fit_predict(X)
```

- n_clusters: Define el número de clusters a crear, por defecto 8.
- n_init: Cuántas veces se ejecuta el algoritmo, por defecto 10.
- random_state: Define la semilla aleatoria. Por defecto sin semilla.
- init: Permite agregar centroides de manera manual.
- .fit(): Entrenará el modelo en los datos suministrados.
- .predict() Entregará las clusters asignados a cada dato suministrado.
- .clusters_centers_: Entregará las coordenadas de los centroides de cada Cluster.
- Veamos un ejemplo en Colab.



Sugerencias

! Pre-procesamientos

Es importante recordar que K-Means es un Algoritmo basado en distancias, por lo tanto se ve afectado por Outliers y por Escalamiento.

Se recomienda preprocesar los datos con:

- Winsorizer() para eliminar Outliers.
- StandardScaler() o MinMaxScaler() para llevar a una escala común.



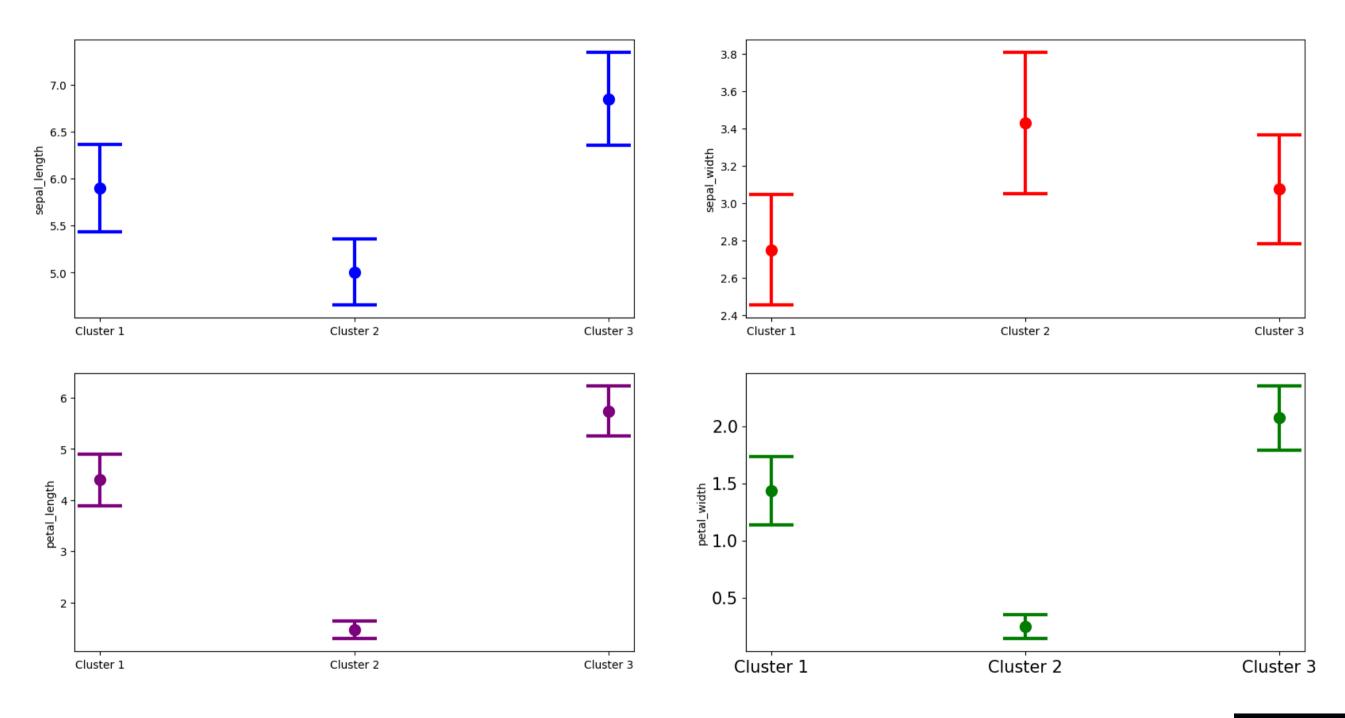
Interpretación Clusters

(i) Recordar, que el clustering no clasifica. Por lo tanto, a pesar de que K-Means nos indica a qué cluster pertenece cierto punto, debemos interpretar cada cluster para entender qué es lo que se agrupó.

