

## 机器学习之无监督学习

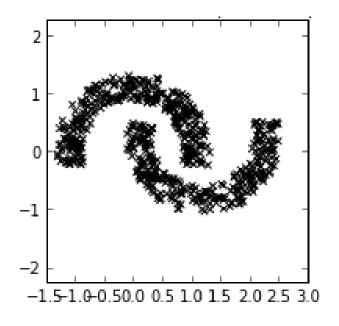
# 聚类算法-Spectral

倪冰冰 上海交通大学



#### K-Means & GMM

- K-means和GMM算法的缺陷
  - 1. 当数据属于非凸条件时效果较差 (Spectral Clustering)

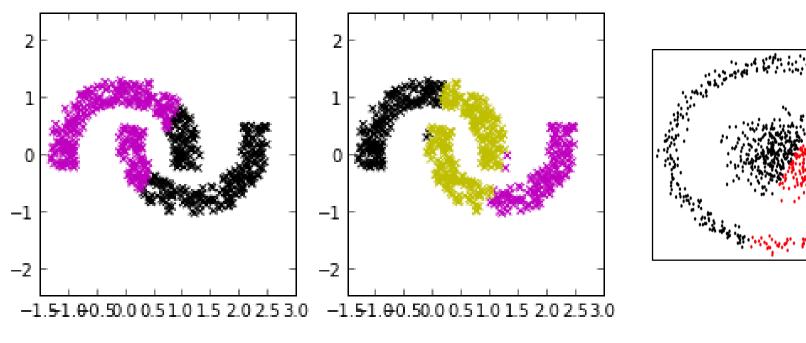


非凸数据分布



#### K-Means & GMM

- K-means和GMM算法的缺陷
  - 1. 当数据属于非凸条件时效果较差 (Spectral Clustering)



K-means 结果

GMM 结果



- 谱聚类=给每个图节点打标签
  - Data Grouping

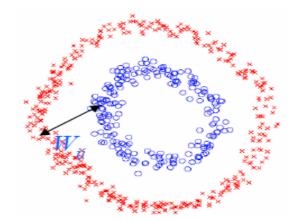
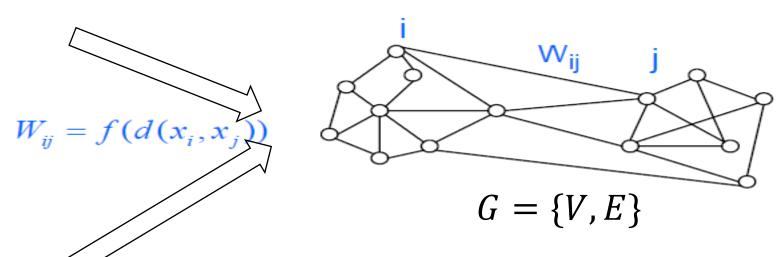


Image sigmentation



#### Clustering = labeling each node!

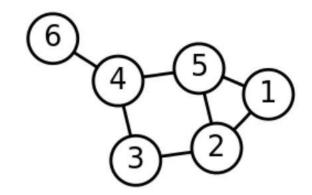


- 每个节点 V 代表一个数据样本 (例如pixel)
- 每条边  $W_{ij}$  代表两个样本间近似程度

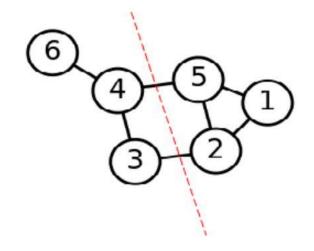


• 谱聚类的基本流程:

1.构图。将采样点数据构造程一 张网图,表示为G(V,E),其中V表示 图中的点,E表示点与点之间的边。



2.切图。将第一步构造出来的网图按照一定的准则,切分成不同的子图,这些子图就是我们得到的聚类结果





- 谱聚类构图。
- 1.首先我们引入相似度函数 (similarity function) ,这一函数的目的是用于计算两个样本点之间的举例,一般采用欧式距离或者高斯距离:

