

.....ATCAAATACACTTACAGCACATTTCAGGATTTGGTACCGGGTCCGACTCCACAAAACTTCTACGGGAAAAATAATTTTCATCAAGAAAAAAATCAACCAAATTTGTTGTTCTTATCAAAGAT	57
ATGCAATACACTTACCAGCACATTTCAGGATTTGGTACCGGGTCCGACTCCACAAAACTTCTACGGGAAAAATAATTTTCATCAAGAAAAAAATCAACCAAATTTGTTGTTCTTATCAAAGAT	0
ATGCAATACACTTACCAGCACATTTCAGGATTTGGTACCGGGTCCGACTCCACAAAACTTCTACGGGAAAAATAATTTTCATCAAGAAAAAAATCAACCAAATTTGTTGTTCTTATCAAAGAT	120
*****	120
TTCTACGGGAAAATAATTTTCATCAAGAAAAAAATCAACCAAATTTGTTGTTCTTATCAAAGAT	177
.....	0
GAAACGCAATCTATCTATTTACGAGTAATACCAAAAGAAGACCAGGAGCTTGAATTTTCAGCTACGCCAAGTGGTACGAGTTCATCGGTGCAAAAATTCAGTCAATTCTCAATTCAAAAAGAA	240
GAAACGCAATCTATCTATTTACGAGTAATACCAAAAGAAGACCAGGAGCTTGAATTTTCAGCTACGCCAAGTGGTACGAGTTCATCGGTGCAAAAATTCAGTCAATTCTCAATTCAAAAAGAA	240

GGAATTGCTCAAAATCGGATTATTTGGTTGTCATCTTATAGCTTGGTCTCAATCCGGAAAAAGTGGATAATCCTGTTATTATCAGCTCAAGATCATGGACTAAAAAGCGATGAAGACAGTGAA	297
GGAATTGCTCAAAATCGGATTATTTGGTTGTCATCTTATAGCTTGGTCTCAATCCGGAAAAAGTGGATAATCCTGTTATTATCAGCTCAAGATCATGGACTAAAAAGCGATGAAGACAGTGAA	0
GGAATTGCTCAAAATCGGATTATTTGGTTGTCATCTTATAGCTTGGTCTCAATCCGGAAAAAGTGGATAATCCTGTTATTATCAGCTCAAGATCATGGACTAAAAAGCGATGAAGACAGTGAA	360
*****	360
AGGCTCCAGACGCTCCGCAAACTAGGAAAAATCAAGAAGAAAGTCAGGTTCGAAAAACATCAGTTGATACTATGGCAAAACAAATTAATTGAGCGCCGAGAAGCGATGTTTGCTGATACATTT	417
.....	0
AGGCTCCAGACGCTCCGCAAACTAGGAAAAATCAAGAAGAAAGTCAGGTTCGAAAAACATCAGTTGATACTATGGCAAAACAAATTAATTGAGCGCCGAGAAGCGATGTTTGCTGATACATTT	480
AGGCTCCAGACGCTCCGCAAACTAGGAAAAATCAAGAAGAAAGTCAGGTTCGAAAAACATCAGTTGATACTATGGCAAAACAAATTAATTGAGCGCCGAGAAGCGATGTTTGCTGATACATTT	480

ATCAAGAGCCTTTTCAACAAAAATTGCACTTTCAAGAAAGGAACATCTTTCAAGAAATGCTCGAGAATTGTTCTATCACCGGCCTGGAGACATTGTTGAAACTCAAAATTTACTAGAAATT	537
.....	0
ATCAAGAGCCTTTTCAACAAAAATTGCACTTTCAAGAAAGGAACATCTTTCAAGAAATGCTCGAGAATTGTTCTATCACCGGCCTGGAGACATTGTTGAAACTCAAAATTTACTAGAAATT	600
ATCAAGAGCCTTTTCAACAAAAATTGCACTTTCAAGAAAGGAACATCTTTCAAGAAATGCTCGAGAATTGTTCTATCACCGGCCTGGAGACATTGTTGAAACTCAAAATTTACTAGAAATT	600

GATGATTCTTGGTTCAACGATGAGAATTCGGAACAATTTGTGCAATATGTATTGAACTGTACAACCTTGTCATGTGCAATACAATCACGTTGAGTATGCACAAAAACAATATCCCAACAAAT	657
.....	0
GATGATTCTTGGTTCAACGATGAGAATTCGGAACAATTTGTGCAATATGTATTGAACTGTACAACCTTGTCATGTGCAATACAATCACGTTGAGTATGCACAAAAACAATATCCCAACAAAT	720
GATGATTCTTGGTTCAACGATGAGAATTCGGAACAATTTGTGCAATATGTATTGAACTGTACAACCTTGTCATGTGCAATACAATCACGTTGAGTATGCACAAAAACAATATCCCAACAAAT	720

