# Estadística [continuación]

CSIC

# Bondad de un ajuste (I)

→ Volvamos una vez más al ejemplo de la regresión lineal con likelihood en donde tenemos:

#### Modelo lineal con M parámetros:

$$y = x^T \theta$$

#### Probabilidad gaussiana:

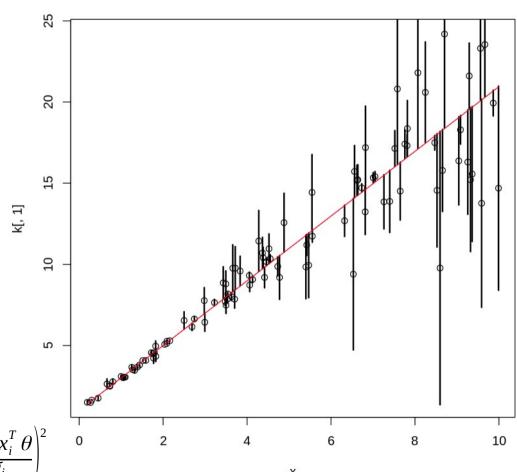
$$p(y_{i}|x_{i}) = \frac{1}{\sqrt{2 \pi \sigma_{i}}} e^{\frac{-1}{2} \frac{(y_{i} - x_{i}^{T} \theta)^{2}}{\sigma_{i}^{2}}}$$

#### Likelihood:

$$L(\theta; (x_i, y_i)) = \prod_{i} \frac{1}{\sqrt{2\pi}\sigma_i} e^{\frac{-1}{2} \frac{(y_i - x_i^T \theta)^2}{\sigma_i^2}}$$

 $q = -2 \log(L)$ :

$$q(\theta;(x_i,y_i)) = 2\log(\sqrt{2\pi})\sum_i \log(\sigma_i) + \sum_i \left(\frac{y_i - x_i^T \theta}{\sigma_i}\right)^2$$



### Bondad de un ajuste (II)

- ightarrow Supongamos ahora que minimizamos la función q y encontramos el valor de  $heta_{ ext{min}}$
- Si nuestro modelo lineal es correcto entonces esta variable debería distribuirse como gauss(0, 1)

$$z_i = \frac{y_i - x_i^T \theta_{min}}{\sigma_i}$$

→ En efecto, si hemos asumido que la probabilidad de cada y\_i era:

$$p(y_{i}|x_{i}) = \frac{1}{\sqrt{2\pi\sigma_{i}}} e^{\frac{-1}{2} \frac{(y_{i} - x_{i}^{T} \theta_{min})^{2}}{\sigma_{i}^{2}}} \Rightarrow p(z_{i}|x_{i}) = \frac{1}{\sqrt{2\pi}} e^{\frac{-z_{i}^{2}}{2}}$$

→ Y de esta forma tenemos que la función que aparece en la expresión de q es:

$$\sum_{i} \left( \frac{y_{i} - x_{i}^{T} \theta}{\sigma_{i}} \right)^{2} = \sum_{i} z_{i}^{2}$$

→ Es decir, esa cantidad es la suma al cuadrado de un conjunto de variables distribuidas normalmente.



# Bondad de un ajuste (III)

→ Vamos a llamar a esa cantidad de la siguiente forma "chi cuadrado":

$$\chi^2 = \sum_{i}^{N} \left( \frac{y_i - x_i^T \theta_{min}}{\sigma_i} \right)^2 = \sum_{i}^{N} z_i^2$$

→ La distribución estadística de esta cantidad (su pdf) es una función conocida.

$$pdf(\chi^{2}) = \frac{1}{2^{\nu/2} \Gamma(\nu/2)} e^{-\chi^{2}/2} (\chi^{2})^{(\nu/2-1)}$$

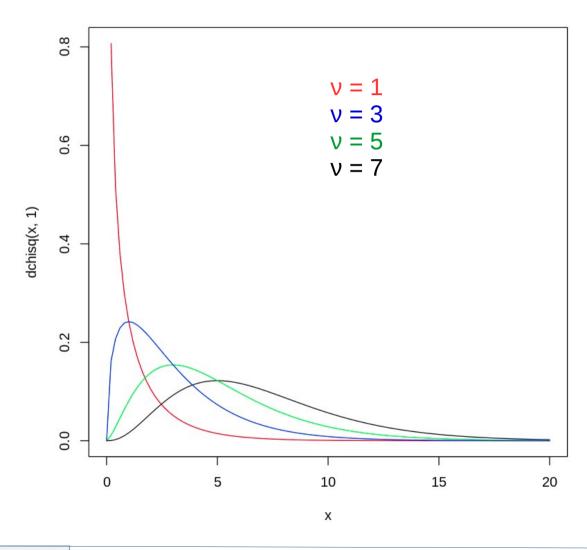
ightharpoonup En donde  $\nu$  es el "número de grados de libertad" ightharpoonup número de puntos menos número de parámetros.

