Spis treści

1.	Wst 1.1	ep
	1.2	Układ pracy
2.	Wpi	rowadzenie teoretyczne
3.	Met	odologia
	3.1	Założenia modelu
	3.2	Funkcje stanu
	3.3	Parametry modelu
	3.4	Model matematyczny
	3.5	Warunki początkowe modelu
	3.6	Dane
	3.7	Stabilność układu
		3.7.1 Twierdzenie
		3.7.2 Analiza stabilności
4.	Częś	ść konstrukcyjna/Specyfikacja wewnętrzna
	4.1	Interfejsy i klasy
	4.2	Przepływ danych w aplikacji
	4.3	Metody utworzonego programu
	4.4	Wykorzystane funkcje programu Matlab
5.	Inst	rukcja obsługi/Specyfikacja zewnętrzna
	5.1	Okno główne
		5.1.1 Wybór pacjenta
		5.1.2 Wybór parametrów symulacji
		5.1.3 Warunki początkowe
		5.1.4 Symulacja
	5.2	Okno symulacji
6.	Rezi	<u>ıltaty</u>
	6.1	Wstępne porównanie pacjentów
	6.2	Pacjent numer 20
		Posiont number 21

α .		•
Snic	s treści	11
OPID	010301	11

	6.5	Pacjent numer 55	26
7.		Sumowanie	
Bi	bliogr	afia	30

Spis rysunków

 11
 12
 12
 18
 19
 19
 20
 20
 20
 20
 22
 22 22
 22
 22 23
 22 23 23
 22 23 23 24
 22 23 23 24 24
22 23 23 24 24 25
22 23 23 24 24 25 26

Spis tabel

3.1	Parametry wybranych pacjentów.	•	•	•	•	•	•	•	•	•	•	•	•		•	•	•	•	•	•	7
4.1	Klasy i interfejsy aplikacji																				10

1. Wstęp

Choroba Gravesa jest najczęstszą, idiopatyczną formą nadczynności tarczycy. To choroba autoimmunologiczna, powodowana nadaktywnością przeciwciał przeciwtarczycowych (TRAb). Imitują one działanie hormonu TSH, stymulując receptory TSH (TSHR). Efektem jest nadprodukcja hormonów tarczycy: trójjodotyroniny (T3) i tyroksyny (T4) [5]. Prowadzi to bezpośrednio do nadczynności tarczycy.

Standardowe leczenie to terapia lekami przeciwtarczycowymi (antithyroid drugs - ATD). Jednym z nich jest metimazol. Chamuje działanie enzymu, odpowiadającego za syntezę hormonów tarczycy. Terapia skutkuje obniżeniem T3 i T4, jednak bardzo często występują reemisje.

Dotychczas stosowane terapie, są uniwersalne, pozbawione indywidualnego podejścia. W pracy przedstawiono program do symulacji terapii. Na podstawie danych z badań pacjenta, pozwala przewidzieć odpowiedź jego organizmu. Pozwala to skuteczniej zaplanować terapię i przewidzieć reemisje.

1.1 Cel pracy

- Cel bezpośredni dostosowanie dawki leku, dla konkretnego pacjenta, dla osiągnięcia równowagi układu hormonalnego tarczycy.
- Cel pośredni stworzenie oprogramowania, etc.

Niedokończone

1.2 Układ pracy

NIEDOKOŃCZONE

Czasem rozdział kończy się omówieniem zawartości pracy, tłumaczącym co czytelnik znajdzie w kolejnych jej rozdziałach. Każdy rozdział warto jest również poprzedzić krótkim wstępem.

2. Wprowadzenie teoretyczne

- Jak działa tarczyca i jej układ hormonalny. rysunek poprawnego działania pętli sprzężenia zwrotnego układu hormonalnego tarczycy
- Co to jest choroba Gravesa. Tutaj rysunek, jak TRAb emituje działanie TSH.
- Jakie są jej objawy. Te 3 podpunkty razem.
- U kogo występuje.
- Jakie jest na nią lekarstwo. Działanie, skutki uboczne.

Dobór odpowiedniej dawki leku jest możliwy, poprzez symulację organizmu pacjenta oraz jego odpowiedzi na terapię. Dąży się do stanu, w którym ilość hormonu T4 w formie wolnej, oznaczana jako fT4 [6], zmieni się do wartości określającej człowieka zdrowego.

W utworzonym programie wykorzystano model matematyczny, przedstawiony w pracy Balamurugan Pandiyan i Stephen J. Merrill. Wszelkie założenia i dane, pochodzą z ich pracy. [3]

3.1 Założenia modelu

- 1. TRAb imituje działanie TSH i stymuluje komórki tarczycowe do wzrostu, produkcji i wydzielania hormonów tarczycy.
- 2. Po zażyciu leku doustnie, metimazol (MMI) jest szybko i kompletnie absorbowany do surowicy krwi i jego przyswajalność, jest estymowana i wynosi średnio 93
- 3. Tarczyca przyjmuje MMI z krwi, co dezaktywuje funkcjonalny wzrost gruczołu.
- 4. Dawka leku zostaje pochłonięta z krwi po spożyciu.
- 5. Rozmiar gruczołu tarczycy jest ukrytym kompartmentem w modelu.
- 6. Po doustnym podaniu leku, stężenie metimazolu w surowicy krwi wykazuje podobny dynamiczny wzór, jak stężenie wewnątrz tarczycy.

3.2 Funkcje stanu

Rozważany model jest układem równań różniczkowych w którym:

- x(t) ilość metimazolu (mg) na litr surowicy krwi w chwili czasowej t.
- y(t) ilość FT4 (pg) na mililitr surowicy krwi w chwili czasowej t.
- z(t) rozmiar funkcjonalny gruczołu tarczycy (ml) lub objętość aktywnych komórek w chwili czasowej t.
- w(t) ilość przeciwciał TRAb (U) na mililitr krwii w chwili czasowej t.
- s(t) zawartość MMI przyjętego doustnie co dzień na litr objętości ciała.

