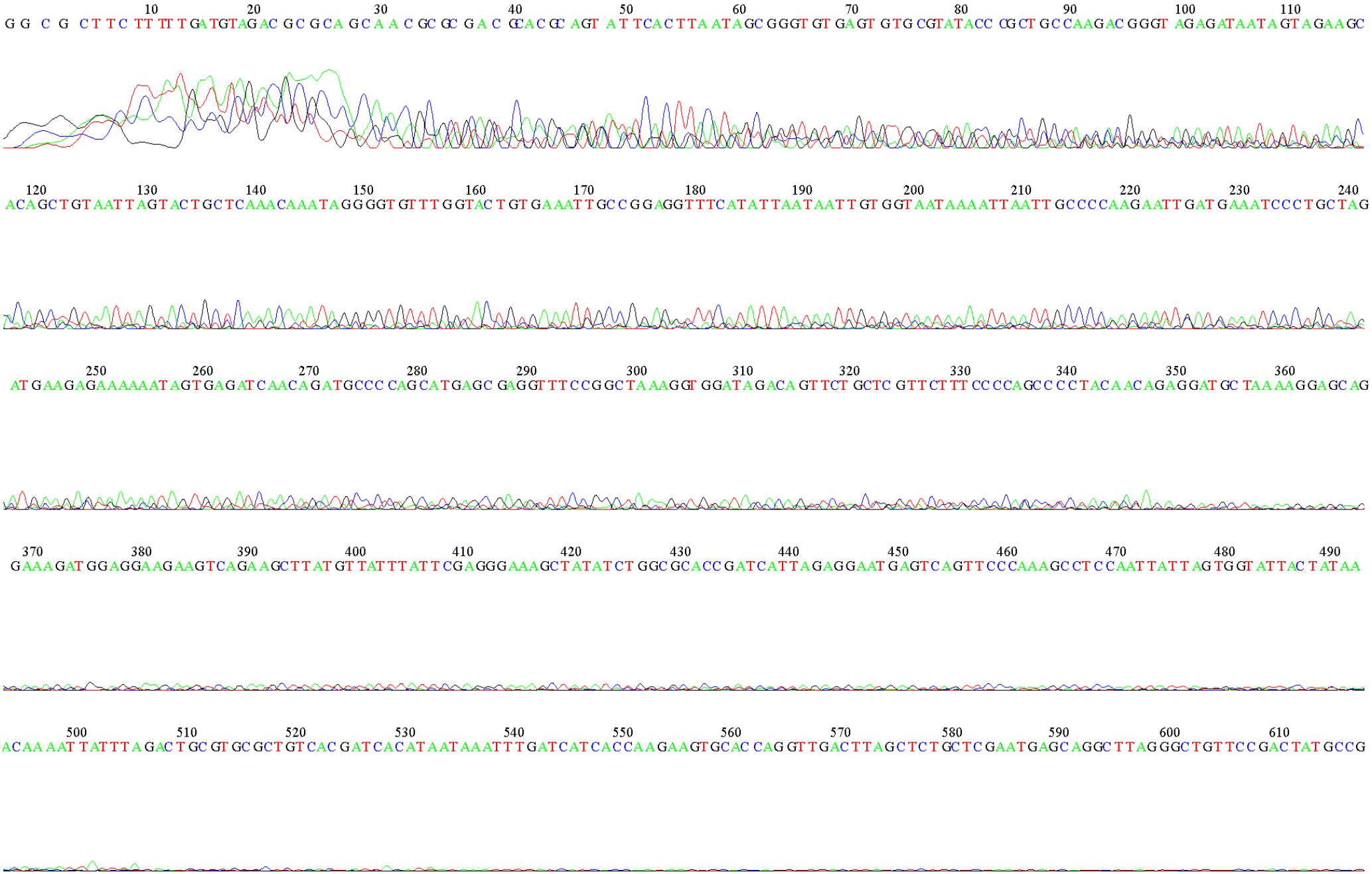
10 20 30 40 50 60 70 80 90 100 110
GG C G CTTC TTTTTGATGTAGAC GC GCA GCAA C GC GC GA C GCAC GC AGT AT TCACTTA ATAGC GGGT GT GAGT GTG CGTATACC CGCT GCCAAGAC GGGT AGAGATAATAGTAGAAGC
120 130 140 150 160 170 180 190 200 210 220 230 240
ACAGCTGTAATTAGTACTGCTCAAACAAATAGGGGGT GTTTGGTACTGTGAAATTGCCGGAGGTTTCATATTAATAATTGT GGTAATAAAATTAATTGCCCCAAGAATTGATGAAATCCCCTGCTAG
250 260 270 280 290 300 310 320 330 340 350 360
ATGAAGAGAAAAAATAGTGAGATCAACAGATGCCC CAGCATGAGC GAGGTTTCCGGCTAAAGGT GGATAGACA GTTCT GCTC GTTCTTT CCCCAGCCCCTACAACAGAGGATGC TAAAAGGAGCAG
370 380 390 400 410 420 430 440 450 460 470 480 490
GAAAGATGGAGGAAGAAGTCAGAAGCTTATGTTATTTATTCGAGGGAAAGCTATATCT GGCGCACCGATCATTAGAGGAATGAGTCAGTTCCCAAAGCCTCCAATTATTAGTGGTATTACTATAA
500 510 520 530 540 550 560 570 580 590 600 610
ACAAAATTATTTAGACTGCGTGCGCTGTCACGATCACATAATAAATTTGATCATCACCAAGAAGTGCACCAGGTTGACTTAGCTCTGCTCGAATGAGCAGGCTTAGGGCTGTTCCGACTATGCCG

620 630 640 650 660 670 680 690 700 710 720 730 740
GCTCAGGCACCAAATACGAGATAAAGGGTGCCGATATCTTTATGATTAGTCGAAGTTACCCTGCCGACATTATCGTAGATCCCCCCATCTGGGTCCAGGAGCGTTTGGTTTAGACCAGTCCGTG
750 760 770 780 790 800 810 820 830 840 850 860
TCGATATTGACGGTCTCTTTGCGAACTTTTACAGCCATGCTAAGATAAGATCAAGGCTGACATTGTCGACCGGGATCTTGCGTAATGATGAGGTTTTTTGCAGTAGGTTTCTTCAGGCGCGATACT
870 880 890 900 910 920 930 940 950 960 970 980
TCCCAAAGGGTGTATACAGTATGGCTCAGTAGGTCTGCTCTTGTTGCAGAGCTTGTCCGCGCAGATCCTTTCAGGAGATAGCGTGGTTTTCGTGTTAAGCGAGTCCCGGCAGTGGTCCGG
990 1000 1010 1020 1030 1040 1050 1060 1070 1080 1090 1100 1110
CATACTGGGGGTCAAAAACTGTCTAGTCCGATCTATTGTAATCTCTGTTTGGCCCAATTTGGTCGGTGCCTATTATTCCCGAGATGTTGTTAGTACTCTTGTCTAGCTATTCTGGATCGACACGCTT
1120 1130 1140 1150 1160 1170 1180 1190 1200 1210 1220 1230 1240
TCGCATAGCCTTCGTCCCAGAGAGATGATCCTCCTTAATCAATGCCACTCACGCAAAACAGAATGCGATAATATAGAGGGCCCCATTCGACATACATTGGCGGCGCCTTTACACACTTTTTTGACCTATGTATA