Normalized Epitope Residue Frequencies (Z-scores) for PDL1 2.3 2.1 0.1 2.1 ALA --0.3 2.3 ARG --0.1 0.4 0.8 0.2 0.4 ASN --0.1 -0.3 -0.4 -0.9 -0.9 -0.7 -0.6 ASP -1.2 1.9 - 3 GLN --0.1 -0.4 -0.9 -0.9 -0.7 GLU -0.4 0.2 0.4 GLY --1.4 0.4 0.2 0.4 -0.9 -0.9 - 2 HIS --0.1 -0.4 -0.9 -0.7 Residue - ATI e -0.4 -0.9 -0.6 -0.1 -1.4 -1.2 -0.9 -0.9 -0.7 -0.6 LYS --1.4 -0.4 0.1 0.4 -0.7 -1.4 MET --0.1 0.4 0.2 0.4 -0.5 PHE --1.4 -1.4 -1.2 -0.7 -0.9 -0.9 -0.6 -0.5 SER --0.1 -0.3 -0.4 -0.7 THR --1.4 -1.4 -1.2 0.1 -1.6 -1.7 -1.4 TRP --1.4 -1.4 -1.2 -1.7 -1.4 -0.9 -0.9 -0.7 TYR -1.9 -0.1 2.1 2.1 VAL --0.1 -0.3 0.4 1.0 0.2 sgi) Still