3.3 Parametry modelu

Parametr	Opis	Wartość	Jednostka					
k_1	Względne maksimum wykorzystania MMI.	$8,374 \cdot 10^3$	$mg/(ml \cdot ldzień)$					
k_2	Wskaźnik eliminacji MMI.	3,3271	1/dzień					
ka Stała Michealisa-Mentena połowicz maksymalnego wykorzystania MMI		0,358068	mg/L					
k_3	Względne maksimum sekrecji FT4.	0,119	$pg/(ml^2 \cdot dzie\acute{n})$					
k_d	Stała Michealisa-Mentena połowicznej maksymalnej sekrecji FT4.	0,05	U/ml					
k_4	Wskaźnik eliminacji FT4.	0,099021	1/dzień					
k_5	Względny współczynnik wzrostu gruczołu tarczycy.	$1 \cdot 10^6$	$ml^3/(U\cdot dzie\acute{n})$					
N	Maksymalny współczynnik wzrostu tarczycy.	0,833	$U/(ml^2)$					
k_6	Współczynnik nieaktywnych komórek tarczycy.	0,001	$ml/(mg \cdot dzień)$					
k_7	Maksymalny współczynnik produkcji przeciwciał TRAb.	0,875	$U/(ml \cdot \text{dzie\'n})$					
k_b	Współczynnik hamowania produkcji przeciwciał.		mg/L					
k_8	Wskaźnik eliminacji TRAb.	0,035 1/dzień						

Wartość k_1 została zaczerpnięta z literatury (todo ref). Parametry k_2 , k_4 , k_8 są estymowane. k_a , k_d , k_5 , k_6 , k_b są symulowane. k_3 , N, k_7 - wyliczone.

Aby model maksymalnie pasował do pacjenta, niektóre wartości są estymowane. Polega to na porównaniu wyników terapii danego pacjenta z symulacją, obliczenie błędu średniokwadratowego i dostosowanie parametrów, w celu zmniejszenia błędu.

Parametry, które można obliczyć, są przekształconymi równaniami różniczkowymi modelu. Obliczenia dokonuje się głównie za pomocą wartości początkowych modelu.

Są to wyniki badań, podczas pierwszej wizyty pacjenta. Parametr k_3 obliczono jako:

$$k_3 = \frac{k_4 y_0 (k_d + w_0)}{z_0 w_0}$$
$$N = \frac{w_0}{z_0}$$

 $k_7 jakwyliczy?$

3.4 Model matematyczny

Wykorzystano model symulujący leczenie pacjenta, po przyjęciu metimazolu (MMI). 3.1

$$\begin{cases}
\frac{dx}{dt} = s(t) - \frac{(k_1 z)x}{k_a + x} - k_2 x, & x(t_0) = x_0 \\
\frac{dy}{dt} = \frac{(k_3 z)w}{k_d + w} - k_4 y, & y(t_0) = y_0 \\
\frac{dz}{dt} = k_5 (\frac{w}{z} - N) - k_6 z x, & z(t_0) = z_0 \\
\frac{dw}{dt} = k_7 - \frac{k_7 x}{k_b + x} - k_8 w, & w(t_0) = w_0
\end{cases}$$
(3.1)

Każde rozwiązanie modelu musi spełniać odpowiedni warunek $x(t) \ge 0, y(t) \ge 0, z(t) > 0, w(t) \ge 0$. Warunki początkowe są opisane przez $E_0 = (x_0, y_0, z_0, w_0)$. Szczegółowy opis układu znajduje się w dalszej części sekcji.

$$\frac{dx}{dt} = s(t) - \frac{(k_1 z)x}{k_a + x} - k_2 x \tag{3.2}$$

$$\frac{dy}{dt} = \frac{(k_3 z)w}{k_d + w} - k_4 y \tag{3.3}$$

$$\frac{dz}{dt} = k_5(\frac{w}{z} - N) - k_6 zx \tag{3.4}$$

$$\frac{dw}{dt} = k_7 - \frac{k_7 x}{k_b + x} - k_8 w \tag{3.5}$$

Równanie 3.2 zawiera dawkę, przyjmowaną przez pacjenta s(t), pomniejszoną o 2 składniki. Pierwszy to $\frac{(k_1z)x}{k_a+x}$. Zawiera wchłanianie metimazolu (MMI) przez gruczoł tarczycy, według jego rozmiaru (z), zakładając jego maksymalny wychwyt (k_1) . Jest ono podzielone, według równania kinetycznego Michaela-Mentena, przez stałą (k_a) . Drugim składnikiem jest k_2x , który odzwierciedla wydalanie lub wskaźnik eliminacji leku, przez mechanizm niespecyficzny.

Pierwsze wyrażenie w następnym równaniu 3.3 $\frac{(k_3z)w}{k_d+w}$, opisuje znany z poprzedniego 3.2 ?równania?(powtórzenie) mechanizm Michaela-Mentena, wykorzystany do obliczenia wskaźnika wydzielania tyroksyny w formie wolnej (fT4). Jest on pomniejszony, o wskaźnik eliminacji fT4 z krwi k_4y .

Trzecie równanie 3.4 opisuje współczynnik powiększenia funkcjonalnego rozmiaru gruczołu tarczycy, bazując na maksymalnym współczynniku wzrostu (N) i względnym współczynniku wzrostu (k_5) , w obecności przeciwciał przeciwtarczycowych (w) [4] $k_5(\frac{w}{z}-N)$. Pomniejszone o współczynnik funckjonalnego rozmiaru tarczycy dla komórek nieaktywowanych przez leczenie MMI.

W równaniu 3.5, parametr k_7 przedstawiający maksymalną produkcję przeciwciał TRAb, spowodowaną odpowiedzią autoimmunologiczną. Środkowe wyrażenie $\frac{k_7x}{k_b+x}$, przedstawia mechanizm hamowania odpowiedzi immunologicznej, spowodowany podaniem metimazolu. Ostatnie wyrażenie k_8w , odnosi się do opóźnienia, jakie dotyczy eliminacji TRAb spowodowanego leczeniem.

Comments: [Czy mogę powiedzieć "pomniejszoną", skoro wiem, że wszystkie składowe są nieujemne?]