A

La interpretación del cluster es principalmente intuición y exploración, por lo tanto el EDA puede ser de utilidad para analizar clusters.







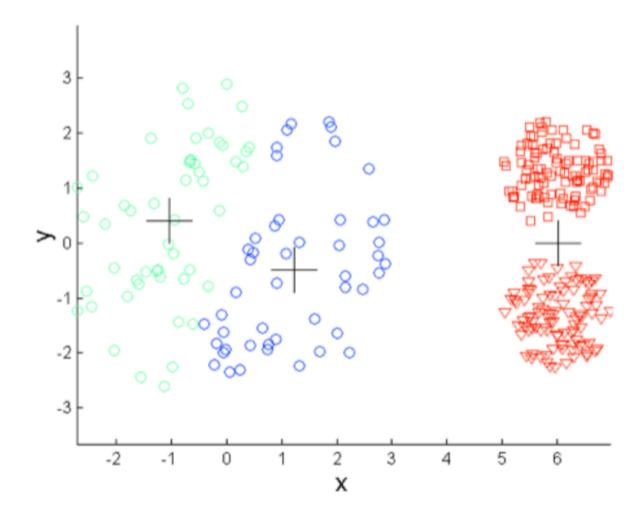
Post-Procesamiento: Merge

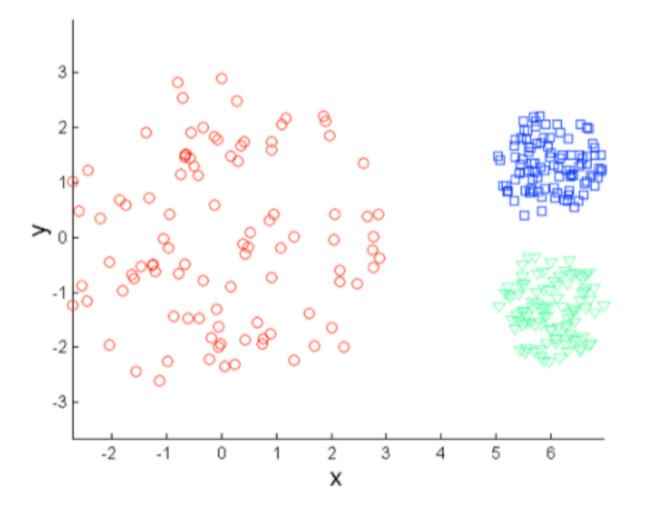
Post-Procesamiento

Se define como el tratamiento que podemos realizar al algoritmo luego de haber entregado ya sus predicciones.

Es posible generar más clusters de los necesarios y luego ir agrupando los más cercanos.

