CURSO DE PROGRAMACIÓN COMPETITIVA URJC - 2020

Sesión 5 (7^a Semana)

```
David Morán (david.moran@urjc.es)
Juan Quintana (juandavid.quintana@urjc.es)
Sergio Pérez (sergio.perez.pelo@urjc.es)
Jesús Sánchez-Oro (jesus.sanchezoro@urjc.es)
Isaac Lozano (isaac.lozano@urjc.es)
Raúl Martín (raul.martin@urjc.es)
```

Contenidos

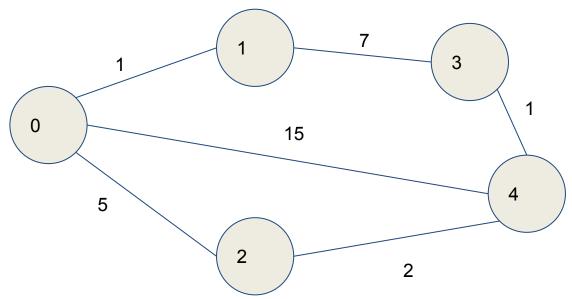
- Grafos (Ponderados)
 - Introducción y algoritmos de camino más corto
 - i. Floyd Warshall
 - ii. Colas de Prioridad
 - iii. Dijkstra
 - Árboles de recubrimiento
 - i. Prim
 - ii. Union-Find
 - iii. Kruskal

- En la vida real, el camino más corto entre dos puntos no es siempre el número de aristas por las que se pasa de un vértice i a un j cualquiera
- Los grafos muchas veces son ponderados

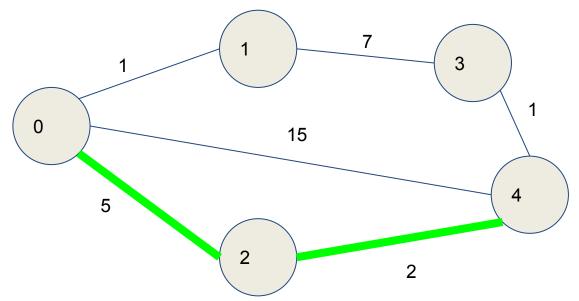
- Para representar que de u a v existe una arista con peso w
- Matriz de adyacencia:
 - o mat[u][v] = w
- Lista de adyacencia:
 - edges.push(edge(u, v, w)) // clase edge

```
class edge{
  from, to, weight
  edge(f, t, w):
    from = f
    to = t
    weight = w
arraylist<edge> edges[N]
```

• ¿Cuál es el camino más corto del siguiente grafo para ir de 0 a 4?



• ¿Cuál es el camino más corto del siguiente grafo para ir de 0 a 4?



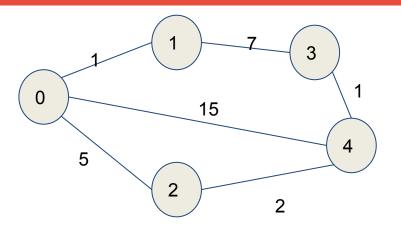
- Algoritmo de Floyd Warshall
- Compara todos los puntos para ir de cualquier nodo i a cualquier nodo j considerando un posible tercer nodo k
- El mínimo (*) entre todos estos objetivos siempre dará como resultado el camino mínimo entre cualquier par de nodos i,j dentro del grafo

- Algoritmo de Floyd Warshall
- (Contra) Es N³ por lo que su utilización está bastante limitada
- (Pro) Funciona sobre cualquier par de vértices
- (Pro) es muy fácil de escribir
- (Pro) suele actuar sobre matrices de adyacencia, más fácil de implementar

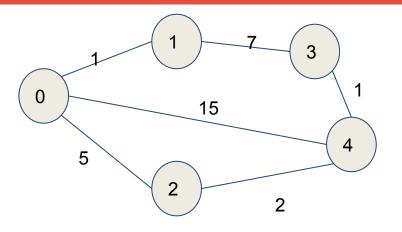
Algoritmo de Floyd Warshall

```
for k from 0..N
    for i from 0..N
    for j from 0..N
        graph[i][j] = min(
    graph[i][j], graph[i][k] +
    graph[k][j])
```

- Algoritmo de Floyd Warshall
- Por cada par de vértices en la matriz de adyacencia i,j veremos si es mejor el camino actual que tenemos ó hacer un camino nuevo pasando por cualquier otro nodo k entre medias
- Si no existe un camino entre i,j; graph[i][j] =
 INF