[Zdanie całkowicie przetłumaczone 3.2 - 'The last term, k_2x , represents the excretion or elimination rate of the drug through non-specific mechanism.' - Czy to jest plagiat, skoro wszędzie będą odnośniki do tego artykułu?]

3.5 Warunki początkowe modelu

Model składa się z 4 parametrów, określających warunki początkowe. Obliczenie wartości początkowej MMI w krwioobiegu (x_0) :

$$x_0 = \frac{\text{Dawka leku}}{\text{Objętość dystrybucji leku w organiźmie}}$$

przy czym, objętość dystrybucji metimazolu w organiźmie wynosi 3L.

Rozmiar funkcjonalny tarczycy, obliczono przekształcając pierwsze równanie różniczkowe modelu, do postaci:

$$z_0 = \frac{(s(t) - k_2 x_0)(k_a + x_0)}{k_1 x_0}$$

Stężenie początkowe FT4 (y_0) oraz przeciwciał TRAb (w_0) pochodzi z badań podczas pierwszej wizyty pacjenta.

3.6 Dane

Do artykułu [3] zostały dołączone dane z leczenia 23 pacjentów, chorych na nadczynność tarczycy Gravesa. Zawierają one informacje o poziomie fT4, TRAb oraz dniu

Parametr	Pacjent nr 20	Pacjent nr 31	Pacjent nr 55	Pacjant nr 70			
k_1	$8,374 \cdot 10^3$	$8,374 \cdot 10^3$	$8,374 \cdot 10^3$	$8,374 \cdot 10^3$			
k_2	3,3271	3,3272	3,3273	3,3274			
k_a	0,358068	0,358068	0,358068				
k_3	0,085	0,08975	0,08992	0,11784			
k_d	0,067	0,07	0,081				
k_4	0,099021	0,099021	0,099021	0,099021			
k_5	10^{6}	10^{6}	10^{6}	10^{6}			
N	0,25	0,058	0,207	0,293			
k_6	0,001	0,001	0,001	0,001			
k_7	0,26	0,061	0,22	0,308			
k_b	4,95	11,8	4,09	3,15			
k_8	0,035	0,035	0,035	0,035			

Tab. 3.1: Parametry wybranych pacjentów.

terapii, w którym badanie zostało przeprowadzone.

Autorzy posługiwali się danymi leczenia ponad 70 chorych, wybierając te, które były kompletne. U wielu pacjentów występują braki z badania TRAb. Dzieje się tak, ponieważ przy wizycie kontrolnej, pomiar fT4 jest wystarczający.

Do przeprowadzenia symulacji, są potrzebne jedynie pomiary przy pierwszej wizycie. Pomiary w trakcie leczenia zostały użyte do sprawdzenia poprawności działania modelu.

Do analizy na potrzeby tej pracy, przedstawionej w dalszej części, użyto danych 4 pacjentów. Zostały one przedstawione w tabeli (Tab. 3.1). Są to pacjenci numer 20, 31, 55 i 70.

3.7 Stabilność układu

Przeanalizowano stabilność układu dla nieleczonej nadczynności tarczycy, spowodowanej chorobą Gravesa. Posłużono się omówionym wcześniej modelem. Do analizy użyto twierdzenia o stabilności układów, bazującego na wartościach własnych.

3.7.1 Twierdzenie

Niech funkcje $f_i(y_1,y_2,...,y_n)$ mają ciągłe pochodne cząstkowe pierwszego rzędu $(\frac{\partial f_i}{\partial y_1})$, gdzie $1\leqslant i,j\leqslant n$, w otoczeniu punkt równowagi $P=(a_1,a_2,...,a_n)$ układu. Dodatkowo niech

$$J(a_1, a_2, ..., a_n) = \begin{bmatrix} (\frac{\partial f_1}{\partial y_1}) & (\frac{\partial f_1}{\partial y_2}) & \cdots & (\frac{\partial f_1}{\partial y_n}) \\ (\frac{\partial f_2}{\partial y_1}) & (\frac{\partial f_2}{\partial y_3}) & \cdots & (\frac{\partial f_2}{\partial y_n}) \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ (\frac{\partial f_n}{\partial y_1}) & (\frac{\partial f_n}{\partial y_2}) & \cdots & (\frac{\partial f_n}{\partial y_n}) \end{bmatrix},$$

gdzie pochodne cząstkowe obliczane są w punkcie $(a_1, a_2, ..., a_n)$. Wówczas:

- 1. jeżeli wszystkie wartości własne macierzy Jacobiego J(P) mają ujemne części rzeczywiste, to punkt $P=(a_1,a_2,...,a_n)$ jest asymptotycznie stabilnym punktem równowagi układu
- 2. jeżeli co najmniej jedna wartość własna macierzy J(P) ma dodatnią część rzeczywistą, to punkt $P = (a_1, a_2, ..., a_n)$ jest niestabilnym punktem równowagi układu autonomicznego.

3.7.2 Analiza stabilności

Gdy nie podaje się metimazolu s(t)=0, stan nadczynności tarczycy opisuje się jako $E_1=(x_1,y_1,z_1,w_1)$, gdzie

$$\begin{cases} x_1 = 0 \\ y_1 = \frac{k_3 k_3^2}{k_4 k_8 N (k_8 k d + k7)} \\ z_1 = \frac{k_7}{k_8 N} \\ w_1 = \frac{k_7}{k_8} \end{cases}$$
(3.6)

Obliczając pochodne cząstkowe modelu f'(x, y, z, w), otrzymujemy następującą macierz o wymiarach 4x4.

$$J = \begin{bmatrix} \frac{-(k_1k_az + k_2(x + k_a)^2)}{(x + k_a)^2} & 0 & \frac{-xk_1}{(x + k_a)} & 0\\ 0 & -k_4 & \frac{wk_3}{w + k_d} & \frac{zk_3k_d}{(w + k_d)^2}\\ -zk_6 & 0 & \frac{-wk_5}{z^2} - xk_6 & \frac{k_5}{z}\\ \frac{-k_7k_b}{(x + k_b)^2} & 0 & 0 & -k_8 \end{bmatrix},$$