欧式距离: 
$$s_{i,j} = \|x_i - x_j\|^2$$

高斯距离: 
$$w_{ij}=e^{rac{-\left\|x_i-x_j
ight\|^2}{2\sigma^2}}$$

n个数据样本W: n×n矩阵

据此我们可以构筑相似矩阵: 
$$W = [w]_{ij}$$



- 谱聚类构图。
- 2.得到相似矩阵S后一般有三种方法构图方法,或者说构建邻接矩阵W的方法:
  - (1)  $\varepsilon$ -neighborhood:

$$W_{i,j} = \left\{egin{array}{ll} 0, & if & s_{i,j} > arepsilon \ arepsilon, & if & s_{i,j} \leq arepsilon \end{array}
ight.$$

(2) fully connected:

$$W_{i,j} = S_{i,j} = [s]_{i,j}$$



- 谱聚类构图。
- 2.得到相似矩阵S后一般有三种方法构图方法,或者说构建邻接矩阵W的方法:
  - (3) k-nearest neighborhood, 又分为两种:

$$W_{i,j} = W_{j,i} = \left\{egin{array}{ll} 0, & if & x_i 
otin KNN(X_j) & or & x_j 
otin KNN(X_i) \ e^{-\left\|x_i-x_j
ight\|^2} \ e^{-\left\|x_i-x_j
ight\|^2} \end{array}, & if & x_i 
otin KNN(X_j) & and & x_j 
otin KNN(X_i) \end{array}
ight.$$

$$W_{i,j} = W_{j,i} = \left\{egin{array}{ll} 0, & if & x_i 
otin KNN(X_j) & and & x_j 
otin KNN(X_i) \ e^{-\left\|x_i-x_j
ight\|^2} \ e^{-\left\|x_i-x_j
ight\|^2} \end{array}, & if & x_i 
otin KNN(X_j) & or & x_j 
otin KNN(X_i) \end{array}
ight.$$



#### ● 重要定义

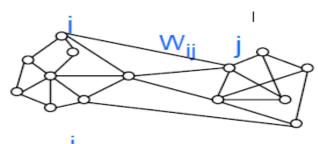
边 (ij): sample pairs with  $W_{ij} > 0$ 

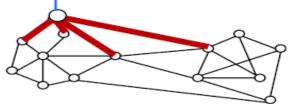
Similarity matrix:  $W = [W_{ij}]$ 

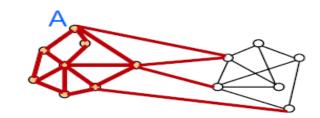
Degree of the node i:  $d_i = \Sigma_{j \in V} W_{ij}$ ,目的是测量某个节点的联通程度

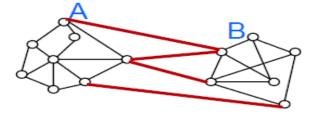
Degree of the subgraph A:  $A_i = \sum_{i \in A} d_i$ ,目的是测量某个子图的联通程度

图割Cut of a graph: $Cut(A, B) = \sum_{i \in A} \sum_{j \in B} W_{ij}$ ,目的是测量两个子图间的联通程度





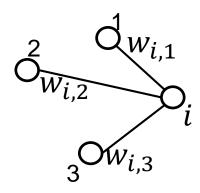






- 谱聚类构图。
  - 3.计算阶矩 (degree matrix) D:

$$D_{i,j} = \left\{egin{array}{ll} 0, & if & i 
eq j \ \sum_j w_{i,j}, & if & i = j \end{array}
ight.$$



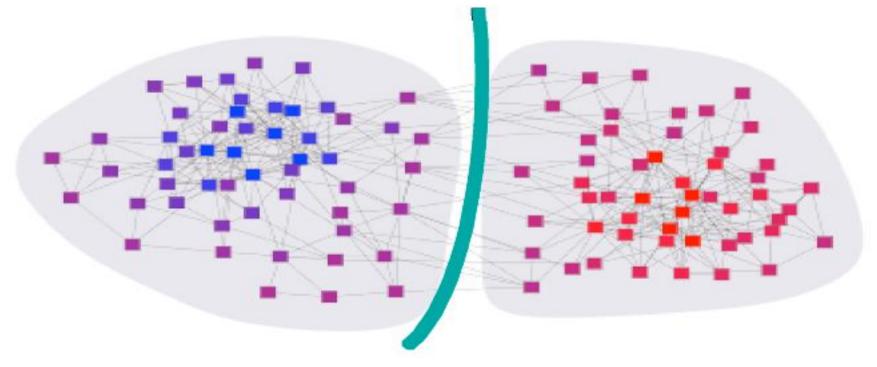
#### 4.计算拉普拉斯矩阵:

$$L\colon L=D-W$$

$$\begin{pmatrix} d_{1,1} \\ d_{2,2} \\ d_{3,3} \\ \ddots \\ d_{n,n} \end{pmatrix}$$



● Graph partition = clustering 聚类=图割?