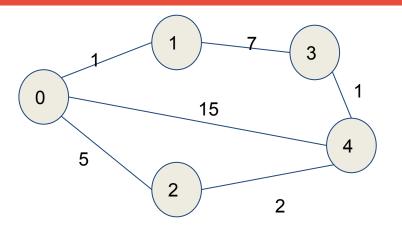


0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



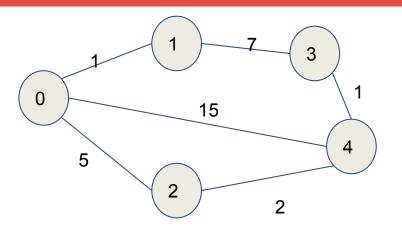
MIN(
$$\{0,4\}$$
, $\{0,2\}+\{2,4\}$)
MIN($\{0,4\}$, $\{0,2\}+\{2,4\}$)

0	1	5	INF	15 (7)
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15 (7)	INF	2	1	0



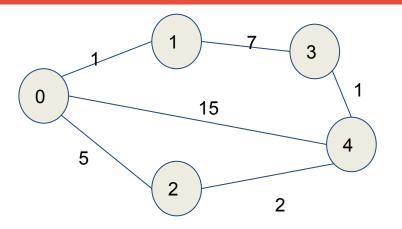
MIN(
$$\{0,3\}$$
, $\{0,1\}+\{1,3\}$)
MIN(INF, 1+7) = 8

0	1	5	INF (8)	15 (7)
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF (8)	7	INF	0	1
15 (7)	INF	2	1	0



MIN(
$$\{0,4\}$$
,
 $\{0,3\}+\{3,4\}$)
MIN($\{0,4\}$,
 $\{0,3\}+\{3,4\}$)

0	1	5	INF (8)	15 (7)
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF (8)	7	INF	0	1
15 (7)	INF	2	1	0



MUCHAS ITERACIONES DESPUÉS...

0	1	5	8	7
1	0	6	7	8
5	6	0	3	2
8	7	3	0	1
7	8	2	1	0

- Heaps
 - Estructura de datos en forma de "árbol binario"
 - Balanceado de tal manera que para cualquier nodo v, parent(v) > v y children(v) < v

Heaps

- Útil si necesitamos llevar cuenta de forma muy rápida sobre el mínimo o el máximo de una estructura
- Inserción y borrado en O(LgN)
- Búsqueda de min-max en O(1) (ver la raíz del árbol)

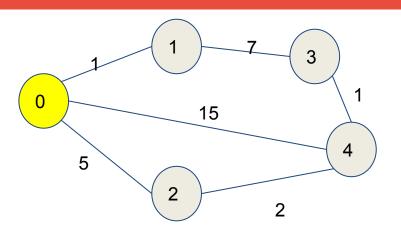
- Algoritmo de Dijkstra
- Dado un nodo inicio y un nodo fin, computa en O(VLg(E)) la distancia más corta entre esos puntos
- Algoritmo voraz
- No computa la distancia de todos los pares de nodo
- Computa la distancia de i hacia todos

- Algoritmo de Dijkstra
- Guarda en un array de distancias todas las distancias desde i hacia el resto
- La implementación es muy parecida a un BFS
- Es casi igual al algoritmo de Prim

Algoritmo de Dijkstra

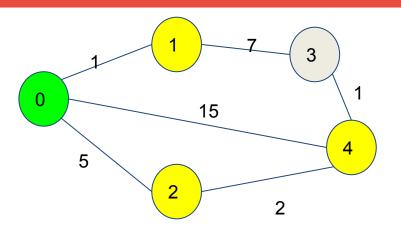
```
function dijkstra(start, end)
  array dist(start) = 0
 pq.encolar({start, 0})
 mientras !pq.vacio()
    n = pq.desencolar()
    si array dist[n.node] >= n.dist
      para cada arista D en n.node
       peso = n.dist + D.weight
        si array dist[D.to] > peso
          pq.encolar({ D.to, peso })
          array dist[D.to] = peso
  retornar array dist[end]
```