Podstawiając do macierzy warunki początkowe, określone w układzie 3.6, otrzymujemy macierz

$$J = \begin{bmatrix} -\frac{k_1 k_7}{k_8 N k_a} - k_2 & 0 & 0 & 0\\ 0 & -k_4 & \frac{k_3 k_7}{k_8 k_d + k_7} & \frac{k_3 k_7 k_8 k_d}{N (k_8 k_d + k_7)^2}\\ -\frac{k_6 k_7}{k_8 N} & 0 & \frac{k_5 k_8 N^2}{k_7} & \frac{k_5 k_8 N}{k_7}\\ \frac{k_7}{k_b} & 0 & 0 & -k_8 \end{bmatrix},$$

Wartości własne macierzy oblicza się za pomocą równania charakterystycznego macierzy w postaci $det(J - \lambda I) = 0$. Wartości własne przedstawiają się następująco:

$$\begin{cases} \lambda_1 = -k_4 \\ \lambda_2 = -k_8 \\ \lambda_3 = -\frac{k_1 k_7}{k_8 N k_a} - k_2 \\ \lambda_4 = -\frac{k_5 k_8 N^2}{k_7} \end{cases}$$
(3.7)

Wszystkie wartości własne mają znak ujemny oraz parametry je opisujące są dodatnie. Wynika z tego, że wszystkie wartości własne omawianej macierzy J mają ujemne części rzeczywiste. Według twierdzenia o stabilności układu, układ jest układem asymptotycznie stabilnym.

Szczegółowe obliczenia zostały przedstawione w dodatku. (ref - kiedy już będzie dodatek)

4. Część konstrukcyjna/Specyfikacja wewnętrzna

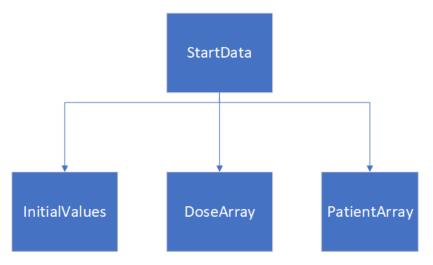
Projekt został zrealizowany w programie MATLAB. Jest to środowisko do wykonywania obliczeń naukowych i inżynierskich, oraz do tworzenia symulacji komputerowych [1]. Do utworzenia graficznego interfejsu, użyto środowiska Appdesigner, który jest stosunkowo nowym narzędziem programu MATLAB.

4.1 Interfejsy i klasy

Utworzono kilka interfejsów i klas. Zawarto jest w tabeli (Tab. 4.1).

Tab. 4.1: Klasy i interfejsy aplikacji.

Zmienna	Opis			
Patient	parametry pacjenta oraz wyniki pierwszego badania fT4 i TRAb.			
Dose	ilość metimazolu i czasu dawki leczenia.			
InitialValues	warunki początkowe symulacji.			
StabilityPoint	punkty w przestrzeni, w których układ osiąga stabilność.			
Eigen	wartości własne układu.			
Т	wektor z punktami czasowymi symulacji.			
X	rozwiązania równań różniczkowych w czasie.			
StartData	wszystkie pola i struktury potrzebne do startu aplikacji.			
Simulation	wszystkie pola i struktury potrzebne do rozpoczęcia symulacji.			
SimulationResult	wszystkie pola i struktury potrzebne do wyświetlenia wyników symulacji.			



Rys. 4.1: Interfejs StartData.

Aplikacja przesyła dane głównie pomiędzy 2 widokami:

- 1. App Aplikacja jest inicjalizowana. Wczytujemy dane, wybieramy szczegóły symulacji oraz ją rozpoczynamy.
- 2. SimulationView W tym widoku obserwujemy symulację.

4.2 Przepływ danych w aplikacji

Do przekazania danych pomiędzy widokami aplikacji, służą głównie 3 interfejsy. Są to:

- 1. StartData (Rys. 4.1)
- 2. Simulation (Rys. 5.4)
- 3. SimulationResult (Rys. 4.3)

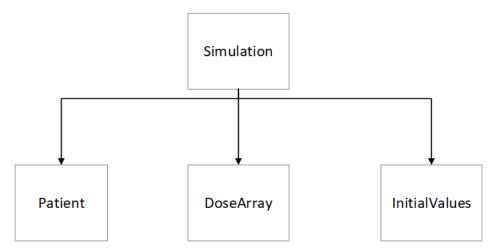
Na diagramach przedstawiono składowe 3 głównych interfejsów.

4.3 Metody utworzonego programu

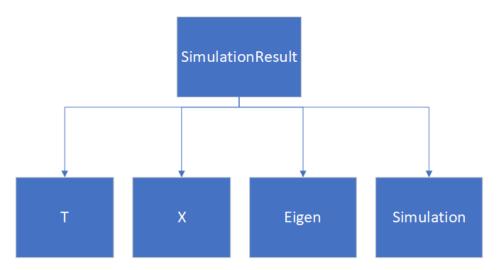
Simulate

Metoda Simulate przyjmuje obiekt typu Simulation (Rys. 5.4) i zwraca Simulation-Result (Rys. 4.3).

function SimulationResult = Simulate(Simulation)



Rys. 4.2: Interfejs Simulation.



Rys. 4.3: Interfejs SimulationResult.

Uklad_rownan

Metoda uklad_rownan przyjmuje chwilę czasową t, warunki początkowe układu, parametry pacjenta oraz dawki leczenia. Metoda ta jest wykorzystywana przez solver ode45 do symulacji układu w każdej chwili czasowej t. Zwraca rozwiązania układu równań.