Is clustering equivalent to minimize Cut(A,B)?等价于最小化图割?

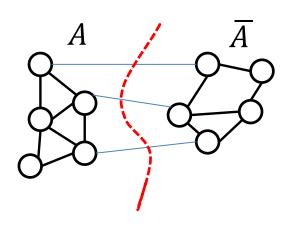


• 谱聚类图割

首先补充背景知识,假设V为所有样本点的集合, $\{A_1, A_2 \cdots A_k\}$ 表示V的子集集合,其中 $A_1 \cup A_2 \cup \cdots \cup A_k = V$ 且 $A_1 \cap A_2 \cap \cdots \cap A_k = \emptyset$ 则子集与子集之间连边的权重和为:

$$cut(A_1,A_2,\cdots,A_k)=rac{1}{2}\sum_i^k W(A_i,ar{A_i})$$

其中 $\overline{A}_i$ 为 $A_i$ 的补集, $W(A_i, \overline{A}_i)$ 为 $A_i$ 与其他子集的连边的和

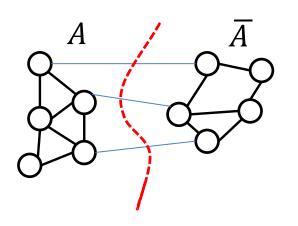


$$W(A_i,ar{A}_i) = \sum_{m \in A_i, n \in ar{A}_i} w_{m,n}$$

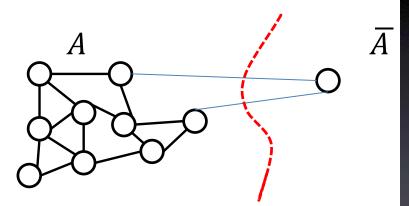


 道聚类切图 我们切图的目的是使得每个子图内的结构相似,我们可以 理解为连边的权重平均都比较大,且相互连接,而每个子图 间则尽量没有边相连,或者连边的权重很低,我们的目的可 以做如下表述:

 $min \quad cut(A_1,A_2,\cdots,A_k)$ 



Good or not?



#### Problem with min cuts

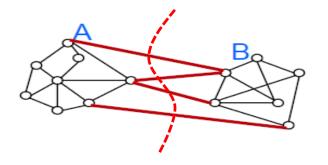


Min. cuts favors isolated clusters

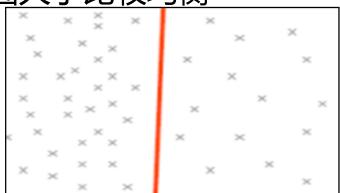


● 解决方案: 归一化的图割

$$Ncut(A, B) = \frac{cut(A, B)}{d_A} + \frac{cut(A, B)}{d_B}$$



- 使得被分割后的子图大小比较均衡



但是要找到这样的分割是NP-hard的问题!



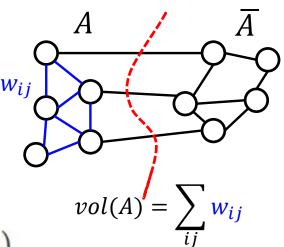
#### 需要归一化的图割!