$$\nu = N - M$$

 $\Rightarrow$  Es decir que si el modelo es correcto y nuestras pdf son gaussianas conocemos la distribución de  $\chi^2$ 

#### Distribución chi<sup>2</sup>

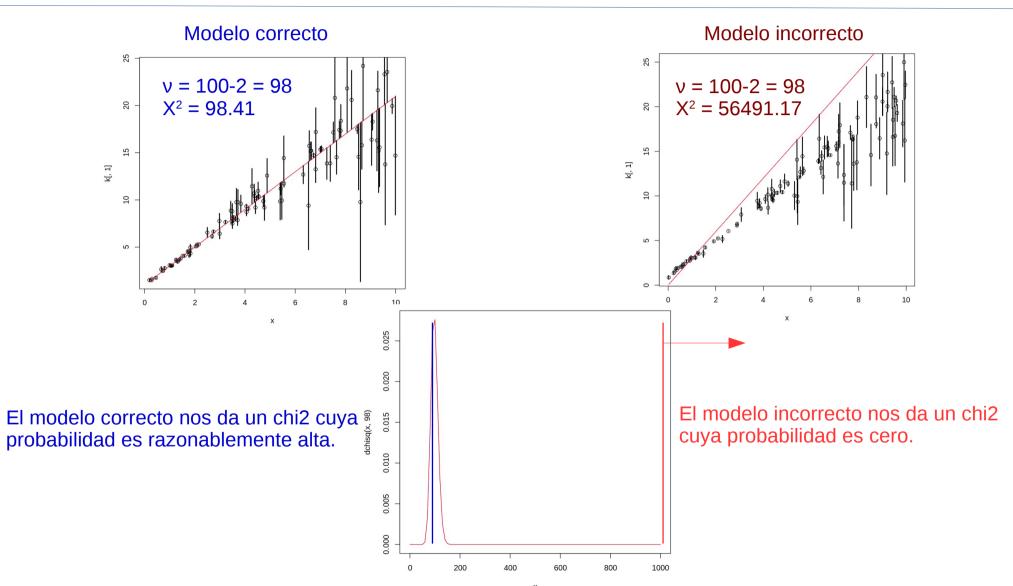
→ La función  $\chi^2$  tiene como valor esperado (media)  $\nu$ , y su varianza es  $2\nu$ .



#### Test de hipótesis

- → ¿Cómo podemos utilizar esta distribución para asignar la bondad de un ajuste?
- → Podemos ejecutar lo que se conoce como un Test de Hipótesis en el que tenemos dos hipótesis.
  - $\rightarrow$  H0  $\rightarrow$  Hipótesis Cero  $\rightarrow$  Nuestro modelo lineal verdaderamente describe los datos.
  - → H1 → Hipótesis Uno → Nuestro modelo lineal NO describe los datos (H0 es falsa)
- → ¿Qué consecuencias tiene esto?
  - → Si H0 es cierta sabemos que nuestro chi2 se distribuye con la función pdf(chi2) que hemos visto.
  - → Si H1 es cierta no sabemos cómo se distribuye chi2. En general será diferente a pdf(chi2).
- → ¿Y cómo podemos usar esto para determinar la bondad de un ajuste?
  - → Si el valor que obtenemos para chi2 es un valor "normal" dentro de pdf(chi2) podríamos estar dispuestos a creernos que el ajuste es bueno, y que efectivamente H0 es cierto.
  - → Si por el contrario obtenemos un valor chi2 totalmente "anormal", tenderemos a rechazar H0 y a pensar que seguramente chi2 viene dado por una distribución diferente.

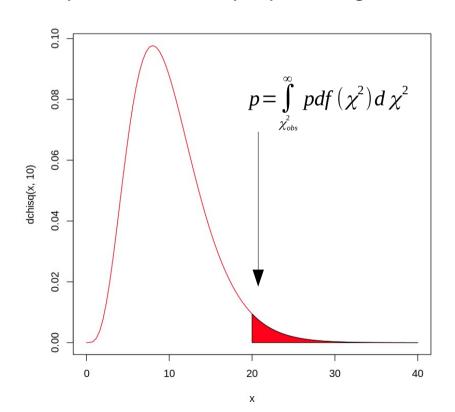
### Test de hipótesis. Ejemplo



Conclusión: tendemos a pensar que el primer ajuste es bueno y el segundo es malo

# Test de hipótesis. Cuantificación

- → Este sistema resulta útil pero todavía deja una duda: ¿a partir de qué "chi2" decimos que es bueno?
- Esta pregunta no tiene respuesta: somos nosotros los que establecemos ese criterio.
- Para ello nos servimos del concepto de "p-value":
- → ¿Cuál es la probabilidad de que yo obtenga un valor de chi2 como el observado o mayor?