TreatmentDose

Metoda treatmentDose przyjmuje dawki leku, liczbę dni leczenia oraz chwilę czasową t. Metoda ta jest wykorzystywana przez solver ode45, do obliczania przyjmowanej

ilości MMI czyli funkcji s(t).

```
function s = treatmentDose(DOSES, DAYS, t)
```

Stability_points

Metoda stability_points przyjmuje parametry pacjenta i zwraca punkt w przestrzeni 4-wymiarowej, w którym układ osiągnie stabilność.

```
function points = stability_points(patient)
```

JacobainMatrix

Metoda JacobainMatrix przyjmuje parametry pacjenta i warunki początkowe. Zwraca macierz Jacobiego dla danego układu.

```
function matrix = JacobainMatrix( patient, initialValues )
```

ConvertStringToNArray

Metoda convertStringToNArray konwertuje napis, na tablice. Jako, że jest to osobna metoda w programie, została sprawdzona testem jednostkowym.

```
function [arrayOutput] = convertStringInputToNArray(textInput)
```

Test_convertStringInputToNArray

Test jednostkowy - implementacja skryptu:

```
input = '10, 12, 20, 30';
expected = [10 12 20 30 0]; % N element array

result = convertStringInputToNArray(input, 5);

if isequal(result, expected)
    disp('convertStringInputToNArray correct!');
else
    disp('convertStringInputToNArray failed!');
end
```

ParsingErrorDialog

Niektóre z wprowadzanych danych są napisami, dlatego aplikacja jest zabezpieczona przed niepoprawnymi wpisami. Użytkownik otrzymuje stosowne powiadomienie o błędzie, dzięki funkcji parsingErrorDialog.

function parsingErrorDialog(axis)

Show_simulation

Do narysowania wyników symulacji w czasie służy metoda show_simulation. Przyjmuje ona miejsce wykresu (UIAxes), dane do wykreślenia (T, X) oraz tytuł wykresu (pLabel).

```
function show_simulation( UIAxes, T, X, pLabel )
```

PrintFigure

Appdesigner nie obsługuje zaawansowanej manipulacji wykresami, dlatego do zapisywania należy utworzyć figure typu widmo, kopiując wszystkie informacje z poprzedniego wykresu. Służy do tego metoda printFigure.

```
function printFigure(plotFigure, name)
```

$Plot_phase$

Do narysowania portretów fazowych symulacji, służy metoda plot_phase.

```
function plot_phase(ax, x, y, px, py, xlab, ylab)
```

FindFT4NormalRange

FindFT4NormalRange jest funkcją dodatkową. Nie jest zaimplementowana w graficznym interfejsie aplikacji. Wypisuje w konsoli programu Matlab ilość dni, po których pacjent, osiąga graniczny poziom fT4, dla człowieka zdrowego.

```
function timeUpFT4 = findFT4NormalRange(T, X)
```

4.4 Wykorzystane funkcje programu Matlab

Ode45

Do rozwiązywania równań różniczkowych użyto funkcji **ode45**. Początkowo użyto bazowej wersji funkcji ode45:

```
[t,y] = ode45(odefun(t,y,A,B),tspan,y0)
```

gdzie:

Parametrami funkcji są

- odefun funkcja zwracająca równania różniczkowe w punkcie t. Funkcja ta została opisana w dalszej części pracy. 4.3
- tspan przedział czasowy symulacji
- y0 punkty początkowe równań
- A i B wektory z dodatkowymi parametrami

Wynikiem funkcji są

- t wektor czasowy rozwiązania układu równań różniczkowych
- y wektory rozwiązań układu równań różniczkowych

Dla optymalizacji pamięci programu użyto przeciążenia metody, która może przyjąć dodatkowe parametry A i B, bez umieszczania ich w macierzy wynikowej y. Za ich pomocą przekazywane są dane wybranego pacjenta oraz dawki leczenia. Dzięki takiemu rozwiązaniu, symulacja zajmuje ponad 4 razy mniej miejsca pamięci RAM.

```
[t,y] = ode45(@(t,y) odefcn(t,y,A,B), tspan, y0);
```

Eig

```
e = eig(A)
```

Funkcja przyjmuje macierz kwadratową A. Zwraca wektor kolumnowy z wartościami własnymi przyjętej macierzy.

Solve

```
results = solve(eqns, syms);
```

Funkcja rozwiązuje układy równań używając zmiennych symbolicznych. Przyjmuje 2 parametry

- eqns tablicę równań
- syms tablicę zmiennych symbolicznych użytych w równaniach

Zwraca wyniki dla zmiennych symbolicznych.

Find

k = find(X,n,direction)

Funkcja przeszukuje wartości tablicy lub listy, zwracając indeksy, w których równanie jest prawdziwe. Przyjmuje 3 zmienne

- $\bullet\,$ X równanie zawierające tablicę do przeszukania i zmienną do której przyrównuje
- n ilość indeksów, które pierwsze zostaną przyporządkowane
- direction kierunek przyporządkowania

Strsplit

C = strsplit(str,delimiter)

Funkcja dzieli napis na tablicę napisów w miejscach określonego znaku. Funkcja zwraca tablicę napisów.

- str napis
- delimeter znak, w którego miejscach napis jest rozłączany

5. Instrukcja obsługi/Specyfikacja zewnętrzna

W tej części zostanie szczegółowo omówiony program autora pracy wraz z instrukcją jego obsługi.

5.1 Okno główne

Na rysunku (Rys. 5.1) przedstawiono główne okno aplikacji. Służy ono do konfiguracji symulacji. Można podzielić ja na 3 różne części.

5.1.1 Wybór pacjenta

W pierwszej części, którą przedstawia zdjęcie (Rys. 5.2) wybiera się pacjenta, na którym przeprowadzane są symulacje. Parametry, które go opisują przedstawia tabela. Do wyboru jest 4 pacjentów (Rys. 5.3), którzy są analizowani w tej pracy. Dodatkowych pacjentów należy dodać z poziomu kodu.

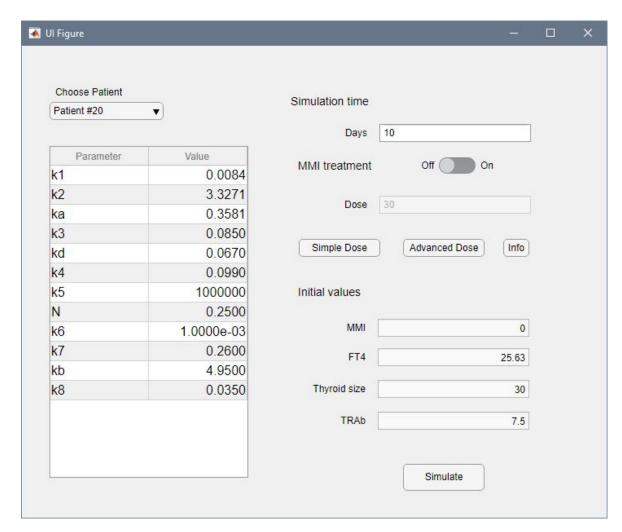
5.1.2 Wybór parametrów symulacji

Ta część służy do wyboru parametrów symulacji (Rys. 5.4): czasu, leczenia i dawki metimazolu. W pierszym polu wpisuje się czas symulacji wyrażony w dniach. Następnie na włączniku, możemy wybrać, leczenie lub brak leczenia dla pacjenta. Włączenie terapii aktywuje pole dawki leku, w którym wybiera się ilość metimazolu, jaką codziennie przyjmuje pacjent.

