Normalized Paratope Residue Frequencies (Z-scores) for PDL1 -1.2 -0.9 -0.3 -0.9 -1.1 -0.4 -0.2 ALA --0.6 ARG --0.3 -0.3 -0.2 -0.3 -0.4 -0.2 -0.1 ASN --0.9 -1.0 -0.2 -0.3 -1.0 0.3 -1.1 -0.7 - 3 ASP --1.2 -0.3 -0.3 -0.9 -0.3 -0.4 -0.2 -0.3 GLU --1.2 -0.9 -1.0 1.2 1.5 -1.0 -0.9 -1.1 -0.6 GLY --0.3 HIS -0.0 -0.9 -0.3 -0.9 -1.1 0.2 -0.9 -1.1 -0.8 ILE -0.3 -1.0 -0.9 -1.1 -1.0 -1.1 -0.8 Residue LEU --0.2 -0.4 -1.2 -0.3 -0.3 -0.3 -0.3 -0.3 LYS --0.9 -1.0 -0.2 -1.0 -0.9 -0.2 -0.7 PHE --0.2 -0.2 0.3 -1.0 -0.3 -1.0 -0.3 -0.3 PRO --0.3 -0.9 -1.1 -0.9 -0.2 -0.3 1.9 SER -2.4 2.6 2.6 2.0 2.1 2.7 -0.9 THR --1.1 -0.9 0.1 TRP --0.3 -0.2 TYR -1.9 2.0 2.1 2.6 2.2 VAL --1.2 -0.3 -1.0 -0.2 -0.3 -1.0 -0.3 -1.1 -0.8 1485 58il 442 PDB ID