Llamemos al p-value observado "alpha"

Si alpha es pequeño tendemos a rechazar el modelo, porque siendo cierta H0 sólo en un 100 \* α% de las veces hubiésemos obtenido un valor así o mayor.

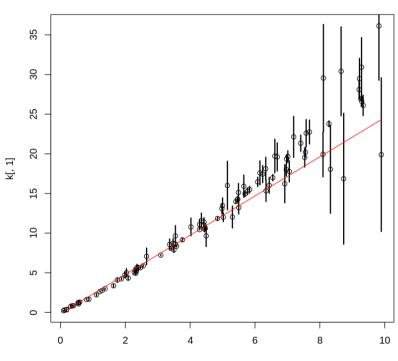
Solemos decir que rechazamos el modelo con una confianza del 100 \*  $(1-\alpha)$ %.



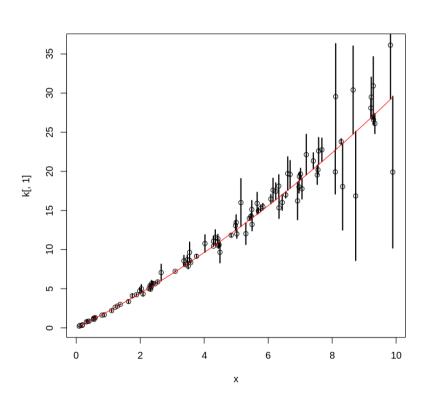
# Test de hipótesis. Comparación de modelos.

- → Supongamos ahora que disponemos de 2 modelos diferentes y queremos saber cuál ajusta mejor.
- → Ejemplo: hemos generado datos que siguen una ley cuadrática y hemos ajustado con 2 modelos:





$$Y = a + bx + cx^2$$



# Test de hipótesis. Comparación de modelos. (II)

- → Por lo tanto vamos a trabajar con dos hipótesis diferentes:
  - $\rightarrow$  H0  $\rightarrow$  Asume que el modelo más sencillo y = a + b x es el correcto.
  - → H1 → Asume que el modelo más complejo y = a + b x + c  $x^2$  es el correcto.
- → Consideremos ahora la siguiente cantidad conocida como el likelihood ratio:

$$\frac{L(H_{0,}(x_{i},y_{i}))}{L(H_{1,}(x_{i},y_{i}))} = \frac{L((a,b)_{max},(x_{i},y_{i}))}{L((a,b,c)_{max},(x_{i},y_{i}))}$$

- El símbolo "max" implica que son los valores de los parámetros que maximizan cada likelihood.
- Podemos considerar también la cantidad siguiente:

$$q = -2\log\left(\frac{L(H_{0,}(x_i, y_i))}{L(H_{1,}(x_i, y_i))}\right) = -2\log\left(\frac{L((a, b)_{max}, (x_i, y_i))}{L((a, b, c)_{max}, (x_i, y_i))}\right)$$





#### Comparación de modelos. Teorema de Wilk.

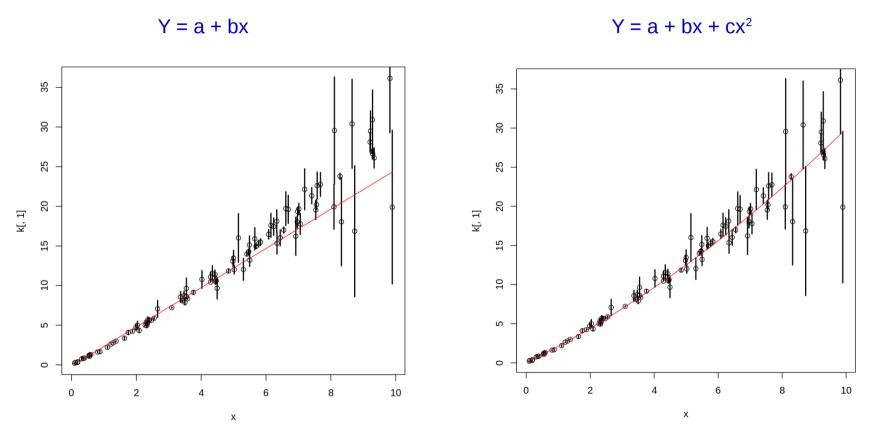
- Supongamos que para unos mismos datos tenemos dos hipótesis y modelos:
  - → H0 → Asume que el modelo más sencillo con  $\theta_i$  con i=1,2,..., N parámetros es el correcto.
  - → H1 → Asume que el modelo más complejo con  $\theta_i$  con i=1,2,..., N, N+1,...,M parámetros es el correcto.
- → Si H0 es cierta y el número de datos es grande entonces esta cantidad:

$$q = -2\log\left(\frac{L(H_0,(x_i,y_i))}{L(H_1,(x_i,y_i))}\right) = -2\log\left(\frac{\max L(\theta_{i=1,...,N},(x_i,y_i))}{\max L(\theta_{i=1,...,N,N+1,...,M},(x_i,y_i))}\right)$$

- → Se distribuye como una función chi2 con M N grados de libertad.
- Si el valor que obtenemos para q es muy atípico en esta distribución podemos descartar HO.
- → Podemos asignar un p-value y un nivel de confianza de la misma forma que se hizo previamente.