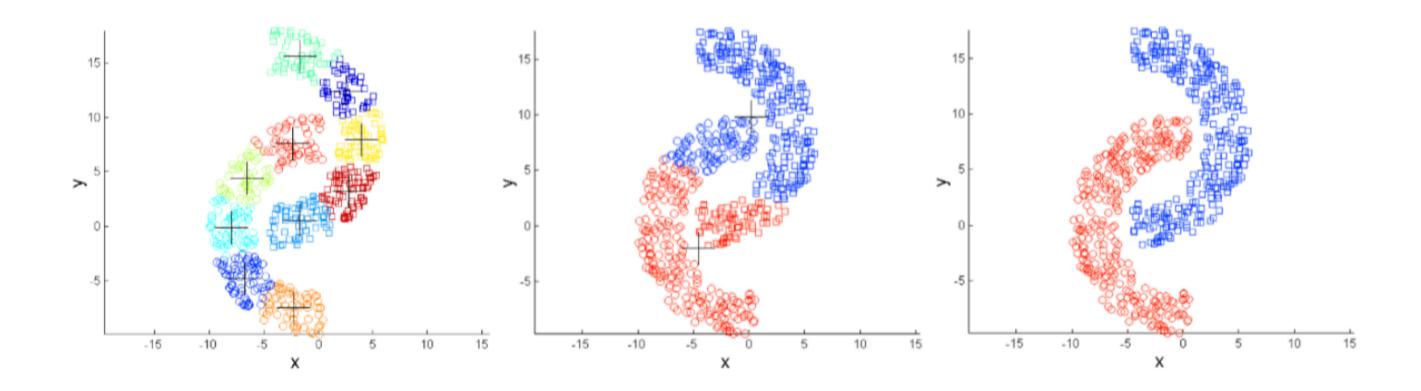








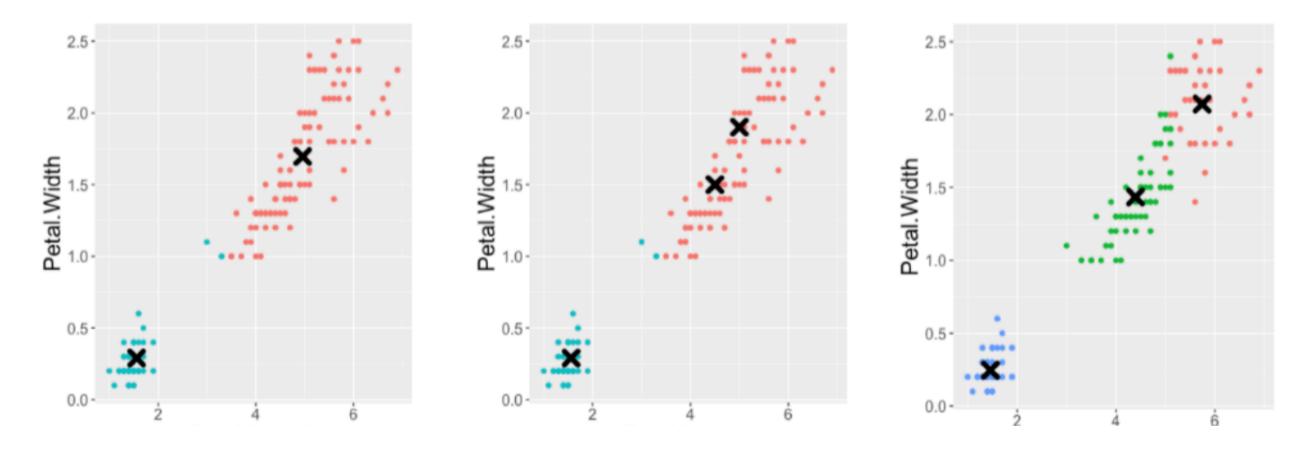
Post-Procesamiento: Merge



¿Cuál es el problema con este caso de Post-Procesamiento?



Post-Procesamiento: Split



(i) En Scikit-Learn esto puede conseguirse utilizando el parámetro init. Se entregan los nuevos centroides para forzar a K-Means que separe ciertos clusters.



Variantes K-Means

K-Mediods

K-Modes

Utiliza uno de los datos como Punto Central del Cluster

Utiliza el Simple Matching Distance como medida de similaridad (SMD).

	atributos									
	v_1	v_2	v_3	v_4	v_5	v_6	v_7	v_8	v_9	v_{10}
p_1	1	4	3	3	2	3	1	0	4	0
p_2	0	4	3	2	2	3	1	1	4	1

$$SMD(p_1,p_2)=4$$

Acá pueden encontrar una implementación de K-Modes en Python.



That's all Folks