Terapie mogą być bardzo skomplikowane, dlatego istnieje możliwość utworzenia serii leczenia. Wystarczy wpisać w te pola kilka wartości po przecinku. Dla ułatwienia pod spodem znajdują się 3 przyciski. Pierwsze 2 - "Simple Dose" i "Advanced Dose" automatycznie wpisują w omawiane wcześniej pola przykładowe terapie. Trzeci przycisk daje informację, jak wypełniać pola. Na rysunku (Rys. 5.5) pokazano przykładową zaawansowaną terapię.

5.1.3 Warunki początkowe

Warunki początkowe są w pełni zautomatyzowane. Są pokazane na rysunku (Rys. 5.6). Poziom fT4, przeciwciał i wielkość komórek ustalają się po wyborze pacjenta. Pole



Rys. 5.1: Okno główne aplikacji.

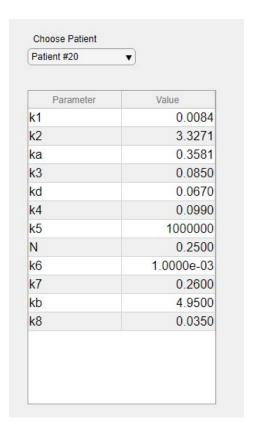
MMI ustawia się po wybraniu dawki.

5.1.4 Symulacja

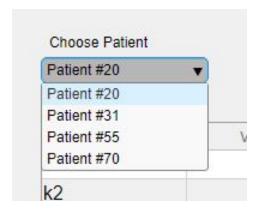
Naciśnięcie przycisku symulacji, rozpoczyna obliczenia. Oczekiwanie potwierdza okno modalne z paskiem postępu (Rys. 5.7).

5.2 Okno symulacji

Niedokończone



Rys. 5.2: Wybór pacjenta.



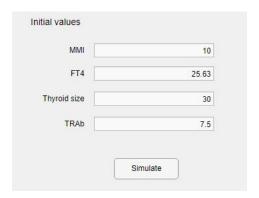
Rys. 5.3: Lista wyboru pacjenta.



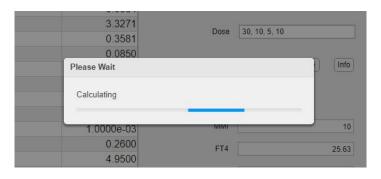
Rys. 5.4: Konfiguracja symulacji bez leczenia.



Rys. 5.5: Konfiguracja zaawansowanego leczenia.



Rys. 5.6: Przykładowe warunki początkowe.



Rys. 5.7: Okno modalne oczekiwania na obliczenia.

W oparciu o program stworzony przez autora pracy, symulowano różne scenariusze terapii pacjentów. Do analizy modelu użyto danych 4 pacjentów(Ref. 3.6), zmagających się z nadczynnością tarczycy Gravesa—Basedowa. W tej części pracy zostały przedstawione symulacje leczenia chorych.

6.1 Wstępne porównanie pacjentów

Na wykresie (Rys. 6.1) porównano analizowanych pacjentów, ze względu na zmierzone wartości fT4 i TRAb. Badanie miało miejsce podczas pierwszej wizyty u lekarza.

Na największą nadczynność tarczycy, według poziomu fT4, cierpi pacjent numer 70. Potwierdza to najwyższy poziom przeciwciał TRAb w jego krwi. Poziom fT4 pozostałych pacjentów jest zbliżony. Pacjent numer 30 ma znacząco niższą wartość przeciwciał. Jego organizm może być bardzo czuły na występowanie przeciwciał lub nadczynność jest spowodowana innym czynnikiem.

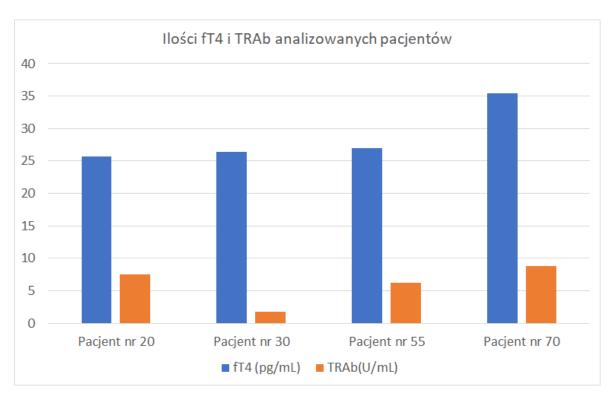
6.2 Pacjent numer 20

Na początku analizowano stan pacjenta, bez podania leku. Poziom FT4 pacjenta wynosi 25,63 pg/ml. Jest to znacznie powyżej normy (7-18 pg/ml). Świadczy to o nadczynności tarczycy. Przy symulacji trwającej 10 dni, żadne przebiegi czasowe nie ulegają zmianie. Można to zaobserwować na rysunku (Rys. 6.2). Dla nieskończenie długiego okresu, rezultaty są takie same. Wynika to z faktu, że przy braku leczenia, model jest asymptotycznie stabilny.