- Algoritmo de Dijkstra
- Encolamos el primer nodo con distancia 0
- Tenemos una cola de prioridad ordenando de menor a mayor según la sumatoria del peso de los nodos
- Si la distancia hasta ese nodo es menor o igual, descartamos, si no, encolamos
- Retornamos al final la distancia hasta end ó, si en algún momento de la cola nos topamos con end podemos retornar directamente (es un voraz, no conseguiremos nada mejor)



$$PQ = \{ \{0, 0\} \}$$

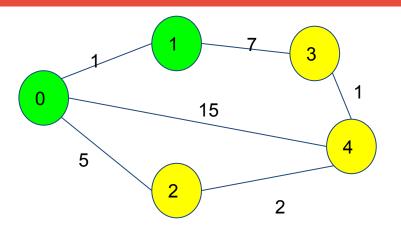
0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



$$PQ = \{ \{1, 1\}, \{2, 5\}, \{4, 15\} \}$$

Dist =
$$\{0, 1, 5, INF, 15\}$$

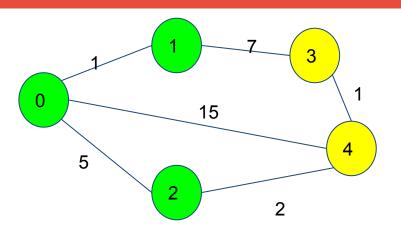
0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



$$PQ = \{ \{2, 5\}, \{3, 8\}, \{4, 15\} \}$$

Dist =
$$\{0, 1, 5, 8, 15\}$$

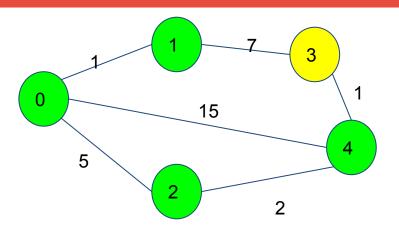
0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



$$PQ = \{ \{4, 7\}, \{3, 8\}, \{4, 15\} \}$$

Dist =
$$\{0, 1, 5, 8, 7\}$$

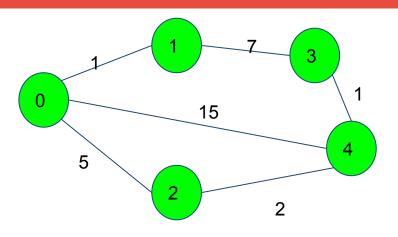
0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



$$PQ = \{ \{3, 8\}, \{4, 15\} \}$$

Dist =
$$\{0, 1, 5, 8, 7\}$$

0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



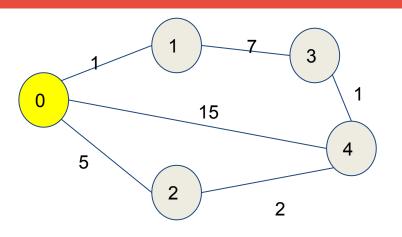
$$PQ = \{ \{4, 15\} \}$$

Dist =
$$\{0, 1, 5, 8, 7\}$$

0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0

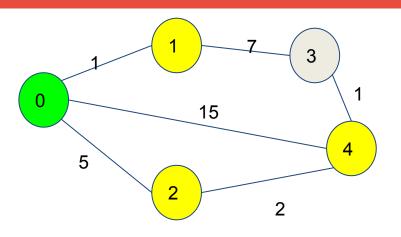
- Árbol de recubrimiento mínimo
- Dado un grafo cualquiera (conexo), encontrar un árbol dentro del grafo tal que la suma de sus aristas sea mínima.
 - Algoritmo de Prim (usando heaps)
 - Algoritmo de Kruskal (usando Union-Find)

- Algoritmo de Prim para árboles de recubrimiento
- Llevar cuenta de distancias y de visitados
- Si se llega al nodo v con menor distancia, encolar
- Asumimos (por el heap) que al ir del nodo u a otro nodo
 v, u es parte del árbol final de recubrimiento
- Una vez todos los nodos de 1 hasta N estén visitados, paramos y tendremos el árbol mínimo de recubrimiento completado