定义Volume:  $vol(A) = \sum_{ij} w_{ij}$ , where  $i \in A$  and  $j \in A$ 

由此得出归一化图割: 
$$Ncut(A_1,A_2,\cdots,A_k)=rac{1}{2}\sum_i^krac{W(A_i,ar{A_i})}{vol(A_i)}$$

$$Ratiocut(A_1,A_2,\cdots,A_k) = rac{1}{2} \sum_i^k rac{W(A_i,ar{A_i})}{|A_i|}$$

 $|A_i|$ 为 $A_i$ 中点的个数, $vol(A_i)$ 为 $A_i$ 中所有边的权重和





 $A \cup B = V$ 

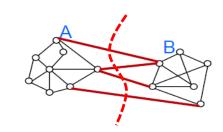
 $A \cap B = \Phi$ 

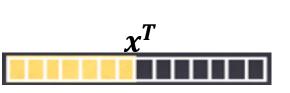
定义 N-by-1 indicator vector x,  $x_i = 1$  表示第i个节点属于子图A,

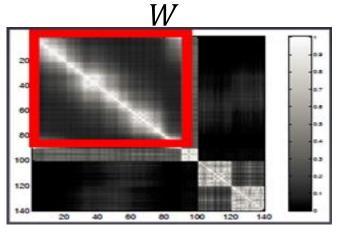
 $x_i = 0$  表示第i个节点不属于子图A, 即属于A的补图V - A = B

$$x = \begin{bmatrix} 1 \\ 1 \\ 0 \\ 0 \\ 1 \end{bmatrix}$$

$$Cut(A, V - A) = \sum_{i \in A} \sum_{j \in V - A} W_{ij} = \sum_{i \in A} d_i - \sum_{i \in A} \sum_{j \in A} W_{ij}$$
$$\boldsymbol{x}^T D \boldsymbol{x} \qquad \boldsymbol{x}^T W \boldsymbol{x}$$











● 新的目标函数

$$\min_{x} x^{T} (D - W) x \qquad s.t. x^{T} D x \ge \epsilon$$

$$\Longrightarrow (D - W) x = \lambda D x$$

将x所能取值的范围松弛,从 {0,1}扩大至实数

Rayleigh quotient theorem

- 有意思的是 (D W)1 = 0, 第一个特征向量是1, 对应的特征值为0
- 用其他特征向量来表示数据!



• 谱聚类切图

我们以Ncut为例,此处我们略过详细的推导过程,之后按照如下步骤:

(1) 对拉普拉斯矩阵进行标准化操作:

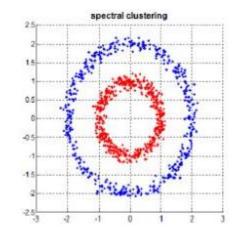
$$D^{-1/2}LD^{-1/2}$$

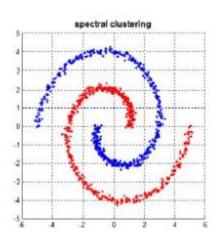
- (2) 计算标准化操作后拉普拉斯矩阵最小的 $k_1$ 个特征值对应的特征向量F
- (3) 将各自对应的特征向量F组成的矩阵按行标准化,最终组成 $n \times k_1$ 的特征矩阵P。
- (4) 对P中的每一行作为一个 $k_1$ 维的样本,用聚类方法进行聚类,聚类维数为 $k_2$ 。
  - (5) 最终得到分类结果。



- 优势:
  - 1.对数据有很好的表征
  - 2.可以对非凸性的聚类做出很好的解决方法

缺点拓展性不好







Spectral Clustering scikit-learn的python实现

#### 【对scikit-learn中Spectral Clustering概述】

在scikit-learn的类库中, sklearn.cluster.SpectralClustering实现了基于Ncut的谱聚类,没有实现基于RatioCut的切图聚类。

对于相似矩阵的建立,也只是实现了基于K邻近法和全连接法的方式,没有基于ε-邻近法的相似矩阵。

#### 参数分析:

- > n\_cluster: 聚类分组数目
- > Affinity: 相似矩阵的建立方式
- ➤ 核函数参数 gamma, degree, coef0, kernel\_params
- ➤ eigen\_solver: 在降维计算特征值特征向量的时候, 使用的工具
- ➤ assign\_labels: 即最后的聚类方法的选择,有K-Means算法和 discretize算法两种算法可以选择



Spectral Clustering scikit-learn的python实现

#### 【SpectralClustering聚类】

选择最常用的高斯核来建立相似矩阵,用K-Means来做最后的聚类。

```
%%生成500个个6维的数据集,分为5个簇。
import numpy as np
from sklearn import datasets
X, y = datasets.make_blobs(n_samples=500, n_features=6, centers=5, cluster_std=[0.4, 0.3, 0.4, 0.3, 0.4], random_state=11)
%%默认谱聚类效果
from sklearn.cluster import SpectralClustering
y_pred = SpectralClustering().fit_predict(X)
from sklearn import metrics
print "Calinski-Harabasz Score",
```

metrics.calinski\_harabaz\_score(X, y\_pred)