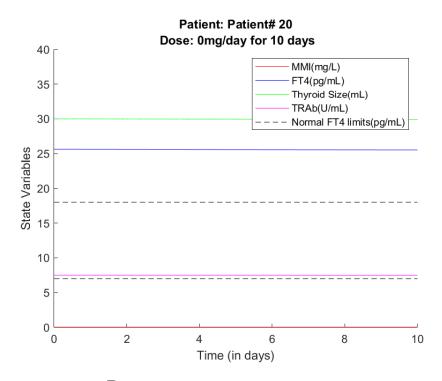
Po jednorazowym podaniu 30 mg MMI (Rys. 6.3), lek zostaje całkowicie wydalony przez organizm w czasie jednego dnia. Ta dawka nie ma znaczącego wpływu na funkcje tarczycy.

Przy podawaniu 30mg leku przez 120 dni, stan gospodarki hormonalnej tarczycy pacjenta, znacząco się zmienił (Rys. 6.4). Po około 30 dniach, poziom FT4 pacjenta osiągnął graniczny poziom dla osoby zdrowej. Kontynuowanie terapii przy tej samej dawce, skutkuje ciągłym obniżaniem się hormonu. Na skutek tego, po 90 dniach osiąga poziom świadczący o niedoczynności tarczycy.

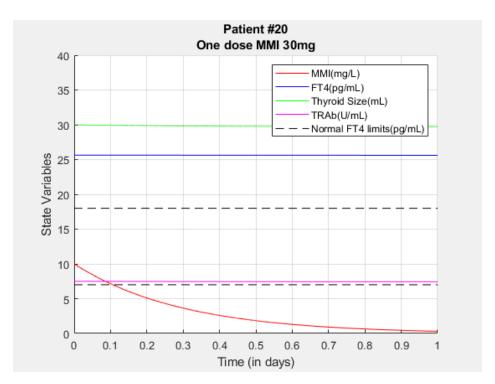
Jak pokazano na wykresie (Rys. 6.5) przy podawaniu dawki 30 mg przez 75 dni i odstawieniu leku, pacjent powrócił do stanu nadczynności tarczycy. Trwało to około 35 dni. Pacjent wymaga następnej serii leczenia.



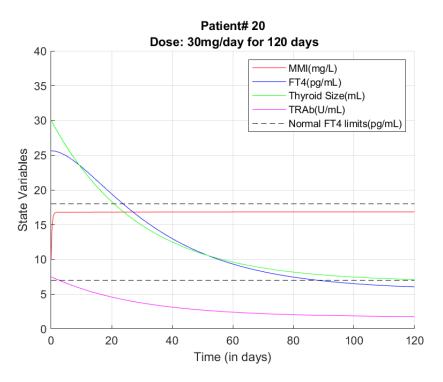
Rys. 6.1: Porównanie fT4 i TRAb analizowanych pacjentów.



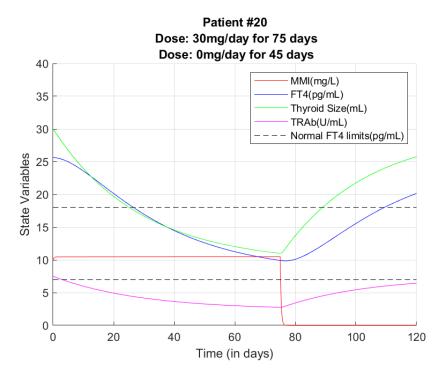
Rys. 6.2: Pacjent nr 20, nie leczony.



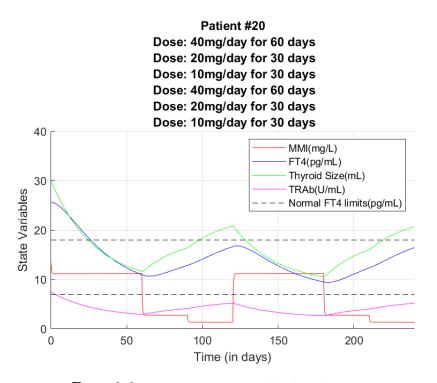
Rys. 6.3: Pacjent nr 20, leczony 30 mg leku.



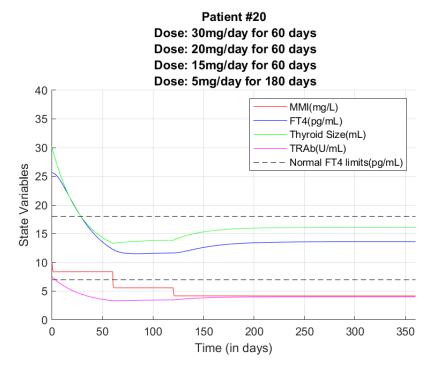
Rys. 6.4: Pacjent nr 20, leczony dawką 30 mg leku przez 120 dni.



Rys. 6.5: Pacjent nr 20, leczenie i obserwacja.



Rys. 6.6: Pacjent nr 20, przykładowe leczenie.



Rys. 6.7: Pacjent nr 20, sugerowane leczenie.

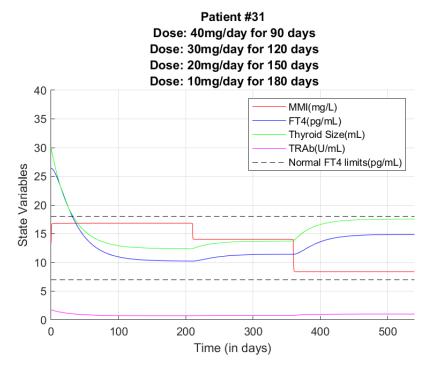
Na rysunku (Rys. 6.6), pokazano przykładowe leczenie pacjenta numer 20. Przy leczeniu dawką 30 mg przez 2 miesiące, stężenie FT4 pacjenta osiągnęło górną graniczną wartość po 27 dniach. Po 60 dniach wynosiło 12,3 pg/ml. Postanowiono zwiększyć dawkę metizamolu do 40 mg dziennie. Graniczna wartość została osiągnięta po 25 dniach, a stężenie pod koniec etapu wyniosło 10,97 pg/ml. Następnie zmniejszono dawkę do 20 pg/ml i 10 pg/ml. Po tym okresie należy zaobserwować czy choroba jest w stadium reemisji. Jeśli tak, należy zacząć serię leczenia od początku.

