Normalized Epitope Residue Frequencies (Z-scores) for PDL1 2.3 2.1 0.1 2.1 ALA --0.3 2.3 1.6 ARG --0.1 0.4 0.8 0.2 0.4 ASN --0.1 -0.3 -0.4 -0.9 -0.7 -0.6 -0.7 ASP -1.1 1.9 1.7 - 3 -0.7 GLN --0.1 -0.4 -0.6 -0.6 GLU -0.4 0.2 0.4 GLY --1.4 0.2 0.4 HIS --0.1 -0.4 -0.9 -0.9 -0.7 -0.6 -0.6 Residue - ATI --0.4 -0.6 -1.2 -0.7 -0.1 -1.4 -0.9 -0.6 -0.9 LYS --1.4 -0.4 0.1 -0.7 0.4 -1.4 -0.4 MET --0.1 0.4 1.0 0.2 0.4 -0.5 0.7 PHE --1.4 -1.4 -1.2 -0.7 -0.6 -1.2 SER --0.1 -0.4 -0.9 -0.7 -0.5 -0.3 -0.6 -0.7 THR --1.4 -1.4 -1.2 0.1 -1.6 -1.7 -1.4 -1.2 TRP --1.4 -0.7 -1.4 -1.4 -1.2 -0.9 -1.7 -1.5 TYR --0.1 2.1 1.9 2.1 1.7 VAL --0.1 -0.3 0.4 0.2 14ds Seil 54A PDB ID