Calinski-Harabasz Score 14908.9325026



#### Spectral Clustering scikit-learn的python实现

#### 【SpectralClustering聚类】

由于我们使用的是高斯核,那么我们一般需要对n\_clusters和gamma进行调参。

最好的n\_clusters是5,而最好的高斯核参数是1或者0.1.

```
Calinski-Harabasz Score with gamma= 0.01 n_clusters= 3 score: 1979.77096092
Calinski-Harabasz Score with gamma = 0.01 n_clusters = 4 score: 3154.01841219
Calinski-Harabasz Score with gamma = 0.01 n clusters = 5 score: 23410.63895
Calinski-Harabasz Score with gamma = 0.01 n clusters = 6 score: 19303.7340877
Calinski-Harabasz Score with gamma = 0.1 n clusters = 3 score: 1979.77096092
Calinski-Harabasz Score with gamma = 0.1 n clusters = 4 score: 3154.01841219
Calinski-Harabasz Score with gamma = 0.1 n_clusters = 5 score: 23410.63895
Calinski-Harabasz Score with gamma = 0.1 n_clusters = 6 score: 19427.9618944
Calinski-Harabasz Score with gamma = 1 n_clusters = 3 score: 687.787319232
Calinski-Harabasz Score with gamma = 1 n clusters = 4 score: 196.926294549
Calinski-Harabasz Score with gamma= 1 n_clusters= 5 score: 23410.63895
Calinski-Harabasz Score with gamma= 1 n_clusters= 6 score: 19384.9657724
Calinski-Harabasz Score with gamma= 10 n_clusters= 3 score: 43.8197355672
Calinski-Harabasz Score with gamma = 10 n_clusters = 4 score: 35.2149370067
Calinski-Harabasz Score with gamma = 10 n_clusters = 5 score: 29.1784898767
Calinski-Harabasz Score with gamma = 10 n_clusters = 6 score: 47.3799111856
```



Spectral Clustering scikit-learn的python实现

#### 【SpectralClustering聚类】

选择最常用的高斯核来建立相似矩阵,用K-Means来做最后的聚类。

```
y_pred = SpectralClustering(gamma=0.1).fit_predict(X)
print "Calinski-Harabasz Score",
metrics.calinski_harabaz_score(X, y_pred)
```

Calinski-Harabasz Score 14950.4939717

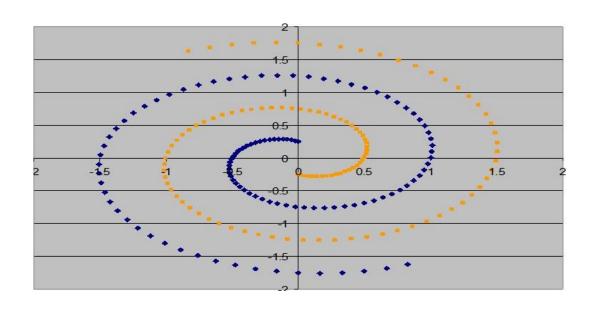
n\_clusters一般还是调参选择比较好。

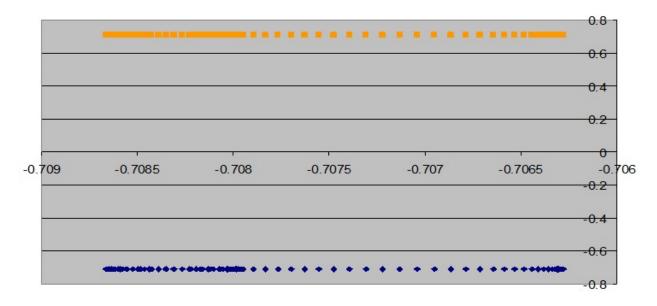


Spectral Clustering scikit-learn的python实现

【Spectral Clistering特点】

谱聚类能够识别任意形状的样本空间且收敛于全局最优解







## AI300学院