W artykue A. Prakash'a [2], opisane zostały różne stosowane metody leczenia choroby Gravesa. Niektóre z badań wskazują, że duże dawki metimazolu i krótka terapia zwiększają ryzyko wystąpienia nawrotów choroby. Optymalna długość terapii powinna wynosić 12-18 miesięcy. Przy 18-miesięcznej terapii, ryzyko nawrotu choroby to 37%. 6-miesięczna terapia wywoła nawrót u 58% leczonych.

Sugerowana terapia dla pacjenta nr 20 przedstawia się następująco (Rys. 6.7). FT4 człowieka zdrowego osiąga po 27 dniach terapii.

6.3 Pacjent numer 31

Pacjent numer 31 jest odmiennym przypadkiem. Jego poziom przeciwciał jest niski w odniesieniu do innych pacjentów, przy podobnym stężeniu fT4. Symulacje wykazały, że jest mało wrażliwy na leczenie metimazolem. Dla tego pacjenta, warto rozpatrywać inne metody leczenia. Sugerowane leczenie obejmuje większe dawki leku. Sugerowana terapia trwa 180 dni (Rys. 6.8), przy czym ostatnie 6 miesięcy, pacjent dostaje 10 mg



Rys. 6.8: Pacjent nr 31, sugerowane leczenie.

MMI.

6.4 Pacient numer 55

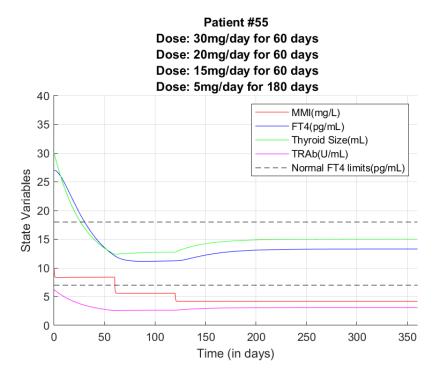
Rysunek (Rys. 6.9) sugeruje leczenie pacjenta numer 55. Zastosowano to samo leczenie, co w przypadku pacjenta nr 20 (Rys. 6.6). Po 29 dniach jego poziom fT4 odpowiada górnej granicy osoby zdrowej. Po 60 dniach, może obniżyć dawkę z 30 do 20 mg.

6.5 Pacjent numer 70

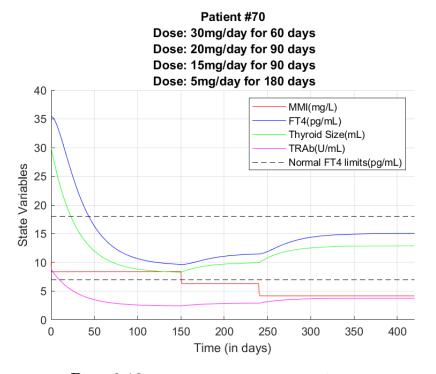
Pacjent nr 70 ma najwyższy początkowy poziom fT4. Proponowana terapia trwa 14 miesięcy (Rys. 6.10). Jako, że jego poziom ft4 koreluje z wysokim poziomem TRAb, chory dobrze reaguje na leczenie. FT4 osoby zdrowej osiąga po 42 dniach.

6.6 Porównanie zapotrzebowania na lek

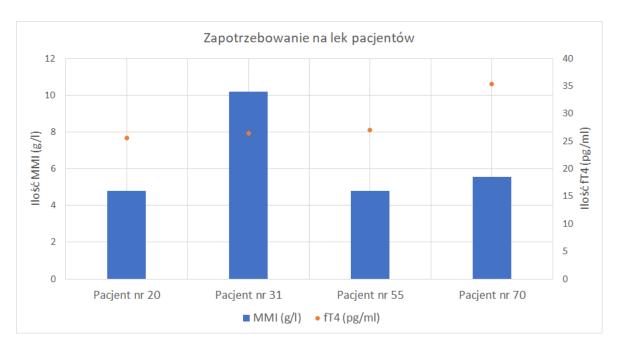
Przeanalizowano zapotrzebowanie na lek omawianych w pracy pacjentów. Zsumowano ilość przyjętego leku, podczas sugerowanego leczenia, przez okres pierwszych 360 dni. Dla niektórych, jest to koniec terapii. Wyniki przedstawione zostały na wykresie (Rys. 6.11). 3/4 pacjentów przyjmie około 5g leku. Pacjent numer 31 musi przyjąć 10g leku oraz będzie kontynuował leczenie przez 6 miesięcy.



Rys. 6.9: Pacjent nr 55, sugerowane leczenie.



Rys. 6.10: Pacjent nr 70, sugerowane leczenie.



 $\mathbf{Rys.}$ 6.11: Porównanie zapotrzebowania na lek pacjentów.

7. Podsumowanie

7.1 Wnioski

- Czas leczenia może, ale nie musi wpływać na prawdopodobieństwo reemisji.
- Zwiększenie dawki leku przyśpiesza obniżenie poziomu hormonów tarczycy.
- Model pozwala przewidzieć, kiedy może nastąpić reemisja choroby.
- Model nie pozwala przewidzieć czy nastąpi reemisja choroby.

Bibliografia

- [1] Math. graphics. programming. https://www.mathworks.com/products/matlab.html. [Online; dostęp 20.12.2018].
- [2] A. Prakash, A. S. Current and emerging treatment options for graves' hyperthyroidism. *Dove Medical Press Ltd.* (2010).
- [3] B. Pandiyan, S. J. M. A patient-specific treatment model for graves' hyperthyroidism. *Theoretical Biology and Medical Modelling* (2018).
- [4] MAJEWSKA, M. Przeciwciała przeciwtarczycowe trab normy i wyniki badania. https://www.poradnikzdrowie.pl/sprawdz-sie/badania/przeciwciala-przeciwtarczycowe-trab-normy-i-wyniki-badania-aa-cAaA-89ri-hwkg.html, 2016. [Online; dostęp 19.16.2018].
- [5] WIKIPEDIA. *Tarczyca*. Wikimedia Foundation, 2018.
- [6] WIZU. Badanie ft4, co pozwala określić. http://zdrowie.gazeta.pl/Zdrowie/7,101459,23027741,badanie-ft4-co-pozwala-okreslic.html, 2018. [Online; dostęp 19.16.2018].