

Datenanalyse

Art der Daten:

- Peripheral blood mononuclear cells (PBMCs) from a healthy donor
- Transkriptom der Zellen (gesamte mRNA zum Zeitpunkt der Datenerhebung) nach hg19 (menschliches Referenzgenom, nachdem sequenziertes Genom „zusammengebaut“ wurden)
- Cell Ranger Version 1.1.0 : Verarbeitungsprogramm der mRNA-Daten (set of analysis pipelines)

PBMCs :

einkernige Zellen des Blutes mit rundem Zellkern:

- *Lymphozyten* (T-Zellen (Angriffspunkt von HIV, da CD4-Rezeptor) , B-Zellen. NK-Zellen)
- *Monozyten*
(Vorläufer der Makrophagen und dendritischen Zellen;
Phagozytose von körperfremden Strukturen und Antigenpräsentation im Gewebe;
befinden sich 1-3 Tage im Blut, dann mehrere Wochen im Gewebe;
tragen CD14 Rezeptor (und CD16))
- wenige *dendritische Zellen*

→ Zellen des Immunsystems

→ mögliche Diagnosen/Prognosen von Infektionskrankheiten, Krankheitsverläufen (HIV)
etc

Rahmenwerte

Anzahl der Zellen: 2700