TGTCGGTTCTGTCAAGAAGCAATGGAAAGTTTCCACGCTGCATTTTCGGATTTCGTATTTCTATTGAACTTATGGAGTATTTCTTACAATCCCTTTGGAATTGATTAAAAACGGAGCTGGAC	777
.....	99
ATGGAAAGTTTCCACGCTGCATTTTCGGATTTCGTATTTCTATTGAACTTATGGAGTATTTCTTACAATCCCTTTGGAATTGATTAAAAACGGAGCTGGAC	840
TGTCGGTTCTGTCAAGAAGCAATGGAAAGTTTCCACGCTGCATTTTCGGATTTCGTATTTCTATTGAACTTATGGAGTATTTCTTACAATCCCTTTGGAATTGATTAAAAACGGAGCTGGAC	840
TGTCGGTTCTGTCAAGAAGCAATGGAAAGTTTCCACGCTGCATTTTCGGATTTCGTATTTCTATTGAACTTATGGAGTATTTCTTACAATCCCTTTGGAATTGATTAAAAACGGAGCTGGAC	

ATTTGTGAAGATTGGGATTCTGAAAGCAATATCGTAGAAGAGGAAGAGAAAAGTTACTAGATTCAAAAAAAATATTCAGGAAAAAGGTTTCGCGATGCGTCAATTGTGCATATAAAAGGTATT	897
ATTTGTGAAGATTGGGATTCTGAAAGCAATATCGTAGAAGAGGAAGAGAAAAGTTACTAGATTCAAAAAAAATATTCAGGAAAAAGGTTTCGCGATGCGTCAATTGTGCATATAAAAGGTATT	219
ATTTGTGAAGATTGGGATTCTGAAAGCAATATCGTAGAAGAGGAAGAGAAAAGTTACTAGATTCAAAAAAAATATTCAGGAAAAAGGTTTCGCGATGCGTCAATTGTGCATATAAAAGGTATT	960
ATTTGTGAAGATTGGGATTCTGAAAGCAATATCGTAGAAGAGGAAGAGAAAAGTTACTAGATTCAAAAAAAATATTCAGGAAAAAGGTTTCGCGATGCGTCAATTGTGCATATAAAAGG	959
ATTTGTGAAGATTGGGATTCTGAAAGCAATATCGTAGAAGAGGAAGAGAAAAGTTACTAGATTCAAAAAAAATATTCAGGAAAAAGGTTTCGCGATGCGTCAATTGTGCATATAAAAGG	

TCTTCGCTTCTACTAATAATCATGTTAAATATAAAATTC AATTTCACTTGTGAATAATATTACTGAGAATAAAACGGATTTTATTGCAAAAAGTCTAATGTTCCGCTCTAGTTTACAATTAAAA	1017
TCTTCGCTTCTACTAATAATCATGTTAAATATAAAATTC AATTTCACTTGTGAATAATATTACTGAGAATAAAACGGATTTTATTGCAAAAAGTCTAATGTTCCGCTCTAGTTTACAATTAAAA	339
TCTTCGCTTCTACTAATAATCATGTTAAATATAAAATTC AATTTCACTTGTGAATAATATTACTGAGAATAAAACGGATTTTATTGCAAAAAGTCTAATGTTCCGCTCTAGTTTACAATTAAAA	1080
GGTTAGTGTTC CGTTT CAC . TTGAATTGAAGTCAATTTGATATT CATCTCTCGGAAGTTGTTTCTAC AATAATTAATATTTGA	1038

ATCCTAATCACTCCATTTCGTCATCGTCGTCGTCAGATTCTTCGGAATCACTTGGATTTATTCCGGATCTTCTTGCATCGAGGAAGTTCTGAATCTGATCGACAATTGTTCCAGACGTCGT	1137
ATCCTAATCACTCCATTTCGTCATCGTCGTCGTCAGATTCTTCGGAATCACTTGGATTTATTCCGGATCTTCTTGCATCGAGGAAGTTCTGAATCTGATCGACAATTGTTCCAGACGTCGT	459
ATCCTAATCACTCCATTTCGTCATCGTCGTCGTCAGATTCTTCGGAATCACTTGGATTTATTCCGGATCTTCTTGCATCGAGGAAGTTCTGAATCTGATCGACAATTGTTCCAGACGTCGT	1200
*****	1038

TGA	1140
TGA	462
TGA	1203
...	1038

☐ non conserved
☒ $\geq 50\%$ conserved