Einführung in die statistische Datenanalyse mit R

Logistische Regression

David Benček

Wintersemester 2015/16

Logistische Regression

- auch logit-Modell genannt,
- nützlich für Fragestellungen, bei denen die abhängige Variable nur zwei Werte annahmen kann (dichotome Variable).

Beispiele:

- Wahlbeteiligung von Individuen
- Wahlsieg von Kandidaten
- Erfolg einer Studienplatzbewerbung

Demonstration

Beispielhafte Berechnung eines logit-Modells zur Frage, welche Größen sich auf eine erfolgreiche Studienplatzbewerbung auswirken.

```
logit_data <- read.csv("./data/logit_example.csv")
head(logit_data)</pre>
```

```
##
     admit gre gpa rank
## 1
         0 380 3.61
         1 660 3.67
                       3
## 2
## 3
         1 800 4.00
## 4
         1 640 3.19
                       4
         0 520 2.93
## 5
                       2
## 6
         1 760 3.00
```

Demonstration II

```
summary(logit_data)
```

```
##
      admit
                       gre
                                     gpa
##
   Min.
         :0.0000
                  Min.
                        :220.0
                                 Min.
                                       :2.260
                                               Min.
   1st Qu.:0.0000 1st Qu.:520.0
##
                                 1st Qu.:3.130
                                               1st Q
   Median :0.0000
                  Median:580.0
                                 Median :3.395
                                               Media
##
   Mean :0.3175
                                 Mean :3.390
                                               Mean
##
                  Mean :587.7
##
   3rd Qu.:1.0000
                  3rd Qu.:660.0
                                 3rd Qu.:3.670
                                               3rd Q
   Max. :1.0000
                                               Max.
##
                  Max. :800.0
                                 Max.
                                       :4.000
```

Demonstration III

Modellschätzung:

```
logit_data$rank <- factor(logit_data$rank)
logit_model <- glm(admit ~ gre + gpa + rank, data = logit_data$rank)</pre>
```

Demonstration IV

summary(logit_model)

```
##
## Call:
## glm(formula = admit ~ gre + gpa + rank, family = "binomial",
      data = logit_data)
##
## Deviance Residuals:
      Min
               10 Median 30
                                       Max
## -1.6268 -0.8662 -0.6388 1.1490 2.0790
##
## Coefficients:
              Estimate Std. Error z value Pr(>|z|)
## (Intercept) -3.989979 1.139951 -3.500 0.000465 ***
            0.002264 0.001094 2.070 0.038465 *
## gre
## gpa
            0.804038 0.331819 2.423 0.015388 *
## rank2 -0.675443 0.316490 -2.134 0.032829 *
          -1.340204 0.345306 -3.881 0.000104 ***
## rank3
## rank4 -1.551464 0.417832 -3.713 0.000205 ***
## ---
## Signif, codes: 0 '***' 0.001 '**' 0.05 '.' 0.1 ' ' 1
##
## (Dispersion parameter for binomial family taken to be 1)
##
##
      Null deviance: 499.98 on 399 degrees of freedom
## Residual deviance: 458.52 on 394 degrees of freedom
## ATC: 470.52
##
## Number of Fisher Scoring iterations: 4
```

Exkurs: Odds-Ratio

	erkrankt	nicht.erkrankt
mit Risikofaktor	65	30
ohne Risikofaktor	20	75

$$OR = \frac{65/30}{20/75} = 8.125$$

Personen mit Risikofaktor haben eine über 8-mal höhere Chance zu erkranken.

Interpretation

- ▶ Bei einer Änderung von gre um eine Einheit steigt die log-odds der Zulassung um 0.002 an.
- Ein Anstieg des gpa um eine Einheit erhöht die log-odds der Zulassung um 0.804.
- Kategoriale Variablen sind relativ zu ihrer Basiskategorie zu interpretieren:
 - Ist die vorherige Hochschule dem Rang 2 zuzuordnen, ändert dies die log-odds der Zulassung um -0.675 im Vergleich zu einer identischen Bewerbung von einer Hochschule vom Rang 1.