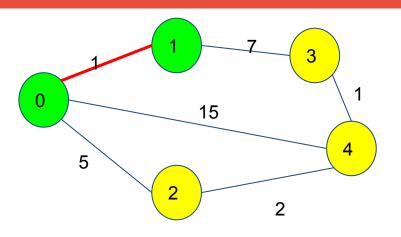
$$PQ = \{ \{0, 0\} \}$$

0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



$$PQ = \{ \{1, 1\}, \{2, 5\}, \{4, 15\} \}$$

0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0

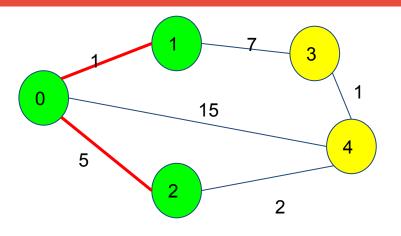


$$PQ = \{ \{2, 5\}, \{3, 7\}, \{4, 15\} \}$$

Dist =
$$\{0, 1, 5, 7, 15\}$$

Visit = $\{1, 1, 0, 0, 0\}$

0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0

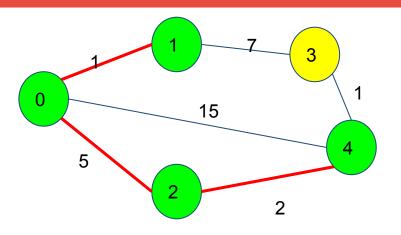


$$PQ = \{ \{4, 2\}, \{3, 7\}, \{4, 15\} \}$$

Dist =
$$\{0, 1, 5, 7, 7\}$$

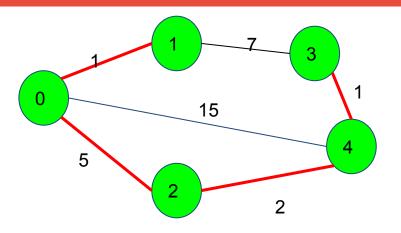
Visit = $\{1, 1, 1, 0, 0\}$

0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



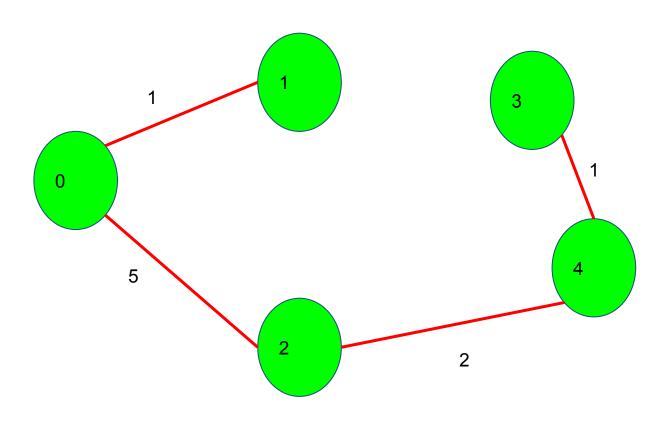
$$PQ = \{ \{3, 1\}, \{3, 7\}, \{4, 15\} \}$$

0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



$$PQ = \{ \{3, 7\}, \{4, 15\} \}$$

0	1	5	INF	15
1	0	INF	7	INF
5	INF	0	INF	2
INF	7	INF	0	1
15	INF	2	1	0



- Estructura Union-Find
- Conjuntos disjuntos (partimos de que todos los conjuntos posibles están separados)
- Todos los conjuntos son árboles
- Unimos dos árboles para hacer uno más
- Si dos nodos tienen la misma raíz, se considera que están juntos
- Operaciones básicas:
 - Buscar
 - Unir

```
UF_init(n):
   parents[n]
   tree_size[n]
   for i=1 to n
     parents[i] = i // no tiene padre
     tree_size[i] = 1 // es un solo nodo
```

```
UF_find(u):
    while(u != parents[u]):
        u = parents[u]
    return u
```

```
UF_connect(u, v):
   root_u = UF_find(u)
   root_v = UF_find(v)
   if root_u == root_v:
      return ALREADY_CONNECTED
   UF_join(root_u, root_v)
```

```
UF_join(u, v):
   parents[u] = v
   tree_size[u] += tree_size[v]

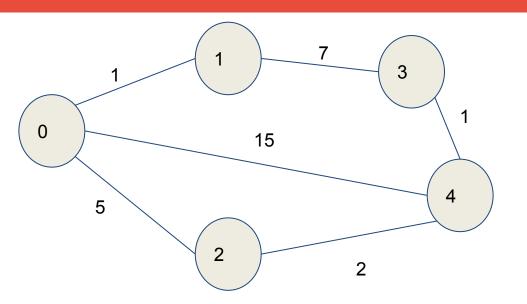
¿Es esto correcto?
¿Qué pasa en el peor de los casos?
```