# Comparación de modelos. Teorema de Wilk. Ejemplo.

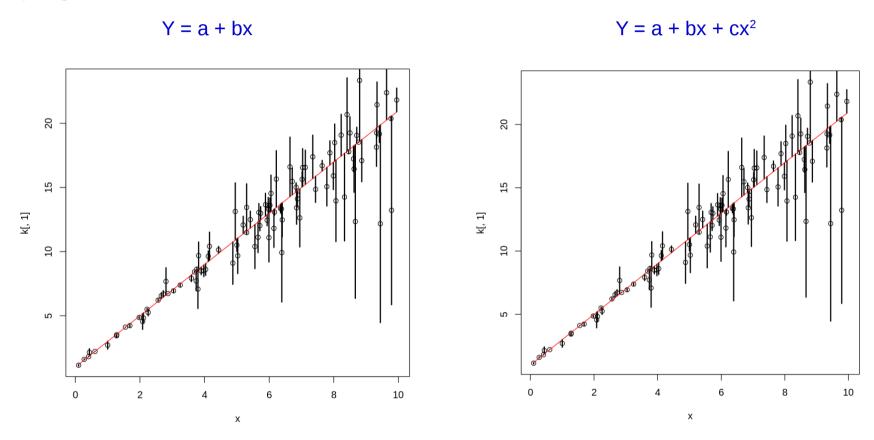
→ Volvamos al ejemplo anterior, en donde la diferencia en el número de grados de libertad es 1:



→ El valor de q es 8262.254  $\rightarrow$  la probabilidad de sacar ese valor o mayor es ~ 0  $\rightarrow$  descartamos H0.

# Comparación de modelos. Teorema de Wilk. Ejemplo.

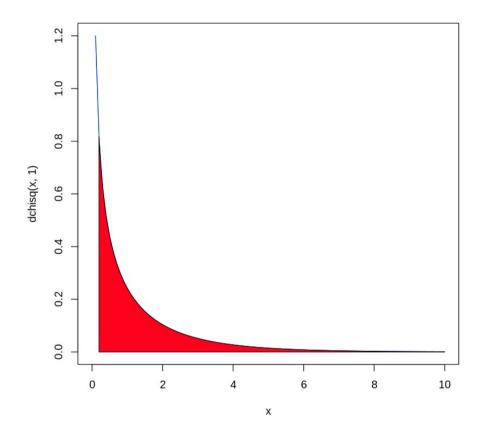
→ Ahora pongamos un modelo verdaderamente lineal (H0 es cierta):



→ El valor de q es  $0.1955284 \rightarrow$  la probabilidad de sacar ese valor o mayor es ~ 0.93.

# Comparación de modelos. Teorema de Wilk. Ejemplo.

→ Veamos qué posición ocupa este valor en la distribución de chi2 para 1 grado de libertad.



→ Se trata de un valor muy probable y por lo tanto aceptamos H0 con un 93% confidence level.

### Ejercicio 7

- 1) Escribe una función que tenga como input un vector x con valores distribuidos uniformemente, y unos parámetros a, b, m y n; y que devuelva como output una matriz cuya primera columna sea y = a + b x más un término estocástico sacado de una gaussiana con sigma =  $c + d*x^2$ ; y la segunda columna el error sigma =  $m + n*x^2$ .
- 2) Escribe otra función que haga lo mismo que la anterior pero con un parámetro más "c" de tal forma que haga lo mismo pero con un modelo  $y = a + b x + c x^2$ .
- 3) Usando como valores a = 1, b = 2, m = 0.1 y n = 0.04 para el modelo de la primera función: calcula los parámetros para las que el likelihood es máximo asumiendo un modelo con dos parámetros y = a + b x. Calcula el valor del chi2 y calcula el nivel de confianza con el que rechazaríamos este ajuste.
- 4) Repite el paso anterior con el mismo modelo pero usando la segunda función.
- 5) Usando la primera de las funciones anteriores con los valores dados en 3) calcula el valor del likelihood ratio "q" para un modelo con 2 y 3 parámetros. ¿Con qué confidence level podemos aceptar H0? Comenta el resultado: ¿qué modelo es mejor el primero o el segundo?.