- En el peor de los casos se forma un árbol degradado, buscar un nodo tendría complejidad O(N)!
- Tenemos que buscar otras formas de colocar quien es padre de quien!



```
UF_join(u, v):
   if tree_size[u] < tree_size[v]:
     parents[u] = v
     tree_size[v] += tree_size[u]
   else:
     parents[v] = u
     tree_size[u] += tree_size[v]</pre>
```

- Algoritmo de Kruskal
- Partimos de la base perfecta para usar el Union-Find.
 Todos los nodos están aislados
- Ordenamos una lista de aristas de menor a mayor peso tal que Wi < Wj para todo j > i
- Vamos conectando todos los nodos y llevamos cuenta de que nodos se han conectado, si dos nodos se conectan, se produce una arista en el árbol de recubrimiento



```
parents = { 0, 1, 2, 3, 4}
tree_size = { 1, 1, 1, 1, 1}
MST = 0
```

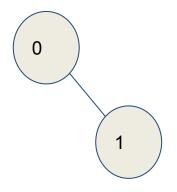








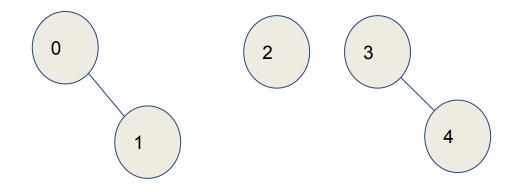
```
parents = { 0, 0, 2, 3, 4}
tree_size = { 2, 1, 1, 1, 1}
MST = 0 + 1
```



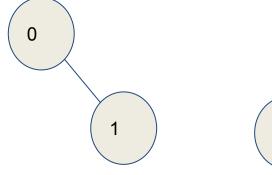


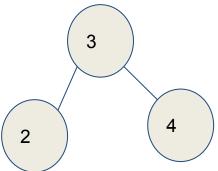


```
parents = { 0, 0, 2, 3, 3}
tree_size = { 2, 1, 1, 2, 1}
MST = 1 + 1
```

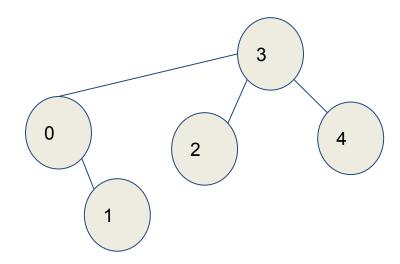


```
parents = { 0, 0, 3, 3, 3}
tree_size = { 2, 1, 1, 3, 1}
MST = 2 + 2
```



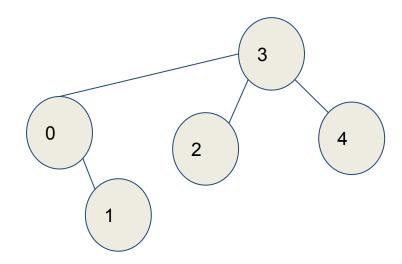


```
parents = { 3, 0, 3, 3, 3}
tree_size = { 2, 1, 1, 5, 1}
MST = 4 + 5
```



```
[{0, 1, 1},
{3, 4, 1},
{2, 4, 2},
{0, 2, 5},
{1, 3, 7},
{0, 4, 15}]
```

```
parents = { 3, 0, 3, 3, 3}
tree_size = { 2, 1, 1, 5, 1}
MST = 9
```



```
[{0, 1, 1},
{3, 4, 1},
{2, 4, 2},
{0, 2, 5},
{1, 3, 7},
{0, 4, 15}]
```

Ejemplo de grafos

Acepta el reto - De aventuras por el amazonas Problema: 281

Bloque siguiente...

- Bloque siguiente:
 - Programación Dinámica
 - Estructura
 - Memoization
 - Tipos de programación dinámica
 - Problemas ejemplo

¡Hasta la próxima semana!

Ante cualquier duda sobre el curso o sobre los problemas podéis escribirnos (preferiblemente copia a los cinco)

```
David Morán (david.moran@urjc.es)
Juan Quintana (juandavid.quintana@urjc.es)
Sergio Pérez (sergio.perez.pelo@urjc.es)
Jesús Sánchez-Oro (jesus.sanchezoro@urjc.es)
Isaac Lozano (isaac.lozano@urjc.es)
Raúl Martín (raul.martin@urjc.es)
```